



Offre d'emploi CDD - 6 mois Bioinformaticien (ne) – H/F

ARVALIS-Institut du végétal, organisme de recherche appliquée, financé et géré par les producteurs, produit des références technico-économiques et agronomiques directement applicables dans les systèmes de production. ARVALIS a pour vocation d'être, par sa capacité d'expertise scientifique, un référent technique pour les agriculteurs, les filières et les pouvoirs publics français et européens. Le champ de compétence de l'Institut couvre les techniques de production, la récolte, le stockage et la conservation ainsi que les aspects qualitatifs des productions pour l'ensemble des débouchés.

Le pôle Valorisation de la Génomique (VALGEN) au sein du Service Adaptation des cultures aux agro-climats, Génétique et Phénotypage (SAGEP) a pour objectif, entre autres, le développement des outils génétique (marqueurs génétiques) et génomique (séquences ADN, Génome, Annotation) pour la caractérisation des variétés et l'appui à la sélection variétale pour plusieurs cultures telles que le Blé tendre, Blé dur, Orge, Maïs, Lin etc...

Dans le cadre d'un projet génomique sur le lin, ARVALIS - Institut du végétal, recherche un Bioinformaticien (ne) pour venir en appui au responsable du projet et aux partenaires du projet.

Les missions :

Ses missions seront concentrées autour des activités suivantes :

- Contrôle qualité et nettoyage des séquences d'ADN brutes (Illumina, Oxford Nanopore Technologies et/ou PacBio sequencing)
- Assemblage de novo de génomes de lin fibre et oléagineux
- Amélioration des assemblages à l'aide de carte optique (Bionano genomics) et de cartes génétiques
- Annotation des génomes à l'aide des outils bioinformatiques d'annotation de séquences et à l'aide d'assemblage de transcriptome de novo
- Appels de variants à partir des données de reséquençage
- Rédaction d'un rapport scientifique des résultats de ces activités

Les missions seront réalisées en interaction avec les représentants des partenaires du projet : LINEA Semences et l'équipe EPGV de l'INRAE Evry.

Profil :

De formation Master 2 Bioinformatique ou Ingénieur agro spécialité Bioinformatique ou Analyse computationnelle, le (la) Bioinformaticien (ne) recruté devra :

- Avoir une première expérience en analyse bioinformatique de données de séquences issues de différentes technologies de séquençage telles que Illumina, Oxford Nanopore Technologies, etc. et/ou des données de carte optique (Bionano genomics).
- Maîtriser les outils bioinformatique d'analyse de séquences d'ADN, d'assemblage de génome, d'annotation de séquences d'ADN (et de génome)

- Avoir une forte capacité et expérience de travail et d'analyse sur les clusters et centre de calculs bioinformatique de même qu'une forte maîtrise des langages de programmation python et Perl
- Avoir des aptitudes à la rédaction de rapport scientifique, une forte autonomie, rigueur, capacité d'écoute, aptitude au travail en équipe, dynamisme, adaptabilité et un bon relationnel
- Maîtriser l'anglais scientifique

Lieu de travail : 6 chemin de la Côte Vieille 31450 BAZIEGE (31)

Conditions de travail :

Salaire selon grille en vigueur / tickets restaurant

Durée : 6 mois - début mi-janvier 2022

Candidature à adresser (lettre de motivation + CV) par mail au plus tard le 15 novembre 2021 à :

- Boris DEMENOU : b.demenou@arvalis.fr
- Copie à recrutement@arvalis.fr