

RefineWall

<https://refinewallfront.herokuapp.com>

BUSCA POR ID (Sucest Gene ou Unique Identifier)

A seguir, são exemplificadas duas buscas, a primeira refere-se a um gene Sucest e a segunda a um *Unique Identifier*.

Exemplo: Busca por gene Sucest

SCACLR1129F10.g

Sequence Id

Search







Resultado do blast do gene sucest

Sucest Blast Exportar

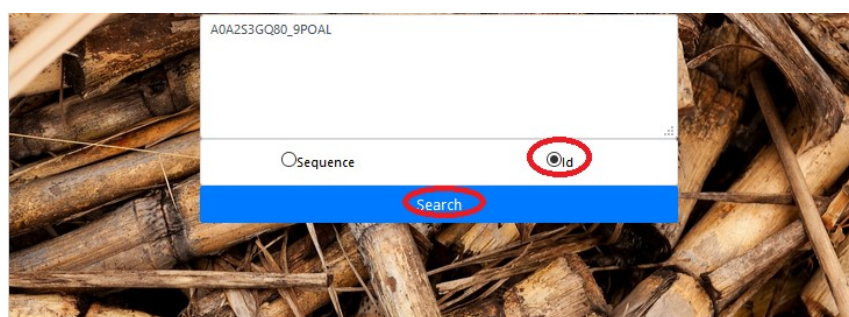
Gene	Description	Domain	Details
SCACLR1129F10.g	Carbohydrate metabolism[several pathways (several putative substrates)]Cell wall glucosyltransferase	NA	

Classificação feita pelo Arthur

Consultar sequência e o arquivo completo de processamento do blast

Sucest	Blast				
Search..					
Sucest	Id	Description	Score	Evalue	Details
SCACLR1129F10.g	C5XVQ6_SORBI	Glycosyltransferase	76.6	6e-16	
SCACLR1129F10.g	A0A2S3GQ80_9POAL	Uncharacterized protein	70.5	9e-14	
SCACLR1129F10.g	A0A287VHW4_HORVV	Glycosyltransferase	70.1	1e-13	
SCACLR1129F10.g	A0A2T7F848_9POAL	Uncharacterized protein	69.7	2e-13	
SCACLR1129F10.g	Q5UB80_ARATH	Glycosyltransferase	68.2	6e-13	
SCACLR1129F10.g	A0A0D3CCC3_BRAOL	Glycosyltransferase	64.7	1e-11	

Exemplo: Busca por Unique Identifier




A0A2S3GQ80_9POAL

☐ Sequence ☒ Id




Search

Sucest

Blast



Search...

Gene	Description	Domain	Details
SCACLR1129F10.g	Carbohydrate metabolism several pathways (several putative substrates) Cell wall glucosyltransferase	NA	
SCEPLB1043G04.g	Carbohydrate metabolism several pathways (several putative substrates) Cell wall glucosyltransferase	NA	
SCSFAD1070A03.g	Carbohydrate metabolism several pathways (several putative substrates) Cell wall glucosyltransferase	O	

Sucest

Blast

Search..

Sucest	Id	Description	Score	Evalue	Details
SCSFAD1070A03.g	A0A2S3GQ80_9POAL	Uncharacterized protein	268	4e-86	Details
SCEPLB1043G04.g	A0A2S3GQ80_9POAL	Uncharacterized protein	251	5e-79	Details
SCRUAD1131C06.g	A0A2S3GQ80_9POAL	Uncharacterized protein OS=Panicu	243	2e-76	Details
SCRUAD1131C06.g	A0A2S3GQ80_9POAL	Uncharacterized protein OS=Panicu	243	2e-76	Details

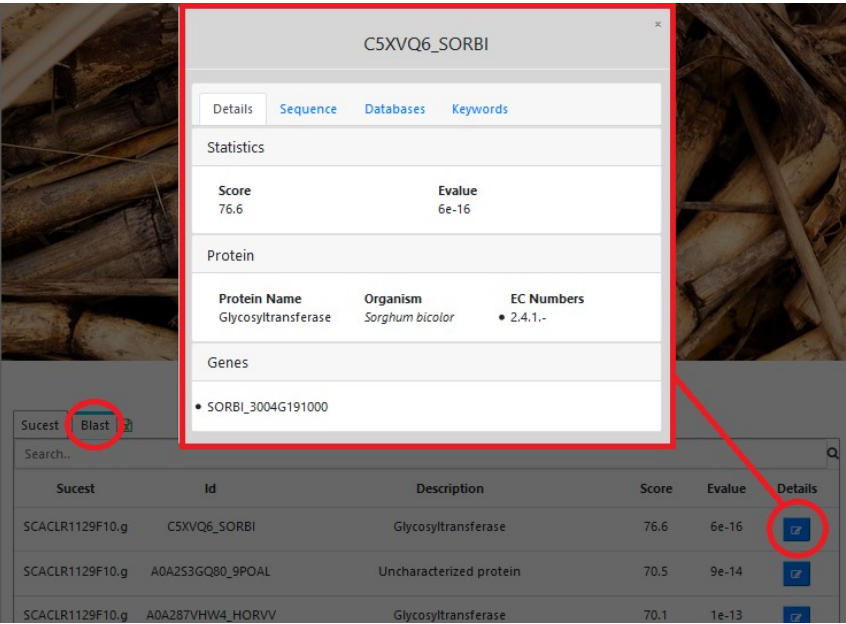
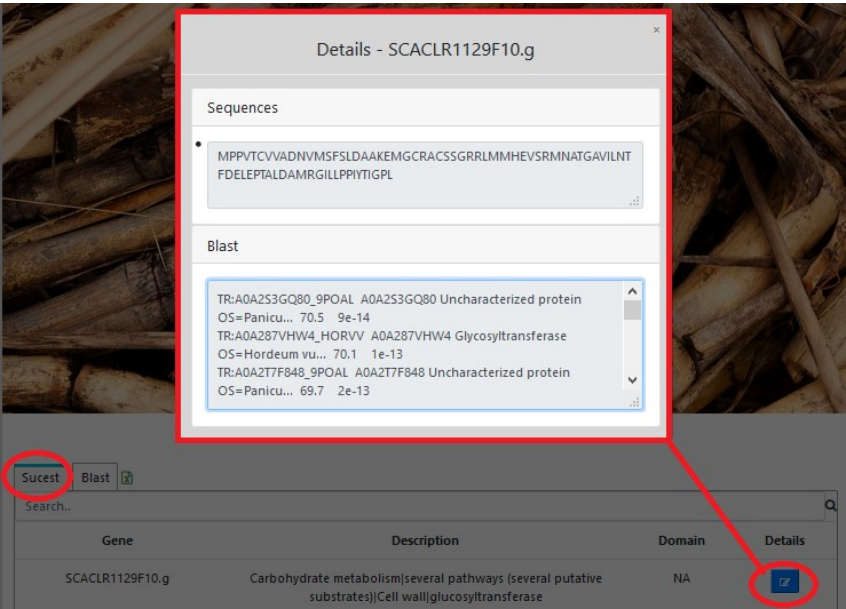
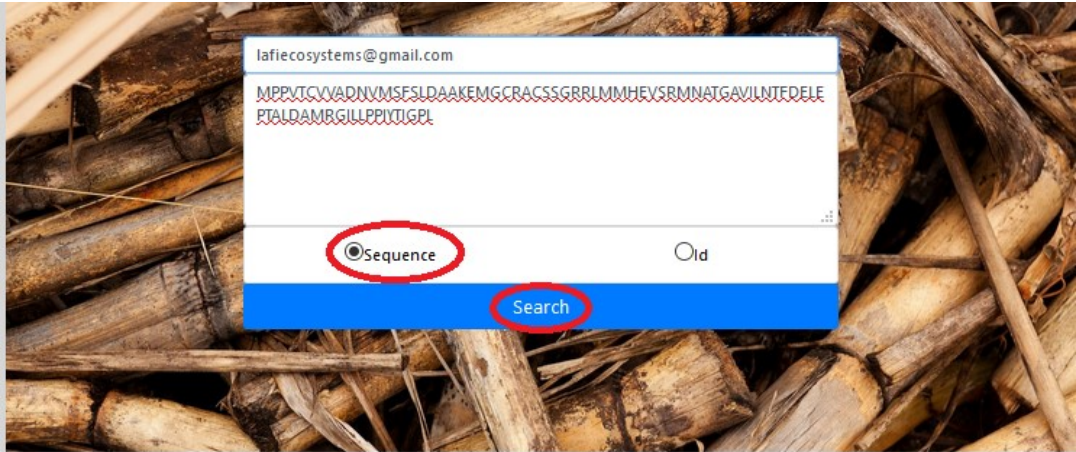
BUSCA POR SEQUÊNCIA DE AMINOÁCIDOS

Inicialmente, o sistema procura por gene Sucest que possua a respectiva sequência na base de dados do próprio sistema. Se não encontrar, então processa um **BlastP** no NCBI e, em seguida, obtém o resultado desse processamento. É importante ressaltar que o NCBI exige e-mail para realizar o processamento e confere a validade deste, então se for inserido um **e-mail inválido** no formulário ocorrerá erro.

Além disso, a plataforma que o sistema está hospedado (Heroku.com) espera por padrão uma resposta do sistema em 30 segundos e retorna erro se não obtiver. Assim, se ocorrer erro ao realizar uma busca, tente novamente antes de acionar o suporte.

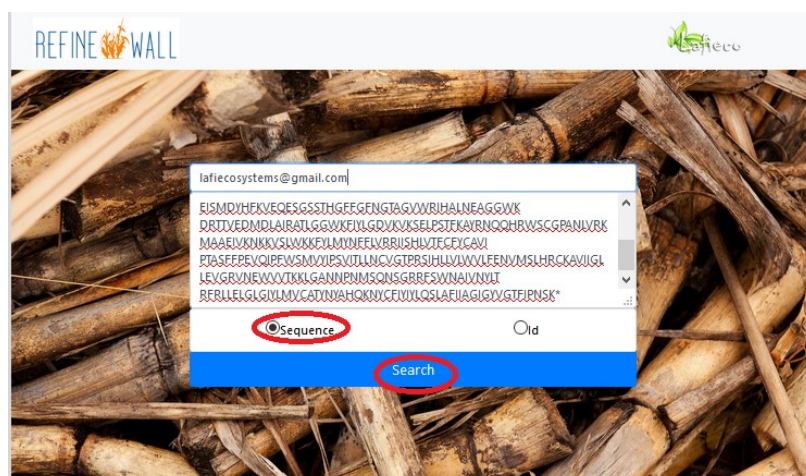
A seguir, são exemplificadas duas buscas, a primeira refere-se a uma sequência que existe na base de dados do sistema e a segunda a uma sequência de um gene de celulose de *Spirodela* obtida no endereço <https://phytozome.jgi.doe.gov/pz/portal.html>.

Exemplo: Busca de sequência existente na base de dados do sistema



Exemplo: Busca a sequência, abaixo, de um gene de celulose de Spirodela (não existente na base de dados do sistema).

```
MSDSVMRVALRAQEAVGLPPIVDWGTIMQAFNQVRSVILPLLTFSVWLCVVGSSMLLAEKVFMGVSLLVKILRRPN
RIYPC
APLAEEDELGTAAYPMVIVQIPMYNEKEVYHLSIGAACSLQWPADRLIVQVLDDSTEPLIKDLVQKECEKWSAKGVNRYER
RGDRRGYKAGALREGMKH
SYVDECDYVAIFDADFQPESDLTRTPFLVHNPEVALVQARWKFNADDECLMTRIQEISMDYHFKVEQESGSTHGGFFG
NGTAGVWRIHALNEAGGWK
DRTTVEDMDLAIRATLGGWKFIYLGDKVKSELPSTFKAYRNQQRWSCGPANLVRKMAAEIVKNKKVSLWKKFYLMYNF
FLVRRISHLVTFYCAVI
PTASFFPEVQIPFWSMVYIPSVITLLNCVGTTPRSIHLLVLWVLFENVMSLHRCXAVIIGLLEVGRVNEWVVTCKLGANNPNM
SQNSGRRFWSNAIVNYLT
RFRLLLEGLGIYLMVCATYNYAHQKNYCFIYIYQLSLAFIAGIGYVGTFFIPNSK*
```



Para os 10 maiores scores do resultado do blast o sistema procurará automaticamente por genes Sucest relacionados, sendo que os demais scores aparecerão sem gene Sucest, no entanto o usuário pode, se desejar, realizar a busca pelo *Unique Identifier* para consultar os genes sucests vinculados. Esta limitação de 10 scores foi imposta por se tratar de um processamento custoso ao servidor, o qual possui capacidade de processamento limitada, sendo um ponto de melhoria para futuras versões do sistema.

Sucest

Blast

Search...

Gene	Description	Domain	Details
SCJLFL3019G10.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall cellulose synthase like (CSL)	NA	Details
SCRUAD1135H08.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall Cellulose synthase like (CSL)	H	Details
SCQGRT1044A07.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall Cellulose synthase like (CSL) putative mannan synthase	H	Details
SCVPAM1058E05.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall cellulose synthase like (CSL)	NA	Details
SCSBFL5016B01.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall Cellulose synthase like (CSL) putative mannan synthase	H or H/P	Details
SCCCCL4002D03.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall Cellulose synthase like (CSL) putative mannan synthase	H	Details
SCCCLB1C06E01.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall Cellulose synthase like (CSL) putative mannan synthase	H	Details
SCSBRZ3121G09.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall Cellulose synthase like (CSL)	NA	Details
SCCCRZ1002H02.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall Cellulose synthase like (CSL) putative mannan synthase	H	Details
SCUTAM2005A05.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell wall Cellulose synthase like (CSL) putative mannan synthase	H or H/P	Details
SCCCLB1004G04.g	Cell wall metabolism Polysaccharide biosynthesis Cell	H	Details

Sucest

Blast

Search..

Sucest	Id	Description	Score	Evalue	Details
SCQGRT1044A07.g	E9NYT6_AMOKO	Putative mannan synthase	791	0.0	🔗
SCVPAM1058E05.g	E9NYT6_AMOKO	Putative mannan synthase	791	0.0	🔗
SCCCCL4002D03.g	E9NYT6_AMOKO	Putative mannan synthase	791	0.0	🔗
SCCCLB1C06E01.g	E9NYT6_AMOKO	Putative mannan synthase	791	0.0	🔗
SCSBRZ3121G09.g	E9NYT6_AMOKO	Putative mannan synthase	791	0.0	🔗
SCCCRZ1002H02.g	E9NYT6_AMOKO	Putative mannan synthase	791	0.0	🔗
SCUTAM2005A05.g	E9NYT6_AMOKO	Putative mannan synthase	791	0.0	🔗
SCJLFL3019G10.g	A0A2H3XHN0_PHODC	glucomannan 4-beta-mannosyltransferase 1-like isoform X1	736	0.0	🔗
SCQGRT1044A07.g	A0A2H3XHN0_PHODC	glucomannan 4-beta-mannosyltransferase 1-like isoform X1	736	0.0	🔗
SCVPAM1058E05.g	A0A2H3XHN0_PHODC	glucomannan 4-beta-mannosyltransferase 1-like isoform X1	736	0.0	🔗
SCSBFL5016B01.g	A0A2H3XHN0_PHODC	glucomannan 4-beta-mannosyltransferase 1-like isoform X1	736	0.0	🔗
SCCCCL4002D03.g	A0A2H3XHN0_PHODC	glucomannan 4-beta-mannosyltransferase 1-like isoform X1	736	0.0	🔗