

## La détection d'anomalies de données déséquilibrées

Cas du cancer du sein

Présenté par : Paola Andrieu, Augustin Robert, Timéo Baudat 24 octobre 2024



## Sommaire

Introduction

Isolation Forest

Méthodes et indicateurs

One-Class Support Vector Machine

Local Outlier Factor

Comparaison de méthodes



# Introduction - La détection d'anomalies

- Identification d'individus qui présentent un écart par rapport à la normale
- Détection de fraudes bancaires, informatiques...
- En médecine, faible présence d'individus avec des cas graves (par comparaison à des personnes saines)
- -> Problèmes liées à des données déséquilibrées (classification)

# Le jeu de données

Jeu de données sur le cancer du sein (domaine de la santé)

- 30 features numériques (caractères géométriques des différentes cellules)
- 1 variable factorielle : Bénigne (0) ou Maligne (1)

5.6% du jeu de données représente les cellules malignes (21 vs 357) -> on les considère comme des anomalies



# Comment gérer les données déséquilibrées ?

- Ré-échantillonnage possible avec oversampling ou undersampling
- 1. O<u>versampling (sur-échantillonnage)</u>: Générer des observations pour la classe minoritaire (par exemple : SMOTE, Adasyn)
- 2. <u>Undersampling (sous-échantillonnage)</u>: Supprimer les observations de la classe majoritaire (par exemple : Tomek)
- OU méthodes spécialisées pour la détection d'anomalies



# Les méthodes de machine learning utilisées

- 1. Local Outlier Factor (LOF)
- 2. Isolation Forest
- 3. One-Class Support Vector Machine (OCSVM)

Certaines méthodes ne sont pas adaptées à la situation de nos données (par exemple : DBscan qui est adapté aux données de petites dimensions)

(Togbe et al., 2020)



# Choix des indicateurs de performances

	Accuracy	Spécificité	Sensibilité	Balanced accuracy
Formule	$\frac{TP + TN}{FP + FN + TP + TN}$	$\frac{TN}{TN + FP}$	$\frac{TP}{TP + FN}$	<u>Spé + Sen</u> 2
Choix	<ul> <li>Ne tient pas         compte de la         classe minoritaire</li> </ul>	<ul> <li>Ne s'intéresse qu'à la classe négative</li> </ul>	<ul> <li>Ne s'intéresse qu'à la classe positive</li> </ul>	<ul> <li>Version pondérée         de l'accuracy</li> <li>Tient compte du         déséquilibre des         classes</li> </ul>

TP: Vrais positifs, TN: Vrais négatifs, FP: Faux positifs, FN: Faux négatifs, Spé: Spécificité, Sen: Sensibilité

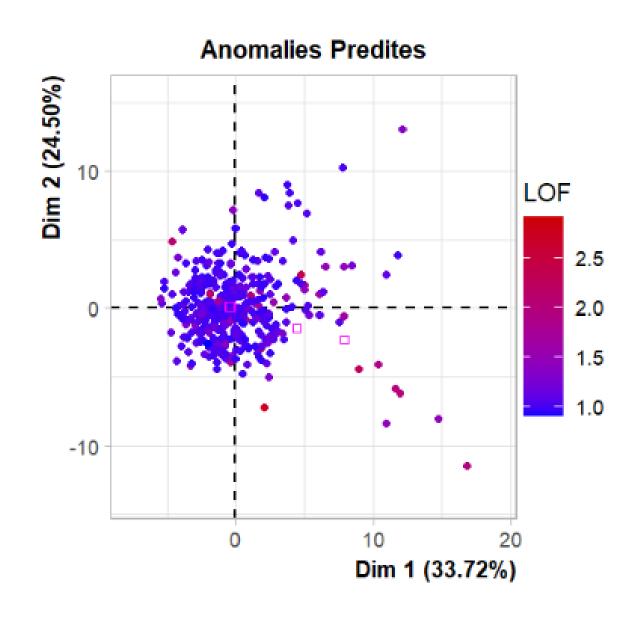


## Local Outlier Factor - Principe

Assignation à chaque point d'une valeur de densité locale qui dépend du nombre de voisins proches Comparaison de chaque densité locale à celle des voisins

Donne un score de "LOF" : plus il est élevé, plus l'observation a de chances d'être une anomalie On fixe un seuil qui sépare les points en anomalie ou non selon le score de LOF

Deux hyperparamètres : le seuil du score de LOF et le nombre de voisins considérés



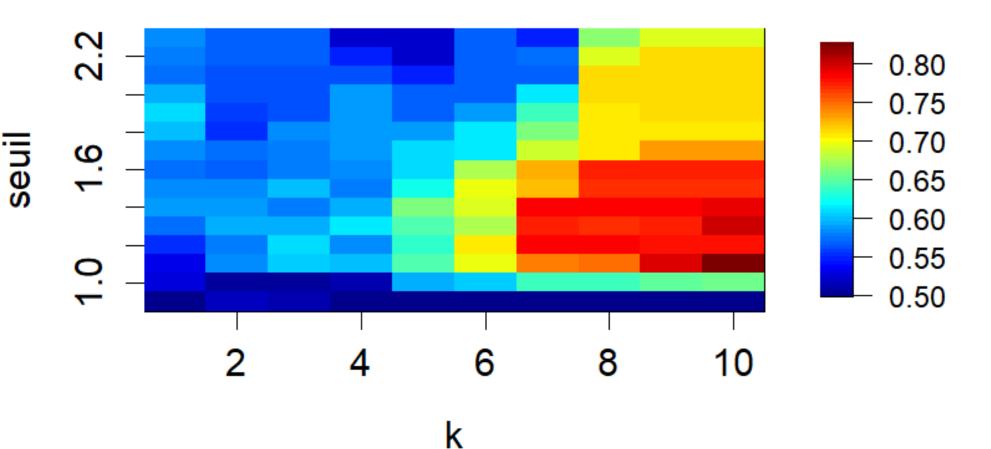


## Local Outlier Factor -Résultats

Balanced Accuracy: 0.82

Spécificité: 0.86

### Balanced Accuracy en fonction des paramètres



#### Reference

Prediction 0 1 0 283 3 1 74 18

Accuracy: 0.7963

95% CI: (0.7521, 0.8358)

No Information Rate: 0.9444

P-Value [Acc > NIR] : 1

Kappa : 0.2508

Mcnemar's Test P-Value: 1.496e-15

Sensitivity: 0.7927

Specificity: 0.8571

Pos Pred Value : 0.9895

Neg Pred Value: 0.1957

Prevalence: 0.9444

Detection Rate: 0.7487

Detection Prevalence: 0.7566

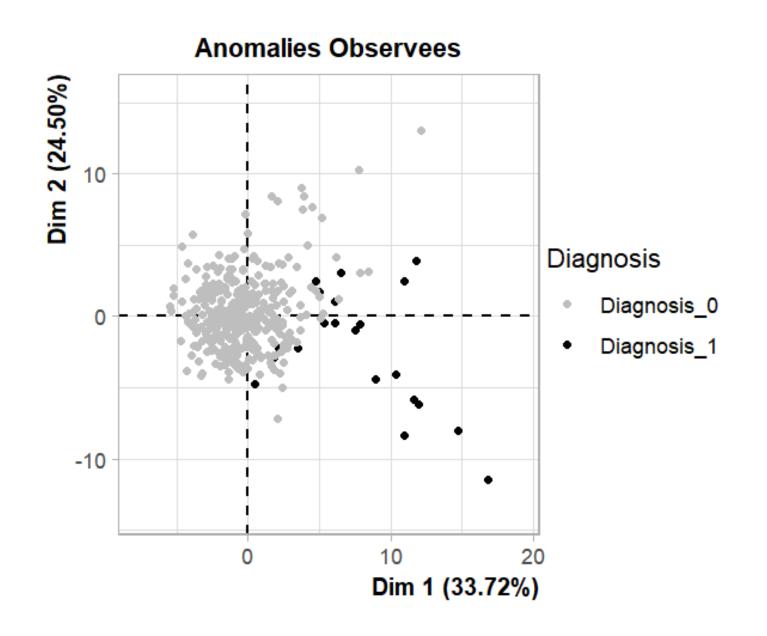
Balanced Accuracy: 0.8249

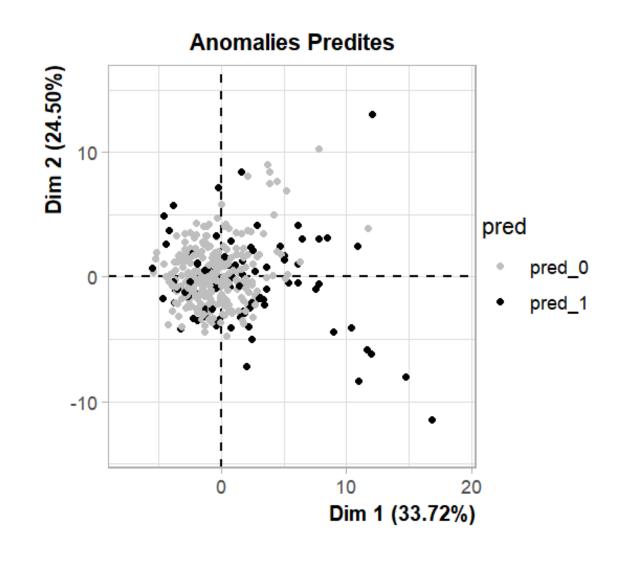
'Positive' Class : 0

### Reference



# Local Outlier Factor - 0 283 3 74 18 Résultats



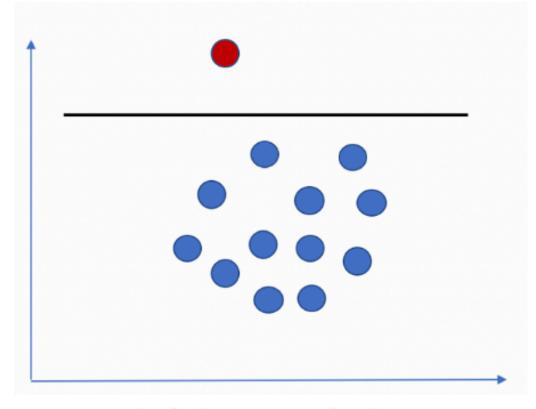




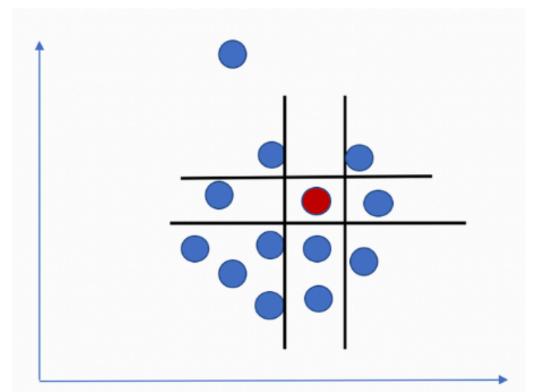
## Isolation Forest - Principe

- Principe
  - Anomalies facilement isolables, car rares et différentes
- Concept clé
  - Isolation par partitionnement aléatoire (construction d'arbres de manière aléatoire)
  - Profondeur d'isolement
- Etapes de l'algorithme
  - Echantillonnage aléatoire
  - Construction de l'arbre d'isolation
  - Calcul du score d'anomalie
- Score d'anomalie
  - compris entre 0 et 1
  - d'autant plus grand que l'isolement est rapide
  - seuil à déterminer

Isolating an anomalous point

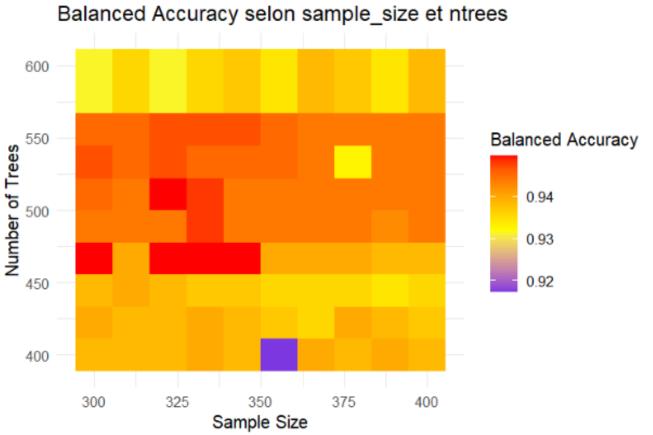


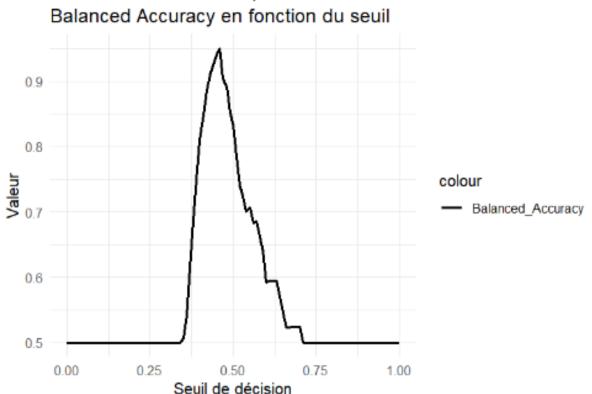
Isolating a normal point

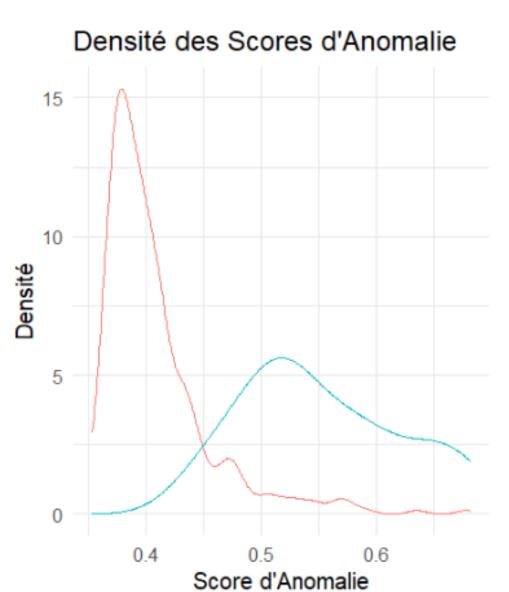


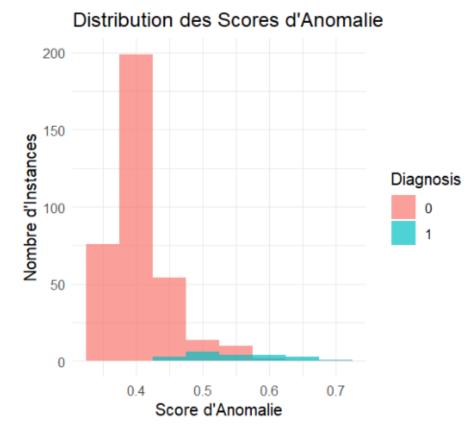


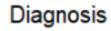
## Isolation Forest - Résultats









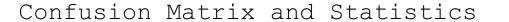


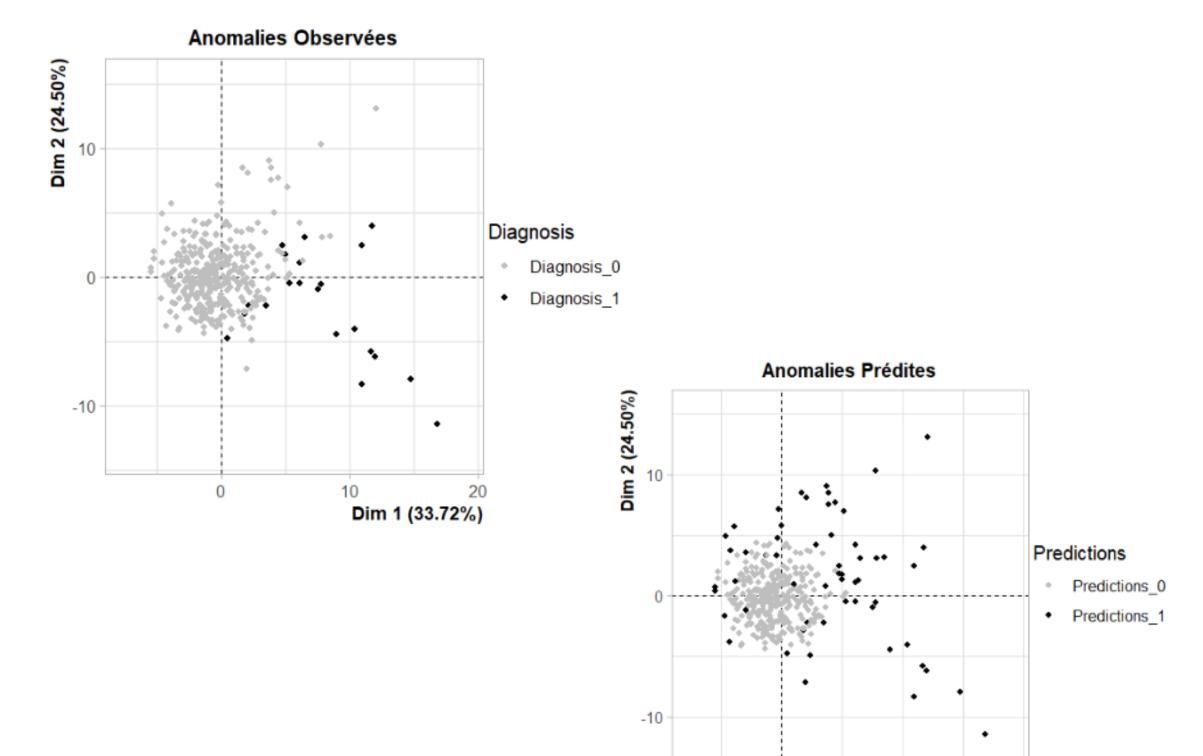




## Isolation Forest - Résultats

Dim 1 (33.72%)





Reference

Prediction 0 1

0 321 0

1 36 21

Accuracy: 0.9048

95% CI: (0.8706, 0.9324)

No Information Rate: 0.9444

P-Value [Acc > NIR] : 0.9993

Kappa : 0.4977

Mcnemar's Test P-Value: 5.433e-09

Sensitivity: 0.8992

Specificity: 1.0000

Pos Pred Value : 1.0000

Neg Pred Value: 0.3684

Prevalence: 0.9444

Detection Rate: 0.8492

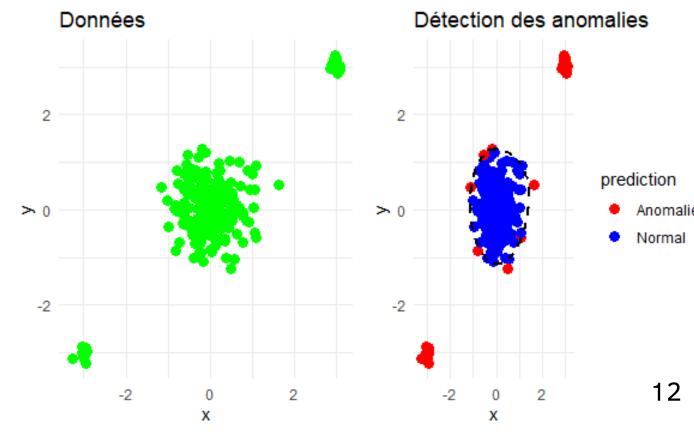
Detection Prevalence: 0.8492

Balanced Accuracy: 0.9496



# One-Class Support Vector Machine - Principe

- Apprentissage sur une **seule classe** (points normaux) pour déterminer une frontière qui enveloppe la majorité des points normaux
- Transformation des données via un noyau (comme les SVM)
- Tous les points qui ne sont pas dans la zone normale dans l'hyperplan sont considérés comme des **anomalies**
- <u>Paramètre v</u>: contrôle la proportion d'erreurs acceptées (points hors de la frontière) et la fraction de support vectors.
- <u>Paramètre γ</u>: détermine l'influence d'un point de données individuel sur la forme de la frontière;
   un γ élevé génère une frontière plus complexe.



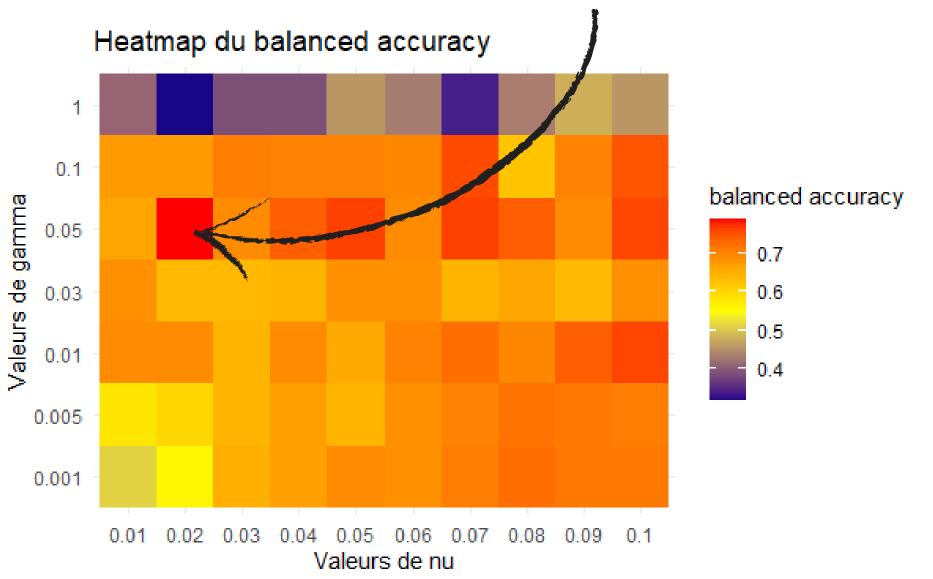


# One-Class Support Vector Machine - Résultats

### Sélection de la plage de 2 paramètres :

- <u>Paramètre v</u>: en lien avec la proportion d'anomalies -> inférieur à 10%
- Paramètre γ : inversement
   proportionnel au nombre de features
   (ici 30 donc valeur de base = 0.03)

### Couple de valeurs optimale





## One-Class Support Vector Machine - Résultats

Confusion Matrix and Statistics

#### Reference

Prediction 0 1 0 273 4 1 84 17

Accuracy : 0.7672

95% CI: (0.7213, 0.8089)

No Information Rate: 0.9444

P-Value [Acc > NIR] : 1

Kappa : 0.2056

Mcnemar's Test P-Value : <2e-16</pre>

Sensitivity: 0.7647

#### Specificity: 0.8095

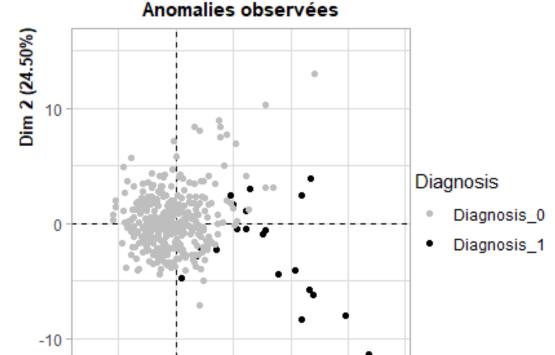
Pos Pred Value : 0.9856 Neg Pred Value : 0.1683

Prevalence: 0.9444

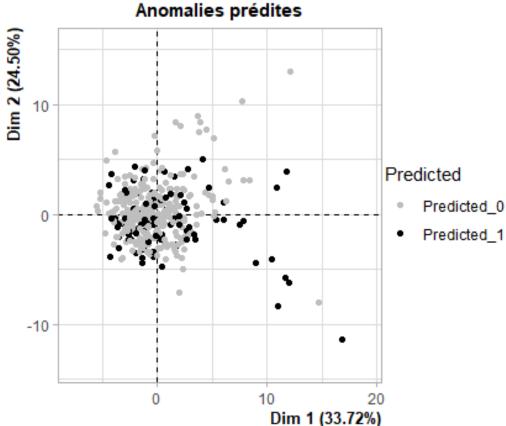
Detection Rate : 0.7222

Detection Prevalence: 0.7328

Balanced Accuracy: 0.7871



Dim 1 (33.72%)



14



## Comparaison des méthodes

	LOF	IF	OCSVM
Balanced accuracy	0.82	0.95	0.79
Spécificité	0.86	1	0.81

En plus d'obtenir de meilleurs résultats, Isolation Forest reste la méthode la plus rapide (puis OC-SVM et enfin LOF qui reste la plus longue)

(Togbe et al., 2020) 15



- La détection d'anomalies est adaptée à de **nombreux domaines** (sécurité, économie, santé, capteurs automatiques, etc)
- Isolation Forest reste la méthode la plus performante par rapport à OCSVM et LOF
- Limite : problèmes si trop d'anomalies regroupées : peuvent ne pas être détectées (exemple d'un capteur qui peut générer des données anormales sur une durée t)



Hu Y, Shan WM and Y, Australia (2022) Rlof: R Parallel Implementation of Local Outlier Factor(LOF).

Liu FT, Ting KM, Zhou Z-H (2008) Isolation Forest. 2008 Eighth IEEE Int. Conf. Data Min. IEEE, Pisa, Italy, pp 413–422 Rouvière L (2023) Données déséquilibrées.

Togbe MU, Chabchoub Y, Boly A, Chiky R (2020) Etude comparative des méthodes de détection d'anomalies.

University of Wisconsin-Madison (n.d.) Breast Cancer Wisconsin (Diagnostic) Data Set.

https://www.kaggle.com/datasets/uciml/breast-cancer-wisconsin-data

Vaibhav Jayaswal (2020) Local Outlier Factor (LOF) — Algorithm for outlier identification, dans Towards Data Science

## Des questions?

Merci pour votre écoute

### Paola Andrieu

paola.andrieu@agrocampus-ouest.fr

### **Augustin Robert**

augustin.robert@agrocampus-ouest.fr

### Timéo Baudat

timeo.baudat@agrocampus-ouest.fr