Mistura de Normais com Variância Contaminada

Caio Gabriel Barreto Balieiro ¹
Taiguara Melo Tupinambás ¹
Walmir dos Reis Miranda Filho¹

Programa de Pós-Graduação em Estatística Departamento de Estatística - UFMG

02 de dezembro de 2019

Conteúdo

- Introdução
- 2 Método de Quadratura de Riemann
- 3 Reamostragem por importância sequêncial(SIR)
- Integração via Monte Carlo em cadeias de Markov

- O presente trabalho tem como objetivo obter, dada uma densidade a posteriori conjunta dos parâmetros de um modelo probabilístico para uma amostra previamente observada, as densidades a posteriori marginais de cada parâmetro.
- Obter as estatísticas de média; variância; assimetria e curtose associadas as densidades a posteriori marginais de cada parâmetro, a partir da implementação de três métodos numéricos.
- Sendo eles: (i) integração via quadratura de Riemann; (ii) reamostragem por importância sequencial (em inglês, Sequential Importance Resampling, ou SIR); e (iii) integração via Monte Carlo em cadeias de Markov (em inglês, Markov Chain Monte Carlo, ou MCMC) com inovações dadas pelo algoritmo de Metropolis-Hastings (MH).

• Sejam X_1, \ldots, X_n amostras aleatórias independentes, condicionalmente a um vetor de parâmetros $\boldsymbol{\theta} = (\mu, \sigma^2, \nu)$, e identicamente distribuídas com função densidade dada por

$$f(x|\mu, \sigma^2, \nu) = \nu \phi(x|\mu, 100\sigma^2) + (1 - \nu)\phi(x|\mu, \sigma^2), \ x \in \mathbb{R},$$
 (1)

onde $\phi(x|\mu,\sigma^2)=(2\pi\sigma^2)^{-1}\exp[-(x-\mu)^2/(2\sigma^2)]$ denota a função densidade da distribuição normal com média μ e variância σ^2 avaliada no ponto x. Para o suporte de cada parâmetro, tem-se que $\mu\in\mathbb{R},\sigma^2\in\mathbb{R}_+$ e $\nu\in(0,1)$.

• Para os parâmetros μ , σ^2 e ν , será pressuposto que cada um segue uma distribuição a priori: $\mu|\sigma^2 \sim N(m,V\sigma^2)$, onde $N(\cdot)$ denota a distribuição normal com média $m \in \mathbb{R}$ e variância $V\sigma^2$, V>0; $\sigma^2 \sim GI(a,d)$, onde $GI(\cdot)$ denota a distribuição gama inversa com parâmetros de forma a>0 e de taxa d>0 (inverso da escala); e $\nu \sim U(0,1)$, a distribuição uniforme contínua padrão.

 E então, será propôs-se independência entre as prioris, portanto assumem a forma dada por

$$p(\theta) = p(\mu|\sigma^2)p(\sigma^2)p(\nu). \tag{2}$$

• Para gerar uma amostra aleatória do modelo em (1), foi utilizada uma representação hierárquica (Lachos *et al.*, 2013) tal que

$$X_i|\mu,\sigma^2, U_i = u_i \sim N(\mu,\sigma^2 u_i^{-1}), \quad U_i|\mu \sim p_d(1,100) : P(U_i = 100) = \nu,$$
 (3)

onde $p_d(a,b)$ denota uma função de probabilidade (discreta) que atribui massa probabilística apenas aos pontos $a \in b$.



Com isto, nossa posteriori será defina da seguinte forma

$$\rho(\mu, \sigma^{2}, \nu | \mathbf{x}) = \frac{f(\mathbf{x} | \mu, \sigma^{2}, \nu) \times \rho(\mu, \sigma^{2}, \nu)}{f(\mathbf{x})} \propto \prod_{i=1}^{n} f(x_{i}) \times \rho(\mu | \sigma^{2}) \times \rho(\sigma^{2}) \times \rho(\nu)$$

$$\propto \prod_{i=1}^{n} \left[\nu \phi(x_{i} | \mu, 100\sigma^{2}) + (1 - \nu) \phi(x_{i} | \mu, \sigma^{2}) \right] \times$$

$$\times \phi(\mu | m, V \sigma^{2}) \times \frac{d^{a}}{\Gamma(a)} \left(\frac{1}{\sigma^{2}} \right)^{a+1} \exp\left(-\frac{d}{\sigma^{2}} \right)$$

$$\propto \left(\frac{1}{\sigma^{2}} \right)^{(n+1)/2+a+1} \exp\left\{ -\frac{\left[(\mu - m)^{2}/(2V) + d \right]}{\sigma^{2}} \right\} \times A(\mathbf{x} | \mu, \sigma^{2}, \nu),$$

$$(4)$$

onde

$$\mathrm{A}(\mathbf{x}|\mu,\sigma^2,\nu) = \prod_{i=1}^n \left\{ \frac{\nu}{10} \exp\left[-\frac{(x_i-\mu)^2}{200\sigma^2}\right] + (1-\nu) \exp\left[-\frac{(x_i-\mu)^2}{2\sigma^2}\right] \right\}.$$



(Misturas de Normais) Bayesiana 02 de dezembro de 2019 6

- Para o presente trabalho, foram considerados uma amostra de tamanho n=500, da mistura finita de normais com variância contaminada parametrizada de tal forma que $\mu=11$: $\sigma^2=0.64$ e $\nu=0.2$.
- Os valores escolhidos para os hiperparâmetros são m = 11; V = 1; a = 7 e d = 4
 nas distribuições a priori.
- Como não se tem uma expressão fechada para $p(\mu, \sigma^2, \nu | \mathbf{x})$, mas apenas de seu núcleo, para obter as densidades *a posteriori* marginais de μ , σ^2 e ν dado \mathbf{x} , bem como as estatísticas associadas a cada uma delas, é necessário aproximá-las por algum método numérico.

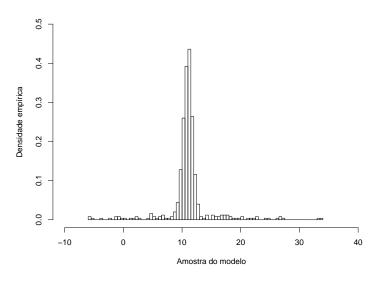


Figura: Histograma da amostra gerada do modelo



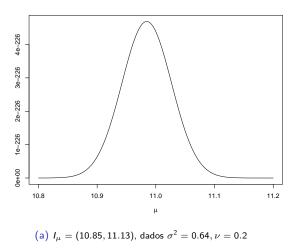
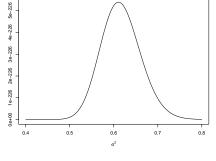
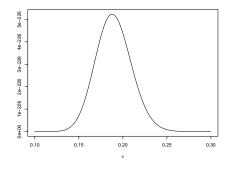


Figura: Intervalos de massa probabilística para cada parâmetro (variável aleatória) do núcleo de $p(\mu, \sigma^2, \nu | \mathbf{x})$

(Misturas de Normais) Bayesiana 02 de dezembro de 2019 9/18





- (a) $I_{\sigma^2} = (0.48, 0.78)$, dados $\mu = 11, \nu = 0.2$
- (b) $I_{
 u} = (0.13, 0.26) \; \mathsf{dados} \; \mu = 11, \sigma^2 = 0.64$

Figura: Intervalos de massa probabilística para cada parâmetro (variável aleatória) do núcleo de $p(\mu, \sigma^2, \nu | \mathbf{x})$



- Antes de aproximar as densidades a posteriori marginais de cada parâmetro, é necessário aproximar o inverso da constante de proporcionalidade.
- Dados três parâmetros $(\alpha_1, \alpha_2, \alpha_3)$ e uma amostra dos dados \mathbf{y} , quaisquer, suponha que se deseja aproximar a densidade *a posteriori* marginal de α_3 dados os pontos r_i, s_j, t_k da grade formada por todos os subintervalos de integração, $i, j, k \in \{1, \dots, L\}$. Temos pela quadratura de Riemann que

$$p(\alpha_{3}|\mathbf{y}) = \iint p(\alpha_{1}, \alpha_{2}, \alpha_{3}|\mathbf{y}) d\alpha_{1} d\alpha_{2}$$

$$\Rightarrow p(t_{k}|\mathbf{y}) = \iint p(\alpha_{1}, \alpha_{2}, t_{k}|\mathbf{y}) d\alpha_{1} d\alpha_{2} \approx \sum_{i=1}^{L} \sum_{j=1}^{L} p(r_{i}, s_{j}, t_{k}|\mathbf{y}) \Delta_{i} \Delta_{j}$$

$$= \sum_{i=1}^{L} \sum_{j=1}^{L} c \cdot h(r_{i}, s_{j}, t_{k}|\mathbf{y}) \Delta_{i} \Delta_{j}.$$
(5)

- Como c, a constante de proporcionalidade, é dada pelo inverso da densidade *a priori* preditiva f(y), a qual é obtida integrando-se em todo o espaço paramétrico o produto entre a função de verossimilhança $f(y|\alpha_1,\alpha_2,\alpha_3)$ e as densidades (ou funções de probabilidade) *a priori* para α_1 , α_2 e α_3 , também é possível aproximar c pela quadratura de Riemann
- Neste caso, $c^{-1} \approx \sum_{i=1}^{L} \sum_{j=1}^{L} \sum_{k=1}^{L} h(r_i, s_j, t_k | \mathbf{y}) \Delta_i \Delta_j \Delta_k$. Com o valor aproximado para c, é possível calcular (5) nos limites superior e inferior de todos os subintervalos de um dado parâmetro e enfim obter uma aproximação da densidade *a posteriori* marginal deste mesmo parâmetro através de uma curva gráfica que liga todos os valores calculados

Tabela: Estatísticas a posteriori para $\left(\mu,\sigma^2,\nu\right)$ pela quadratura de Riemann

Cenário	Parâmetro	Média	Variância	Assimetria	Curtose
<i>L</i> = 15	μ	10.9847	0.0017	0.0022	2.9603
	σ^2	0.6222	0.0022	0.2230	2.9984
	ν	0.1918	0.0004	0.1572	2.9348
<i>L</i> = 50	μ	10.9848	0.0017	0.0056	2.9346
	σ^2	0.6222	0.0021	0.2149	2.9625
	ν	0.1918	0.0004	0.1523	2.8995
<i>L</i> = 100	μ	10.9848	0.0017	0.0064	2.9284
	σ^2	0.6222	0.0021	0.2131	2.9542
	ν	0.1918	0.0004	0.1512	2.8913

- Proposto por Gordon et al. (1993), o método SIR utiliza uma função de amostragem por importância g para aproximar (sem perda de generalidade) uma densidade de interesse p.
- Sejam $\theta_1, \ldots, \theta_k$ uma amostra aleatória de g e $\mathbf{y} = (y_1, \ldots, y_n)$ uma amostra do modelo para os dados observados. Para cada ponto θ_j , $j = 1, \ldots, k$, os pesos são dados por

$$w_j(\theta_j) = \frac{p(\theta_j|\mathbf{y})/q(\theta_j)}{\sum_{j=1}^k p(\theta_j|\mathbf{y})/q(\theta_j)}.$$
 (6)

em que g é uma densidade conhecida e da qual se sabe gerar uma amostra aleatória.

• Como feito em muitos trabalhos, para g será escolhida uma densidade normal trivariada $N_3(\mu, \Sigma)$, cujas componentes têm, cada uma, suporte em toda a reta real.

- Note que para 2 parâmetros, σ^2 e ν , o respectivo espaço paramétrico não é a reta real $(\Theta_{\sigma^2}=\mathbb{R}_+\ e\ \Theta_{\nu}=[0,1]$, respectivamente). logo será feita uma reparametrização.
- Para a reparametrização, consideram-se as transformações $\theta_1 = \mu, \theta_2 = \log(\sigma^2)$ e $\theta_3 = \log[\nu/(1-\nu)]$. Logo, a expressão do núcleo reparametrizado é dada por

$$\rho(\theta_{1}, \theta_{2}, \theta_{3} | \mathbf{x}) = \rho(\theta_{1} = \mu, \theta_{2} = \log(\sigma^{2}), \theta_{3} = \log[\nu/(1 - \nu)] | \mathbf{x})
= \rho(\mu = \theta_{1}, \sigma^{2} = \exp(\theta_{2}), \nu = 1/[1 + \exp(-\theta_{3})] | \mathbf{x}) \times |J(\theta_{1}, \theta_{2}, \theta_{3})|
\propto [\exp(\theta_{2})]^{-[(n+1)/2 + a + 1]} \times \exp\left\{-\frac{[(\theta_{1} - m)^{2}/(2V) + d]}{\exp(\theta_{2})}\right\}
\times A^{*}(\mathbf{x} | \theta_{1}, \theta_{2}, \theta_{3}) \times \frac{\exp(\theta_{2}) \exp(\theta_{3})}{[1 + \exp(-\theta_{3})]^{-2}}
\propto \left(\frac{1}{\sigma^{2}}\right)^{(n+1)/2 + a + 1} \times \exp\left\{-\frac{[(\mu - m)^{2}/(2V) + d]}{\sigma^{2}}\right\} \times A(\mathbf{x} | \mu, \sigma^{2}, \nu)
\times \sigma^{2} \nu^{3} (1 - \nu)^{-1},$$
(7)

- em que $|J(\theta_1, \theta_2, \theta_3)|$ é o determinante da matriz jacobiana das derivadas parciais de (μ, σ^2, ν) com respeito a $(\theta_1, \theta_2, \theta_3)$.
- Para a amostra de tamanho n=500 da mistura finita de normais com variância contaminada tal que $\mu=11$; $\sigma^2=0.64$; $\nu=0.2$; m=11; V=1; a=7 e d=4 (Figura 1).
- Para as médias das componentes desta distribuição, será fixado $\mu = (\theta_1, \theta_2, \theta_3) = (\mu, \log(\sigma^2), \log[\nu/(1-\nu)]) = (11, \log(0.64), \log[0.2/0.8]).$
- Para a matriz de covariância Σ , cada elemento da diagonal principal será dado pelo quadrado de 1/6 do intervalo de massa probabilística do parâmetro correspondente.
- Esta escolha se justifica pelo fato de que as distribuições mostradas de 2a a 3b têm comportamento próximo à normalidade.

Tabela: Estatísticas a posteriori para (μ, σ^2, ν) pelo método SIR

Cenário	Parâmetro	Média	Variância	Assimetria	Curtose
k = 500	μ	10.9956	0.0024	0.1394	3.0639
	σ^2	0.6423	0.0030	0.4046	4.0116
	ν	0.2010	0.0005	0.3050	3.5598
k = 5000	μ	11.0001	0.0023	-0.0244	2.9656
	σ^2	0.6428	0.0027	0.2869	3.1554
	ν	0.2010	0.0006	0.3157	3.0594
k = 50000	μ	11.0001	0.0022	0.0266	3.0106
	σ^2	0.6422	0.0027	0.2529	3.1077
	ν	0.2012	0.0005	0.2654	3.1680

Integração via Monte Carlo em cadeias de Markov