卒業研究報告書

題 目

TDGA を導入した DARTS による深層学習の構造探索

研究グループ 第1研究グループ

指導教員 森直樹教授

令和 3 年(2021 年)度卒業

(No. 1171201092) 杉山 竜弥

大阪府立大学工学域電気電子系学類情報工学課程

目次 i

| E | | 次 |
|---|---|---|
| _ | • | • |

| 1 | はじ | めに | | 1 |
|---|-----|---------|--------------------------------------------------------|----|
| 2 | 要素 | 技術 | | 2 |
| | 2.1 | Neural | Architecture Search | 2 |
| | | 2.1.1 | Neural Architecture Search with Reinforcement Learning | 2 |
| | | 2.1.2 | Differentiable Architecture Search | 2 |
| | 2.2 | Genetic | c Algorithm | 4 |
| | | 2.2.1 | Thermodynamical Genetic Algorithm | 5 |
| 3 | ショ | ートカ | ット探索 | 7 |
| | 3.1 | 提案手 | 法:DARTS | 9 |
| | | 3.1.1 | 探索 | 9 |
| | | 3.1.2 | 構成 | 10 |
| | | 3.1.3 | 評価 | 10 |
| | | 3.1.4 | 実験概要 | 10 |
| | 3.2 | 提案手 | 法:DARTS+TDGA | 12 |
| | | 3.2.1 | 多様性項の拡張 | 12 |
| | | 3.2.2 | 実験手順 | 13 |
| | | 3.2.3 | 事前学習 | 13 |
| | | 3.2.4 | アーキテクチャ再探索 | 13 |
| | | 3.2.5 | 性能評価 | 15 |
| | | 3.2.6 | 実験概要 | 15 |
| 4 | 数值 | 実験 | | 17 |
| | 4.1 | 提案手 | 法:DARTS | 17 |
| | 4.2 | 提案手 | 法:DARTS+TDGA | 21 |
| 5 | まと | めと今征 | 後の課題 | 26 |
| 謝 | 辞 | | | 27 |

| 目次 | i |
|----|---|
| | |

参考文献 28

図目次 iii

図目次

| 2.1 | DARTS の概念図 | 3 |
|------|----------------------|----|
| 3.1 | ショートカット概念図 | 7 |
| 3.2 | 提案手法:DARTS+TDGA 概念図 | 12 |
| 4.1 | 実験1:ショートカット数に対する精度 | 18 |
| 4.2 | 実験1:パラメータ数に対する精度 | 18 |
| 4.3 | 実験1:手法Aのアーキテクチャ 例 | 19 |
| 4.4 | 実験1:手法Bのアーキテクチャ 例 | 20 |
| 4.5 | eval | 21 |
| 4.6 | acc | 22 |
| 4.7 | loss | 22 |
| 4.8 | edge | 23 |
| 4.9 | 実験 2: 手法のアーキテクチャ 1/2 | 24 |
| 4.10 | 実験 2: 手法のアーキテクチャ 2/2 | 25 |

表目次

表目次

| 3.1 | VGG19 の構造 | 8 |
|-----|-------------------------------|----|
| 3.2 | 実験 1: 探索段階の設定 | 11 |
| 3.3 | 実験 1: 評価段階の設定 | 11 |
| 3.4 | 実験 2: 事前学習の設定 | 15 |
| 3.5 | 実験 2 : DARTS+TDGA の設定 (DARTS) | 16 |
| 3.6 | 実験 2 : DARTS+TDGA の設定 (TDGA) | 16 |
| 3.7 | 実験 2: ネットワーク評価の設定 | 16 |
| 4.1 | 実験1:各アーキテクチャの精度 | 17 |
| 4.2 | 実験 2: 各提案手法のアーキテクチャ性能 | 21 |

1 はじめに 1

1 はじめに

以下に本論文の構成を示す.まず,2章では本研究で用いる要素技術について概説する.3章で深層学習の構造の設定と探索手法を提案する.そして4章において,数値実験により手法の性能を検証し,本研究で提案する手法の考察をする.5章で本研究の成果をまとめたうえで,今後の課題について述べる.

2 要素技術

本章では、本研究の提案手法に用いた技術について説明する.

2.1 Neural Architecture Search

本章では本研究で用いた Differentiable Architecture Search(DARTS) をはじめとした Neural Architecture Search(NAS) について説明する.

従来の機械学習では手作業によって設計されたモデルをデータセットで学習し重みを最適化するが、ニューラルネットワークの設計は直感的でなく、チューニングに人による労力を多く必要とするため、ニューラルネットワークの設計は非常に困難である. NAS は機械学習の分野で使用されているニューラルネットワークの設計を自動化する手法である.

2.1.1 Neural Architecture Search with Reinforcement Learning

Neural Architecture Search with Reinforcement Learning(NAS with RL)^[1] は, ニューラルネットワークが構造に関する設定の文字列で表現できることを利用して, この文字列を生成する Recurrent Neural Network(RNN) を強化学習 Reinforcement Learning(RL) によって学習する.

RNN はレイヤーごとにフィルタの高さ・幅, ストライドの高さ・幅, フィルタ数を決定し, RNN によって生成された構造は, ニューラルネットワークとしてその重みが学習されテストの正答率によって性能が評価される. その性能から得られた報酬で, 方策勾配法 (Policy gradient method) による RNN の更新を行い, アーキテクチャが最適化される.

NAS with RL は高い性能を達成した一方で, 計算に数千 GPU 日かかるという問題もある.

2.1.2 Differentiable Architecture Search

Differentiable Architecture Search(DARTS)^[2] は,離散的なアーキテクチャ探索空間に強化学習を適用した NAS with RL とは異なり,微分可能な方法で定

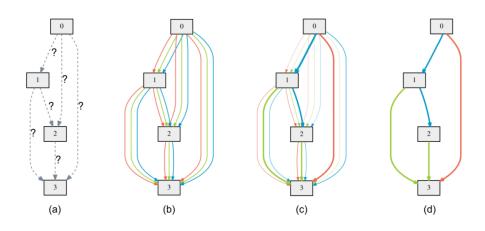


図 2.1: DARTS の概念図

(a) はじめ辺上の演算子は不明. (b) 各辺の演算子候補の混合で置換することで探索空間を連続性緩和. (c) 混合確率とネットワークの重みを最適化. (d) 学習した混合確率から最終的なアーキテクチャを導出.

式化し、偏微分による勾配降下法を使用してアーキテクチャを効率的に探索する手法である.

探索空間を連続にするため、カテゴリカルな演算子の選択の代わりに、候補全ての可能性をもつ混合演算子を (2.1) 式で定義する. アーキテクチャを有向非巡回グラフで表したとき、ノードを潜在的な特徴表現 $x^{(i)}$, エッジを特徴 $x^{(i)}$ が適用される関数 $o(\cdot)$ とすると、

$$\bar{o}^{(i,j)}(x) = \sum_{o \in O} \frac{\exp(\alpha_o^{(i,j)})}{\sum_{o' \in O} \exp(\alpha_{o'}^{(i,j)})} o(x)$$
 (2.1)

となる. ここで O は探索する演算子の候補集合, $\alpha^{(i,j)}$ はエッジ (i,j) の混合演算子の重みベクトルである. DARTS は勾配降下法によって連続変数集合 α を学習する.

DARTSでは次元を統一するためセルと呼ぶ小さなネットワーク構造を重ねたモデルを利用する。セルを構成するノードは2つのノードからの演算子エッジを持ち、どのノードからの演算子を選ぶのかをアーキテクチャを示す重み αによって決定する。DARTSの問題点として位置と演算子の種類は探索できるが、大局的な構造やノードの持つエッジ数など固定されたアーキテクチャにしか適用できない点が挙げられる。

2.2 Genetic Algorithm

遺伝的アルゴリズム (Genetic Algorithm: GA) は生物の進化の仕組みを模倣した最適化手法である. 問題の解候補を遺伝子の持つ個体として表現し, 適応度によって個体を評価・選択する. 交叉・突然変異などの操作によって解候補の多様性を保ちつつ, 近傍を探索しながら世代を重ねて近似的な最適解を求める.

選択は現世代から次世代の個体群を選ぶ操作である.トーナメント選択 交叉は現世代から子を生成する操作である.遺伝子型が整数型,小数型,順 序型かによってそれぞれ交叉方法が存在する.整数型では、

- 1点交叉:染色体中の1箇所でランダムに切断し,親の遺伝子を交叉する
- 多点交叉:染色体中の複数箇所でランダムに切断し,親の遺伝子を互い 違いに交叉する
- 一様交叉:遺伝子座ごとの交叉確率によって,各遺伝子座でランダムに 親の遺伝子を交叉する

などがあり、少数型では加えて親の遺伝子をランダムにブレンドする平均化交 叉もある.

突然変異は個体をランダムに変化させる操作である. 解が収束した場合, 交叉にはない局所解からの脱出という効果を持つが, 突然変異率が高すぎるとランダム探索になるため十分に小さな値を用いる. 変異方法には, 各遺伝子座でランダムに対立遺伝子へ置き換える方法, 少数値に対して摂動を与える方法などがある.

また GA には初期収束という, 偶然適応度の高くなった個体だけが選択され続け, 個体群を同じ個体が占める問題がある. この多様性が失われた状態になると単純なランダム探索と変わらない効率になるため, パラメータ調整などの方法で回避する必要がある.

交叉・突然変異の手法やパラメータは問題によって異なるため, 適切なもの を設定するのは自明ではない.

2.2.1 Thermodynamical Genetic Algorithm

Thermodynamical Genetic Algorithm (TDGA) [3] は熱力学における自由エネルギー最小化をモデルにした, GA で個体群の多様性を維持する手法である. 選択に温度とエントロピーの概念を導入し, 初期収束問題を解決した.

シミュレーテッドアニーリング法 (Simulated Annealing: SA) は次のエネルギー関数 (2.2) 式を用いて最適化問題を解く一般的な最適化手法である.

$$\min_{x} E(x), \quad x \in \mathcal{F} \tag{2.2}$$

ここで $\mathcal F$ は有限集合であることを仮定する. SA 法では系の状態 x に対して摂動を加え,新しい状態 x' を得る. そして新しい状態でのエネルギー値 E(x') が旧状態のエネルギー値 E(x) より小さければ高い確率で,大きければ温度パラメータ T に基づいた低い確率で新状態 E(x') への遷移を行う. SA はこのアプローチを使用して最小状態を見つける.

T が定数のとき, SA の典型的な遷移規則であるメトロポリス法の分布はギブス分布となり, そのとき (2.3) 式で定義される自由エネルギー \mathcal{F} を最小化することが知られており, これは自由エネルギーの最小化原理と呼ばれている.

$$F = \langle E \rangle - HT \tag{2.3}$$

ここで $\langle E \rangle$ は系の平均エネルギー, H はエントロピーである.

TDGA におけるエントロピーの計算と自由エネルギーの最小化 SA 法において最小化される自由エネルギー (2.3) 式の右辺第 1 項は,系がエネルギー最小化という目的を追求する項,第 2 項は系の状態の多様性を維持する項と解釈でき,これら両者を温度 T をパラメータとして調和させたものと考えられる.そこで TDGA では単純 GA(Simple GA: SGA) で用いられている適応度比例戦略に代えて,自由エネルギーを最小化するように次世代の個体群を選択することを基本方針とする.

個体群中の個体の種を区別した系の多様性を表すエントロピー $H^{\rm ALL}$ は (2.4) 式で表される.

$$H^{\text{ALL}} = -\sum_{i} p_i \log p_i \tag{2.4}$$

ここで p_i は種 i の存在確率である. GA では可能な状態 $x \in \mathcal{F}$ のうち各個体がとり得る値は個体数 N_p 程度であり, $|\mathcal{F}|$ に比べて極めて小さい. よって TDGA は代わりに (2.5) 式を用いて各対立遺伝子座から個体群のエントロピー H^1 を計算する.

$$H^{1} = \sum_{k=1}^{M} H_{k}^{1}, \quad H_{k}^{1} = -\sum_{j \in \{0,1\}} P_{j}^{k} \log P_{j}^{k}$$
(2.5)

ここで H_k^1 は個体群の遺伝子座 k の遺伝子に関するエントロピーを, P_j^k は遺伝子座 k における対立遺伝子 j の存在確率を表している. TDGA においては H^1 は (2.3) 式の第 2 項の H とみなされる. これにより世代のエントロピーが 計算できるが, 自由エネルギーを厳密に最小化する個体群を選ぶことは, それ 自体困難な組み合わせ最適化問題であり, 多大な計算量を要する. しかしなが ら, 自由エネルギーの最小化は, GA における次世代の形成の評価基準にすぎ ないので, 厳密な最小化は必要ではない. そこで TDGA では近似的な最小化手法として欲張り法を用いる. すなわち, 次世代の個体群を逐次的に形成する際にその時点で自由エネルギーを最小にする個体を現世代の個体群から選び, 次世代の個体群に付加するという方法を用いる.

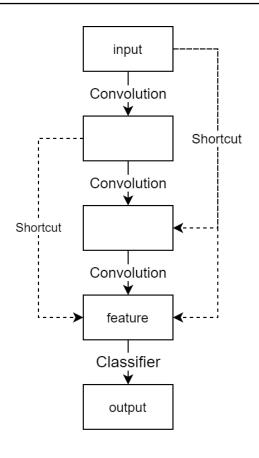


図 3.1: ショートカット概念図

3 ショートカット探索

DARTS で柔軟なアーキテクチャを探索することを実験の目的とし、構造探索タスクとして深層畳み込みネットワークの VGG19^[4] のショートカット接続を考える. 図 3.1 のように、ショートカット接続は、畳み込み部において 1 つ以上特徴を飛ばした接続とする. VGG19 は分岐がない単純なネットワーク構造であるため、ベースモデルに適しているとして選択した.

VGG19 は 16 層の畳み込み層と 3 層の線形結合層を持つ. 表 3.1 は, VGG19 の畳み込みニューラルネットワーク (Convolutional Neural Network: CNN) 部分の構造を示している. 構成する関数は,フィルターサイズが 3 x 3 の畳み込み層 (Conv2d), Batch Normalization(BN), 活性化関数 (Rectified Linear Unit: ReLU), ストライドが 2 の Max Pooling (MaxPool) である. この VGG19 に対し層を飛ばして接続するショートカットの数と位置を求め,性能を向上させることを目的とする.

表 3.1: VGG19 の構造 例として入力する画像を (32, 32, 3) 次元としている.

| index | image size | channels | applied function | |
|-------|------------|----------|-------------------------------|--|
| input | 32 x 32 | 3 | - | |
| 1 | 32 x 32 | 64 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 2 | 16 x 16 | 64 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU, MaxPool | |
| 3 | 16 x 16 | 128 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 4 | 8 x 8 | 128 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU, MaxPool | |
| 5 | 8 x 8 | 256 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 6 | 8 x 8 | 256 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 7 | 8 x 8 | 256 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 8 | 4 x 4 | 256 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU, MaxPool | |
| 9 | 4 x 4 | 512 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 10 | 4 x 4 | 512 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 11 | 4 x 4 | 512 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 12 | 2 x 2 | 512 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU, MaxPool | |
| 13 | 2 x 2 | 512 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 14 | 2 x 2 | 512 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 15 | 2 x 2 | 512 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU | |
| 16 | 1 x 1 | 512 | 3x3_Conv2d, BN, ReLU, MaxPool | |

モデル中の潜在的特徴は高さ・幅・チャンネル数を持つデータであるが、特徴の次元は場所によって異なるため、ショートカットは次元を変換する必要がある. したがってショートカット関数は以下のように設定した.

- 1. 次元が同じ場合:恒等関数
- 2. チャンネル数が違う場合: Pointwise Convolution
- 3. 高さと幅が半分の場合: Factorized Reduce
- 4. それ以外の場合:ショートカットを定義しない

Pointwise Convolution は、要素ごとの畳み込みでチャンネル数を調整する. Factorized Reduce は、畳み込み層を偶数列と奇数列の2枚用いることで、情報の損失を防ぎつつ特徴次元を半分にすることができる.

ショートカットに使用する関数の制限によってショートカット位置の候補は 61 であるため、探索空間は 2^{61} である。 演算子の種類は固定することで、アーキテクチャ α は畳み込み部に相当するグラフの重みをもつ隣接行列と定義した.

3.1 提案手法:DARTS

DARTS でネットワーク構造を探索するときの、学習の手順は

- 1. 探索:アーキテクチャ α の訓練
- 2. 構成: α からネットワークを構成
- 3. 評価:得られたネットワークをバックプロパゲーションにより訓練し、 テストデータで性能を評価
- の3段階から成る.

3.1.1 探索

探索段階では、勾配降下法によって α の更新を行う. このとき探索用のネットワークは、ショートカットの本数も探索するため、 α に対する重み補正 β を (3.1) 式 で定義する.

$$x_{i} = f_{i-1,i}^{c}(x_{i-1}) + \beta_{i} \sum_{i \in S_{i}} \alpha_{ij} f_{j,i}^{s}(x_{j})$$
(3.1)

ここで $f^c(\cdot)$, $f^s(\cdot)$ は, VGG の畳み込み関数とショートカット関数, S_i はノード i とショートカットで接続する先行 (predecessor) ノードのインデックス集合である.

ただし $\beta = 0$ で勾配の更新ができなくなるので、

$$\hat{\beta} = \begin{cases} \exp(\beta - 1) & (\beta \le 1) \\ \log(\beta) + 1 & (\text{otherwise}) \end{cases}$$
(3.2)

で0とならないように補正した $\hat{\beta}$ を用いた.

3.1.2 構成

構成段階では、探索段階で得られた α から具体的なネットワークをサンプリングする. α の値に対する、ネットワークの構成手法はいくつか考えられるため、

- 構成手法 A: predecessors の中で大きい順に採択
- 構成手法 B: 閾値以上のエッジを採択

の2通りの手法を設定した.

3.1.3 評価

評価段階では、構成段階で得られたネットワークを学習し、最大の正答率をネットワークの性能とする。このときのパラメータは、グリッドサーチによる最適化 API の optuna で事前学習した結果から設定する.

3.1.4 実験概要

提案手法:DARTS の実験を 実験 1 とする. 表 3.2, 3.7 に実験 1 の探索段階と評価段階の実験設定を示す. 探索段階は DARTS を参考に, 評価段階は optuna で最適化した値を使用した. データセットは, 訓練画像が 32 pixel 四方で訓練データを 50000 枚持つ CIFAR- $10^{[5]}$ を利用して, 10 クラス分類問題を解いた.

探索時間は, 150 epoch とし, 50 epoch ごとにその時点の α の性能を評価した. 構成段階では手法 A, B に加えて比較のため, ショートカット数が同じとなる条件でランダムに選択する手法でも実験する. 各手法において 10 回試行して統計的な性能を比較した.

表 3.2: 実験 1: 探索段階の設定

| Step | Architecture Search | | |
|-----------------------|---------------------------------------|--|--|
| Loss | Cross Entropy Loss | | |
| batch size | 64 | | |
| Optimizer(w) | SGD(lr=0.001, momentum=0.9) | | |
| Optimizer(α) | Adam(lr=0.003, β =(0.5, 0.999)) | | |
| epoch | 150 | | |
| train data | 25000 | | |
| valid data | 25000 | | |
| test data | 10000 | | |

表 3.3: 実験 1: 評価段階の設定

| Step | Evaluation | |
|--------------|----------------------------------------|--|
| Loss | Cross Entropy Loss | |
| batch size | 64 | |
| Optimizer(w) | SGD(lr=0.0090131, momentum=0.9) | |
| Scheduler(w) | Step(γ =0.23440, stepsize=100) | |
| epoch | 150 | |
| train data | 50000 | |
| test data | 10000 | |

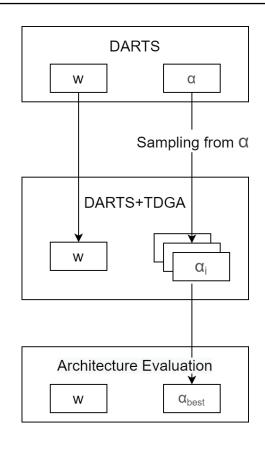


図 3.2: 提案手法:DARTS+TDGA 概念図

3.2 提案手法:DARTS+TDGA

実験1では α の学習程度によって重みwの学習しやすさに偏りがあったため、収束するグラフ構造にばらつきが見られた.

そこで実験 1 から得られた構造探索のための実験設定をもとに、個体表現を α とした遺伝的アルゴリズムによって、アーキテクチャを複数同時に管理、最適化し、個体群の多様性を維持しつつ、安定的なネットワーク構造の学習を図った. 単純に個体数を増やすと計算コストが定数倍されるため、重み w は全体で共有する One-Shot モデルを利用することで高速化した.

3.2.1 多様性項の拡張

(2.4) 式では、多様性の計算にエントロピーを利用していたが、個体 α は実数値の行列であるためエントロピーは計算できない.

$$H = \sum_{k \in \mathcal{P}} \sqrt{\text{MSE}(\alpha_k, \bar{\alpha})}$$
 (3.3)

そこで行列の各要素の標準偏差の平均として, H の実数値拡張をした.

3.2.2 実験手順

実験は3段階からなり、事前学習した DARTS から、w、a を引き継ぎ、TDGA で再探索し、得られた最良個体のアーキテクチャを学習して性能を評価します。 図 3.2 に w、 α の関係を示す.

- 1. 事前学習
- 2. アーキテクチャ再探索
- 3. 性能評価

3.2.3 事前学習

DARTS をする. softmax から sigmoid へ.

3.2.4 アーキテクチャ再探索

以下に TDGA をベースとして, DARTS の学習ステップの追加と多様性項の 実数値拡張をした提案手法のアルゴリズムを示す.

- 1. DARTS で事前学習したモデルの重みを引き継いだ初期個体を生成
- 2. エリート個体選択
- 3. 個体 α_i を $\nabla_{\alpha} \mathcal{L}_{\text{train}}(w^*, \bar{\alpha})$ で更新
- 4. 個体 α_i を $\nabla_{\alpha} \mathcal{L}_{\text{valid}}(w^*, \alpha_i)$ で更新
- 5. 適応度 $\mathcal{L}_{test}(w^*, \alpha_i)$ で個体 α_i を評価
- 6. 交叉で子個体群生成

- 7. 親個体群と子個体群の突然変異
- 8. エリート個体と親個体,子個体に熱力学的選択をして次世代とする
- 9. 収束するまで 2. に戻る
- 1. DARTS で事前学習したモデルの重みを引き継いだ初期個体を生成
- 2. エリート個体選択
- 3. 適応度 $\mathcal{L}_{test}(w^*, \alpha_i)$ で個体 α_i を評価
- 4. 交叉で子個体群生成
- 5. 親個体群と子個体群の突然変異
- 6. エリート個体と親個体,子個体に熱力学的選択をして次世代とする
- 7. 収束するまで 2. に戻る
- 1. DARTS で事前学習したモデルの重みを引き継いだ初期個体を生成
- 2. エリート個体選択
- 3. 適応度 $\mathcal{L}_{test}(w^*, \alpha_i)$ で個体 α_i を評価
- 4. 交叉で子個体群生成
- 5. 親個体群と子個体群の突然変異
- 6. エリート個体と親個体、子個体に熱力学的選択をして次世代とする
- 7. 収束するまで 2. に戻る
- 提案手法 1. DAARTS + TDGA(w, α)
- 提案手法 2. DAARTS + TDGA(α)
- 提案手法 3. DAARTS + TDGA

Optimizer(w) SGD(lr=0.001, momentum=0.9) $Optimizer(\alpha)$ Adam(lr=0.0005, β =(0.5, 0.999)) Loss Cross Entropy Loss batch size 64 25000 train data valid data 25000 test data 10000 epoch 150

表 3.4: 実験 2: 事前学習の設定

3.2.5 性能評価

学習後最終世代の個体の性能を実験1と同じ条件で評価した.

3.2.6 実験概要

提案手法:DARTS+TDGA の実験を 実験 2 とする. 表 3.5, 3.6 にモデルと GA の実験設定を示した. モデルの重み w は Image Net で訓練された事前学習の重みを畳み込み層の部分に適用した. 初期収束を防ぐため, 交叉にはエッジに相当する遺伝子座ごとに 0.5 の確率で操作する一様交叉を使用した. 突然変異には遺伝子座ごとに 0.1 の確率で $\mu=0$, $\gamma=0.2$ となるガウス分布からの摂動を与えた.

表 3.5: 実験 2: DARTS+TDGA の設定 (DARTS)

| Optimizer(w) | SGD(lr=0.001, momentum=0.9) | |
|-----------------------|---------------------------------------|--|
| Optimizer(α) | Adam(lr=0.001, β =(0.5, 0.999)) | |
| Loss | Cross Entropy Loss | |
| batch size | 64 | |
| train data | 25000 | |
| valid data | 25000 | |
| test data | 2000 | |

表 3.6: 実験 2: DARTS+TDGA の設定 (TDGA)

| Population | 10 | |
|----------------|-----------------------------------------------------------|--|
| Generation | 150 | |
| Selection | TD Select | |
| Temperature | $1 \to 0.001$ | |
| Crossover | Uniform Crossover (0.5 / locus) | |
| Crossover Rate | 0.8 | |
| Mutation | Gaussian Mutation (μ =0, σ =0.2, 0.2 / locus) | |
| Mutation Rate | 0.2 | |

表 3.7: 実験 2: ネットワーク評価の設定

| Optimizer(w) | SGD(lr=0.009, momentum=0.9) | | |
|--------------|-----------------------------------------|--|--|
| Scheduler(w) | Step(γ =0.2344, step epoch=100) | | |
| Loss | Cross Entropy Loss | | |
| batch size | 64 | | |
| train data | 50000 | | |
| test data | 10000 | | |
| epoch | 150 | | |

4 数值実験 17

| architecture | | test accuracy | param | number of | random architect |
|--------------|-----------|------------------|------------------|----------------|------------------|
| | | (%) | (M) | shortcuts | accuracy (%) |
| | 50 epoch | 93.70 ± 0.22 | 21.06 ± 0.07 | 12.7 ± 1.4 | 93.60 ± 0.15 |
| method A | 100 epoch | 94.02 ± 0.12 | 21.50 ± 0.11 | 18.2 ± 0.9 | 93.67 ± 0.14 |
| | 150 epoch | 93.90 ± 0.17 | 21.57 ± 0.25 | 18.9 ± 0.6 | 93.64 ± 0.09 |
| method B | 50 epoch | 93.57 ± 0.19 | 20.45 ± 0.09 | 5.8 ± 1.2 | 93.36 ± 0.19 |
| | 100 epoch | 93.93 ± 0.08 | 20.73 ± 0.10 | 9.8 ± 1.0 | 93.47 ± 0.17 |
| | 150 epoch | 93.92 ± 0.12 | 20.76 ± 0.15 | 10.6 ± 1.0 | 93.48 ± 0.15 |
| baseline | (VGG19) | 93.03 ± 0.10 | 20.04 | 0 | - |

表 4.1: 実験 1: 各アーキテクチャの精度

4 数值実験

4.1 提案手法:DARTS

表 4.1 に各構成手法におけるテストデータの精度を示す。図 4.1, 4.2 には表 4.1 の精度に対するショートカット数とパラメータ数の関係を図示する。最も性能が高かったのは 100 epoch 時点の手法 A で 94.02 %(baseline+0.99%) となり, 100 epoch 時点の手法 B は 93.93 %(baseline+0.90%) となった。しかしランダム手法と比較すると,手法 A は +0.35%,手法 B は +0.46%となり,図 4.2 を 参照しても少ないパラメータ数でより有効に探索できているのは手法 B と言える。

また 100 epoch 時点と 150 epoch 時点を比較すると, 学習によって性能が悪化している. 問題に対して過度に適合していることが原因であると考えられる. 探索時間は 150 epoch でおよそ 5 GPU hours を要したが, DARTS と比べ演算子を探索していないことや. 最適な重み w^* の近似を 1 次下げていることで高速になったと思われる.

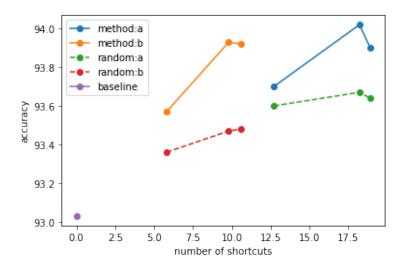


図 4.1: 実験 1: ショートカット数に対する精度

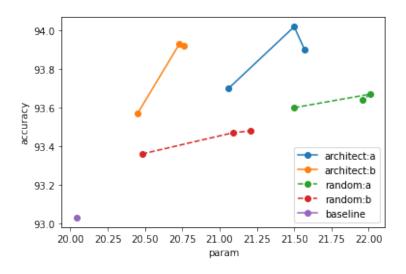


図 4.2: 実験 1: パラメータ数に対する精度

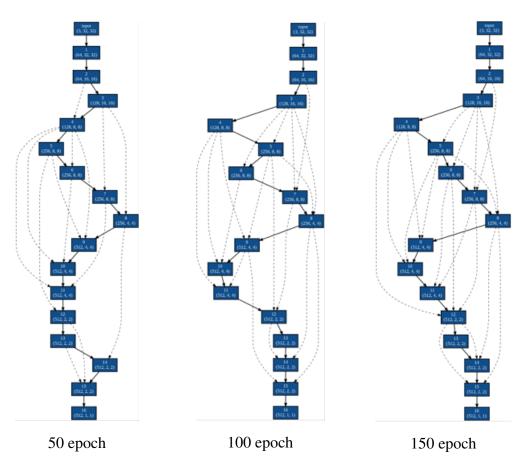


図 4.3: 実験 1: 手法 A のアーキテクチャ 例

4 数值実験 20

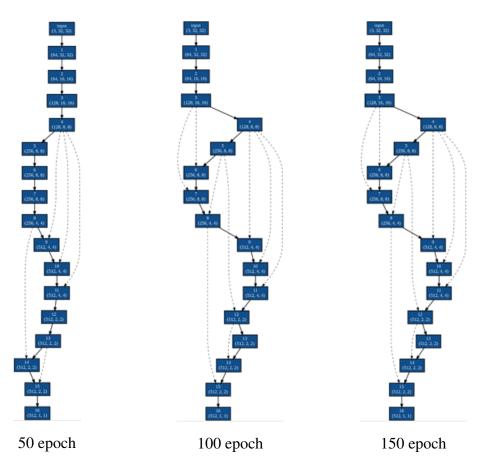


図 4.4: 実験 1: 手法 B のアーキテクチャ 例

| 表 4.2: 実験 2: 各提案手法のアーキテクチャ性能 |
|------------------------------|
| ベースラインは事前学習時のネットワーク. |

| | 50 世代 | 100 世代 | 150 世代 |
|-------------------------------------|---------|---------|---------|
| $\boxed{ DAARTS + TDGA(w, \alpha)}$ | 94.03 % | 94.10 % | 93.85 % |
| $DAARTS + TDGA(\alpha)$ | 93.88 % | 94.08 % | 94.13 % |
| DAARTS + TDGA | 93.90 % | 94.17 % | 94.17 % |
| Baseline(DARTS) | | 93.65 % | |

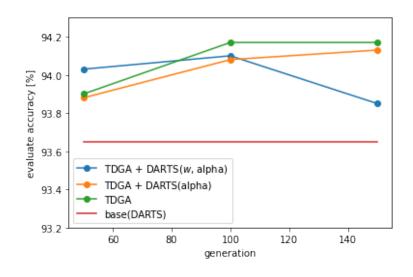


図 4.5: eval

4.2 提案手法:DARTS+TDGA

3つの提案手法の最終的なアーキテクチャ性能はこの表のようになりました. 50世代ごとの結果全てに対して, DARTS のみとなる事前学習のアーキテクチャ93.65%をいずれも超えることができました. この表を横軸が世代数 縦軸が accuracy の図にすると, w を更新する青色の提案手法 1 が 150 世代目で性能が下がっています. また DARTS の更新をしない緑色の提案手法 3 が最もよい結果となりました.

この結果から DARTS による頻繁な更新が TDGA の正確な適応度計算を妨害していることが原因として考えられます.

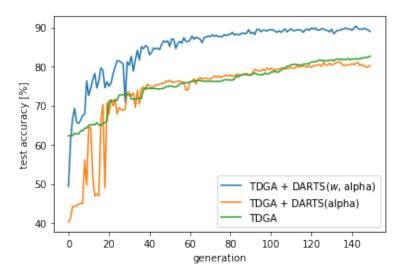


図 4.6: acc

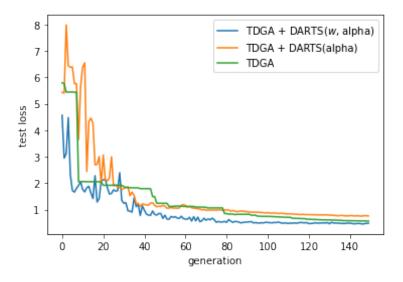


図 4.7: loss

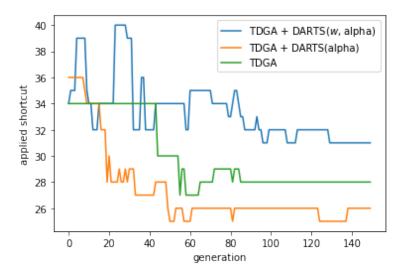


図 4.8: edge

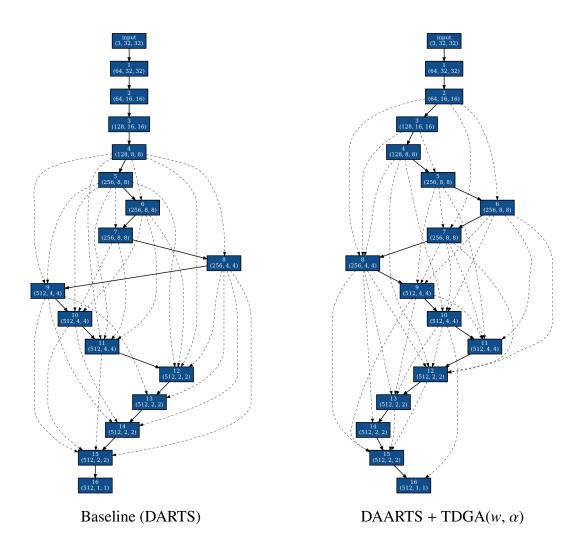


図 4.9: 実験 2: 手法のアーキテクチャ 1/2

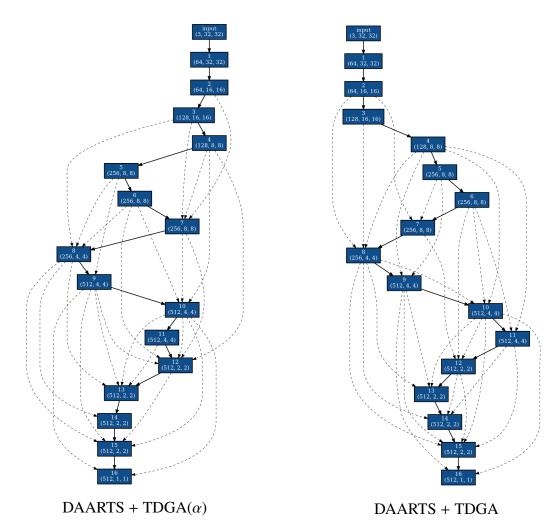


図 4.10: 実験 2: 手法のアーキテクチャ 2/2

5 まとめと今後の課題

謝辞 27

謝辞

2021年3月11日

参考文献

- [1] CIFAR-10 (Canadian Institute for Advanced Research). Neural architecture search with reinforcement learning. abs/1611.01578, 2016.
- [2] year, year. DARTS: differentiable architecture search. abs/1806.09055, 2018.
- [3] year, year, year. Multi-objective optimization by means of the thermodynamical genetic algorithm, pp. 504–512. Springer, 1996.
- [4] year. Very deep convolutional networks for large-scale image recognition. 2015.
- [5] year, year. Cifar-10 (canadian institute for advanced research).