

UNIVERSITATEA BABEŞ-BOLYAI Facultatea de Matematică și Informatică



INTELIGENŢĂ ARTIFICIALĂ

Rezolvarea problemelor de căutare

Strategii de căutare informată locală Algoritmi Evolutivi

Laura Dioşan

Sumar

A. Scurtă introducere în Inteligența Artificială (IA)

B. Rezolvarea problemelor prin căutare

- Definirea problemelor de căutare
- Strategii de căutare
 - Strategii de căutare neinformate
 - Strategii de căutare informate
 - Strategii de căutare locale (Hill Climbing, Simulated Annealing, Tabu Search, Algoritmi evolutivi, PSO, ACO)
 - Strategii de căutare adversială

c. Sisteme inteligente

- Sisteme care învaţă singure
 - Arbori de decizie
 - Reţele neuronale artificiale
 - Maşini cu suport vectorial
 - Algoritmi evolutivi
- Sisteme bazate pe reguli
- Sisteme hibride

Sumar

- Rezolvarea problemelor prin căutare
 - Strategii de căutare informate (euristice) SCI
 - Strategii locale
 - Algoritmi evolutivi

Materiale de citit și legături utile

- capitolul 14 din *C. Groşan, A. Abraham, Intelligent Systems: A Modern Approach, Springer, 2011*
- M. Mitchell, An Introduction to Genetic Algorithms, MIT Press, 1998
- capitolul 7.6 din A. A. Hopgood, Intelligent Systems for Engineers and Scientists, CRC Press, 2001
- □ Capitolul 9 din *T. M. Mitchell, Machine Learning, McGraw-Hill Science*, 1997

Căutare locală

Tipologie

- Căutare locală simplă se reţine o singură stare vecină
 - □ Hill climbing → alege cel mai bun vecin
 - □ Simulated annealing → alege probabilistic cel mai bun vecin
 - □ Căutare tabu → reţine lista soluţiilor recent vizitate
- Căutare locală în fascicol (beam local search) se reţin mai multe stări (o populaţie de stări)
 - Algoritmi evolutivi
 - Optimizare bazată pe comportamentul de grup (Particle swarm optimisation)
 - Optimizare bazată pe furnici (Ant colony optmisation)

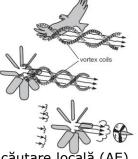
Algoritmi inspirați de natură

- Care este cea mai bună metodă de rezolvare a unei probleme?
 - Creierul uman
 - a creat roata, maşina, oraşul, etc
 - Mecanismul evoluţiei
 - a creat creierul (mintea) umană
- Simularea naturii
 - Cu ajutorul maşinilor -> reţelele neuronale artificiale simulează mintea umană
 - maşini de zbor, computere bazate pe ADN, computere cu membrane
 - Cu ajutorul algoritmilor
 - algoritmii evolutivi simulează evoluţia naturii
 - algoritmii inspirați de comportamentul de grup simulează adaptarea colectivă și procesele sociale dintr-un colectiv (Particle Swarm Optimisation)
 - algoritmii inspiraţi de furnici (Ant Colony Optimisation)

- Simularea naturii
 - Zborul liliecilor



- Zborul păsărilor şi al avioanelor
- Zborul păsărilor şi turbinele eoliene

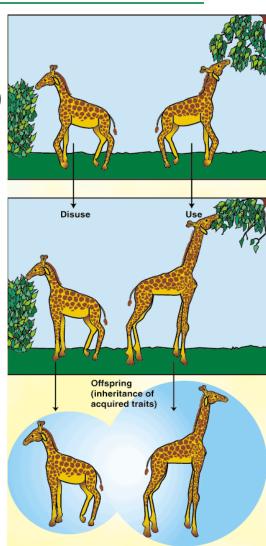




- □ Care sunt caracteristicile de bază ale AE?
 - Implică procese iterative şi paralele
 - Folosesc populaţii de potenţiale soluţii
 - Se bazează pe o căutare aleatoare
 - Sunt inspiraţi de biologie implică mecanisme precum:
 - selecţia naturală
 - reproducerea
 - recombinarea
 - mutaţia

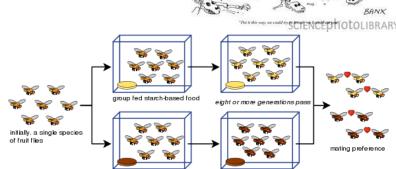
Câteva repere istorice

- □ Jean Baptise de Lamark (1744-1829)
 - A propus în 1809 o explicaţie pentru originea speciilor în cartea Zoological Philosophy:
 - Nevoile unui organism determină caracteristicile care evoluează
 - Caracteristicile utile dobândite în cursul vieţii unui organism se pot transfera urmaşilor acestuia
 - Legea utilizării şi neutilizării
 - use and disuse



Câteva repere istorice

- Charles Darwin (1807-1882)
 - În cartea Origin of Species demostrează că toate organismele au evoluat din alte organisme pe baza:
 - variaţiei
 - supraproducţia de descendenţi
 - selecţiei naturale
 - competiţia (generaţii constante ca dimensiune)
 - supravieţuirea pe baza calităţii/adaptării la mediul de viaţă (fitness)
 - reproducerea
 - apariţia de specii noi



Câteva repere istorice

- Teoria evolutivă modernă
 - Îmbogăţeşte teoria Darwiniană cu mecanismul moştenirii genetice
 - Variaţia genetică se produce prin:
 - mutaţie spontană şi
 - reproducere sexuală
 - L. Fogel 1962 (San Diego, CA) → programare evolutivă PE (Evolutionary Programming)
 - J. Holland 1962 (Ann Arbor, MI) → algoritmi genetici AG (*Genetic Algorithms*)
 - I. Rechenberg & H.-P. Schwefel 1965 (Berlin, Germany)→ strategii evolutive – SE – (Evolution Strategies)
 - J. Koza 1989 (Palo Alto, CA) → programare genetică PG (*Genetic Programming*)

Metafora evolutivă

Evoluţia naturală		Rezolvarea problemelor
Individ	\leftrightarrow	Soluţie potenţială
Populaţie	\longleftrightarrow	Mulţime de soluţii potenţiale
Cromozom	\leftrightarrow	Codarea unei soluţii potenţiale
Genă	\longleftrightarrow	Parte a codării
Fitness	\longleftrightarrow	Calitate
Încrucişare și mutație	\longleftrightarrow	Operatori de căutare
Mediu	\longleftrightarrow	Problemă



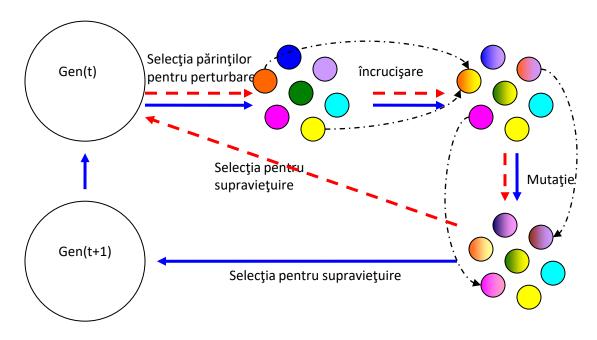
Algoritmi evolutivi - algoritm

- Schema generală
- Proiectare



Algoritmi evolutivi – algoritm

- Schema generală a unui AE
 - Generaţional → → →
 - Steady-state ----->



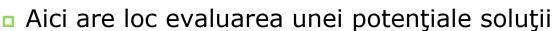


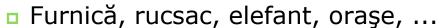


Projectare

- Alegerea unei reprezentări a cromozomilor
- Alegerea unui model de populaţie
- Stabilirea unei funcţii de evaluare
- Stabilirea operatorilor genetici
 - Selecţie
 - Mutaţie
 - Recombinare
- Stabilirea unui criteriu de stop

- 2 nivele de existență pentru o soluție candidat
 - Nivel exterior → fenotip
 - Individ obiectul original în contextul dat de problemă



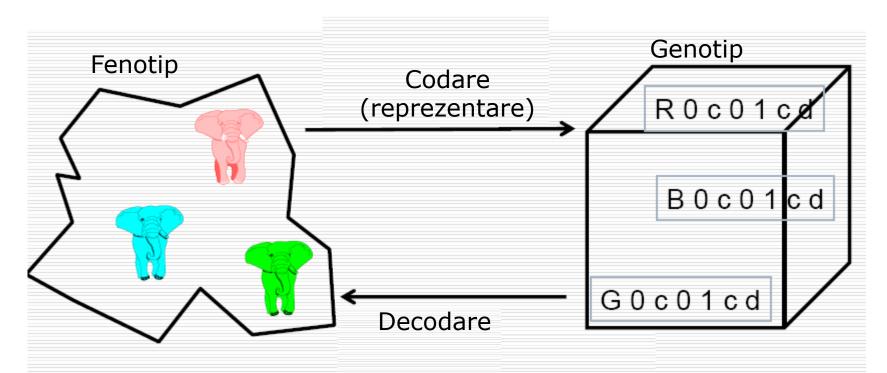




adcaacb

- Nivel interior → genotip
 - Cromozom codul asociat unui obiect
 - format din gene, poziţionate în locuri (fixe) loci şi având anumite valori – alele
 - Aici are loc căutarea unei noi potenţiale soluţii
 - Vector unidimensional (numeric, boolean, string), matrice,

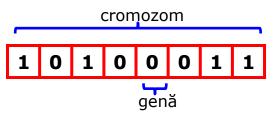
- Reprezentarea trebuie să fie relevantă pentru:
 - problemă,
 - funcţia de evaluare şi
 - operatorii genetici



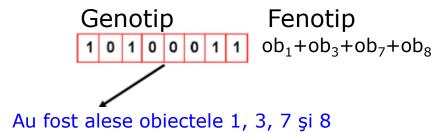
Tipologia reprezentării cromozomilor

- Liniară
 - Discretă
 - □ Binară → problema rucsacului
 - Ne-binară
 - Întreagă
 - Oarecare → procesarea imaginilor
 - Permutări → problema comisului voiajor
 - Categorială → problema colorării hărţilor
 - Continuă (reală) → optimizări de funcţii
- □ Arborescentă → probleme de regresie

- Reprezentare liniară discretă binară
 - Genotip
 - şir de biţi

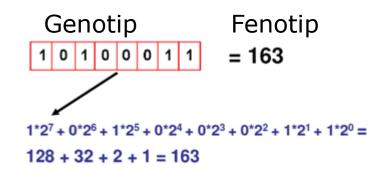


- Reprezentare liniară discretă binară
 - Genotip
 - şir de biţi
 - Fenotip
 - Elemente de tip Boolean
 - Ex. Problema rucsacului obiectele alese pentru umplerea rucsacului



- Reprezentare liniară discretă binară
 - Genotip
 - şir de biţi
 - Fenotip
 - □ Elemente de tip Boolean
 - Ex. Problema rucsacului obiectele alese pentru umplerea rucsacului

Numere întregi



- Reprezentare liniară discretă binară
 - Genotip
 - şir de biţi
 - Fenotip
 - □ Elemente de tip Boolean
 - Ex. Problema rucsacului obiectele alese pentru umplerea rucsacului

- Numere întregi
- Numere reale într-un anumitInterval (ex. [2.5, 20.5])

Genotip Fenotip

1 0 1 0 0 0 1 1 = 13.9609

$$x = 2.5 + \frac{163}{256}(20.5 - 2.5) = 13.9609$$

Transformarea valorilor reale reprezentate pe biţi

- □ Fie $z \in [x,y] \subseteq \mathcal{R}$ reprezentat ca $\{a_1,...,a_l\} \in \{0,1\}^L$
- □ Funcţia $[x,y] \rightarrow \{0,1\}^L$ trebuie să fie inversabilă (un fenotip corespunde unui genotip)
- □ Funcţia Γ : $\{0,1\}^{L} \rightarrow [x,y]$ defineşte reprezentarea

$$\Gamma(a_1, ..., a_L) = x + \frac{y - x}{2^L - 1} \cdot (\sum_{j=0}^{L-1} a_{L-j} \cdot 2^j) \in [x, y]$$

- Observaţii
 - Se pot reprezenta doar 2^L valori
 - L indică precizia maximă a soluţiei
 - Pentru o precizie cât mai bună → cromozomi lungi → evoluţie încetinită

- Reprezentare liniară discretă ne-binară întreagă oarecare
 - Genotip
 - şir de numere întregi dintr-un anumit interval
 - Fenotip
 - Utilitatea numerelor în problemă
 - Ex. Problema plății unei sume folosind diferite monezi
 - □ Genotip → şir de nr întregi de lungime egală cu numărul de monezi diferite, fiecare număr din intervalul [0,suma/valoarea monezii curente]
 - □ Fenotip → câte monezi din fiecare tip trebuie considerate

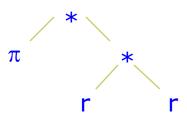
- Reprezentare liniară discretă ne-binară întreagă de tip permutare
 - Genotip
 - □ Permutare de n numere (n numărul de gene)
 - Fenotip
 - Utilitatea permutării în problemă
 - Ex. Problema comisului voiajor
 - □ Genotip \rightarrow permutare de n elemente
 - □ Fenotip → ordinea de vizitare a orașelor, știind că fiecărui oraș îi corespunde un număr din mulţimea {1,2,...,n}

- Reprezentare liniară discretă ne-binară categorială
 - Similară cu cea întreagă, dar în loc de numere se folosesc etichete
 - Genotip
 - şir de etichete dintr-o anumită mulţime
 - Fenotip
 - Interpretarea etichetelor
 - Ex. Problema colorării hărţilor
 - □ Genotip → şir de etichete (culori) de lungime egală cu numărul de ţări, fiecare etichetă aparţinând unei mulţimi de culori date
 - □ Fenotip → cu ce culoare trebuie haşurată fiecare hartă a unei ţări

- Reprezentare liniară continuă (reală)
 - Genotip
 - Şir de numere reale
 - Fenotip
 - Utilitatea numerelor în problemă
 - **Ex.** Problema optimizării funcțiilor $f: R^n \rightarrow R$
 - □ Genotip \rightarrow tuplu de numere reale X=[x₁, x₂, ..., x_n], x_i \in R
 - □ Fenotip → valorile asociate argumentelor funcţiei f

- Reprezentare arborescentă
 - Genotip
 - Arbori care codează S-Expresii
 - Nodurile interne ale arborelui → funcţii (F)
 - Matematice
 - Operatori aritmetici
 - Operatori de tip Boolean
 - Instrucţiuni
 - Într-un limbai de programare
 - Alt tip de instrucțiuni
 - □ Frunzele arborelui → terminale (T)
 - Valori reale sau Booleene, constante sau variabile
 - Subprograme
 - Fenotip
 - Interpretarea S-expresiilor
 - Ex. Calculul ariei unui cerc





□ Populaţie – concept

- Scop
 - reţine o colecţie de soluţii candidat
 - se permit repetiţii
 - este folosită în întregime în procesul de selecţie pentru reproducere
- Proprietăţi
 - dimensiune (de obicei) fixă μ
 - diversitate
 - Nr de fitness-uri/fenotipuri/genotipuri diferite
- Observaţii
 - Reprezintă unitatea de bază care evoluează
 - populaţia întreagă evoluează, nu indivizii!!!

- Populaţie iniţializare
 - Uniformă (dacă e posibil) în spaţiul de căutare
 - Stringuri binare
 - generarea de 0 şi 1 cu probabilitatea 0.5
 - Şiruri de numere reale generate uniform (într-un anumit interval)
 - Permutări
 - generarea permutării identice şi efectuarea unor schimbări

Populaţie – iniţializare

- Uniformă (dacă e posibil) în spaţiul de căutare
 - Arbori
 - Metoda Full arbori compleţi
 - Nodurile de la adâncimea d < D_{max} se iniţializează aleator cu o funcţie din setul de funcţii F
 - Nodurile de la adâncimea $d = D_{max}$ se iniţializează aleator cu un terminal din setul de terminale T
 - Metoda Grow arbori incompleţi
 - Nodurile de la adâncimea d < D_{max} se iniţializează aleator cu un element din $F \ U \ T$
 - Nodurile de la adâncimea $d = D_{max}$ se iniţializează aleator cu un terminal din setul de terminale T
 - Metoda Ramped half and half
 - ½ din populație se creează cu metoda Full
 - ½ din populație se creează cu metoda Grow
 - Folosind diferite adâncimi

- Modele de populaţii algoritm evolutiv:
 - Generaţional
 - \Box În fiecare generație se crează μ descendenți
 - Fiecare individ supravieţuieşte o singură generaţie
 - Mulţimea părinţilor este înlocuită în întregime cu mulţimea descendenţilor
 - Steady-state
 - În fiecare generație se obține un singur descendent
 - Un singur părinte (cel mai slab) este înlocuit cu descendentul obţinut
- □ Discrepanţa între generaţii (*Generation Gap*)
 - Proporţia populaţiei înlocuite
 - $1 = \mu/\mu$, pentru modelul generaţional
 - $1/\mu$, pentru modelul steady-state

Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare – funcția de evaluare

Scop

- Reflectă condiţiile la care trebuie să se adapteze populaţia
- Funcţie de calitate sau funcţie obiectiv
- Asociază o valoare fiecărei soluţii candidat
 - □ Consecințe asupra selecției → cu cât sunt mai multe valori diferite, cu atât e mai bine

Proprietăţi

- Etapa cea mai costisitoare
 - Nu se re-evaluează indivizii nemodificați

Tipologie:

- După nr de obiective urmărite:
 - Uni-objectiv
 - Multi-objectiv → fronturi Pareto
- După direcţia optimizării
 - De maximizat
 - De minimizat
- După gradul de exactitate
 - Exactă
 - Euristică

Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare – funcția de evaluare

Exemple

- Problema rucsacului
 - □ reprezentare → liniară discretă binară
 - fitness → abs(greutatea rucsacului greutatea obiectelor alese) → minimizare
- Problema plăţii unei sume folosind diferite monezi
 - □ reprezentare → liniară discretă întreagă
 - □ fitness → abs(suma de plată suma monezilor selectate) → minimizare
- Problema comisului voiaior
 - □ reprezentare → liniară discretă întreagă sub formă de permutare
 - □ fitness → costul drumului parcurs → minimizare
- Problema optimizării funcţiilor
 - □ Reprezentare → liniară continuă reală
 - fitness → valoarea funcţiei → minimizare/maximizare
- Calculul ariei unui cerc
 - □ reprezentare → arborescentă
 - fitness → suma pătratelor erorilor (diferenţelor între valoarea reală şi cea calculată pe un set de exemple) → minimizare

Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare – selecția



Scop:

- acordă şanse de reproducere/supravieţuire mai mari indivizilor mai buni
 - şi indivizii mai slabi trebuie să aibă şansa să se reproducă/supravieţuiască pentru că pot conţine material genetic util
- direcţionează populaţia spre îmbunătăţirea calităţii

Proprietăţi

- lucrează la nivel de populaţie
- se bazează doar pe fitnessul indivizilor (este independentă de reprezentare)
- aiută la evadarea din optimele locale datorită naturii sale stocastice

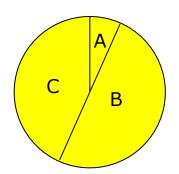
Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare – selecția



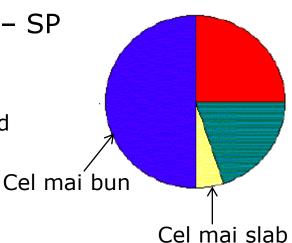
Tipologie

- în funcție de scop:
 - Selecţia părinţilor (din generaţia curentă) pentru reproducere
 - Selecţia supravieţuitorilor (din părinţi şi descendenţi) pentru generaţia următoare
- în funcție de modul de decidere al câștigătorului
 - Deterministă cel mai bun câştigă
 - Stocastică cel mai bun are cele mai mari şanse să câştige
- în funcție de mecanism
 - Selecţia pentru reproducere
 - Selecţie proporţională (bazată pe fitness)
 Bazate pe întreaga populaţie
 - Selecţie bazată pe ranguri
 - Selecție prin turnir ----> Bazată pe o parte din populație
 - Selecţia pentru supravieţuire
 - Bazată pe vârstă
 - Bazată pe calitate (fitness)

- Selecţie proporţională (bazată pe fitness) SP
 - Ideea de bază
 - Algoritmul ruletei la nivelul întregii populaţii
 - Estimarea numărului de copii ale unui individ $E(n_i) = \mu \frac{f(i)}{\langle f \rangle}$, unde:
 - μ = dimensiunea populaţiei,
 - f(i) = fitnessul individului i,
 - \(\f \) = fitnessul mediu al populaţiei
 - Indivizii mai buni
 - au alocat mai mult spaţiu în ruletă
 - au şanse mai mari să fie selectaţi
 - **Ex.** O populație cu μ = 3 indivizi



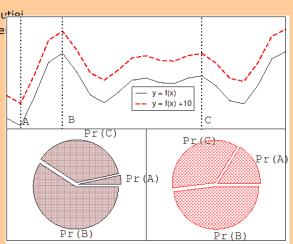
	f(i)	P _{selSP} (i)	
A	1	1/10=0.1	
В	5	5/10=0.5	
С	4	4/10=0.4	
Suma	10	1	



Proiectare – selecția pt. reproducere

Selecție proporțională (bazată pe fitness)

- Avantaie
 - Algoritm simplu
- Dezavantaie
 - Convergenţa prematură
 - cromozomii foarte buni tind să domine populația
 - Presiune de selecţie foarte mică atunci când fintessurile indivizilor sunt foarte apropiate (la sfârşitul rulării)
 - Susceptibilă de traspoziţia funcţiei
 - Rezultatele reale ale unei astfel de selcţii diferă de distribuţia probabilistică teoretică
 - Lucrează cu întreaga populaţie
- Soluţii
 - scalarea fitnessului
 - Windowing
 - $f'(i) = f(i) \beta^t$, unde β este un parametru care depinde de istoria recentă a evoluțioi
 - ex. β este fitnessul celui mai slab individ din populația curentă (a t-a ge
 - Scalare de tip sigma (de tip Goldberg)
 - $f'(i) = \max\{f(i) (\langle f \rangle c * \sigma_f), 0.0\}, \text{ unde:}$
 - c este o constantă (de obicei 2)
 - \langle f \rangle fitnessul mediu al populaței
 - σ_f deviaţia standard a fitnessului populaţiei
 - Scalare prin normalizare
 - Se începe cu fitnessurile absolute (iniţiale)
 - Se standardizează astfel încât Se aiustează fitnessurile a.î.:
 - ele să aparţină [0,1]
 - cel mai bun fitness să fie cel mai mic (egal cu 0)
 - suma lor să fie 1
 - alt mecanism de selecţie



- Selecţia bazată pe ranguri SR
 - Ideea de bază
 - □ Se ordonează întreaga populație pe baza fitnessului
 - Creşte puţin complexitatea algoritmului, dar se poate negliia această creştere comparativ cu timpul necesar evaluării unui individ
 - Se acordă ranguri fiecărui individ
 - Se calculează probabilitățile de selecție pe baza rangurilor
 - Cel mai slab individ are rangul 1
 - Cel mai bun individ are rangul μ
 - Încearcă să rezolve problemele selecţiei proporţionale prin folosirea fitnessurilor relative (în locul celor absolute)

Proiectare – selecția pt. reproducere

- Selecţia bazată pe ranguri SR
 - Modalități de acordare a rangurilor

Liniară (RL)
$$P_{lin_rank}(i) = \frac{2-s}{\mu} + \frac{2i(s-1)}{\mu(\mu-1)}$$

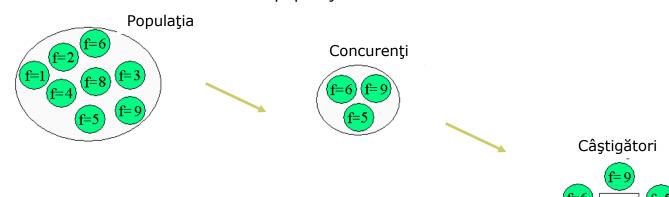
- s presiunea de selecţie
 - măsoară avantaiele celui mai bun individ
 - 1.0 < *s* ≤ 2.0
 - în algoritmul genetic generațional s este numărul de copii ai unui individ
- Ex. pentru o populație cu $\mu = 3$ indivizi

	f(i)	P _{selSP} (i)	Rang	P _{selRL} (i) pt. s=2	P _{selRL} (i) pt. s=1
А	1	1/10=0.1	1	0.33	0.33
В	5	5/10=0.5	3	1.00	0.33
С	4	4/10=0.4	2	0.67	0.33
Suma	10	1			

- □ Exponenţială (RE) $P_{\text{exp_rank}}(i) = \frac{1 e^{-i}}{c}$
 - Cel mai bun individ poate avea mai mult de 2 copii
 - c factor de normalizare
 - depinde de dimensiunea populaţiei (μ)
 - trebuie ales a.î. suma probabilităților de selecție să fie 1

- □ Selecţia bazată pe ranguri SR
 - Avantaie
 - Păstrează presiunea de selecţie constantă
 - Dezavantaie
 - Lucrează cu întreaga populație
 - Soluţii
 - Alt mecanism de selecţie

- Selecţia prin turnir
 - Ideea de bază
 - □ Se aleg aleator k indivizi \rightarrow eşantion de k indivizi (k mărimea turnirului)
 - Se selectează cel mai bun individ dintre cei aleşi anterior
 - Probabilitatea alegerii unui individ în eşantion depinde de
 - Rangul individului
 - Dimensiunea eşantionului (k)
 - Cu cât k este mai mare, cu atât crește și presiunea de selcție
 - Modul în care se face alegerea dacă se realizează cu înlocuire (model steadystate) sau nu
 - Alegerea fără înlocuire crește presiunea de selecție
 - Pt k = 2 timpul necesar ca cel mai bun individ să domine populația este același cu cel de la selecția pe bază de ranguri liniare cu s = 2 * p, p probabilitatea alegerii celui mai bun individ din populație



Selecţia prin turnir

Avantaje

- Nu implică lucrul cu întrega populaţie
- Uşor de implementant
- Uşor de controlat presiunea de selcţie prin intermediul parametrului k

Dezavantaje

 Rezultatele reale ale unei astfel de selecţii diferă de distribuţia probabilistică teoretică (similar selecţiei prin mecanismul ruletei)

Algoritmi evolutivi Proiectare – selecția



- Selecţia pentru supravieţuire (înlocuire)
 - Pe baza vârstei
 - eliminarea celor mai "bătrâni" indivizi
 - Pe baza calităţii (fitness-ului)
 - selecţiei proporţională
 - selecţie bazată pe ranguri
 - selecţie prin turnir
 - elitism
 - Păstrarea celor mai buni indivizi de la o generaţie la alta (dacă descendenţii sunt mai slabi ca părinţii se păstrează părinţii)
 - GENITOR (înlocuirea celui mai slab individ)
 - Eliminarea celor mai slabi λ indivizi

Algoritmi evolutivi - algoritm Proiectare – operatori de variație



Scop:

Generarea unor soluţii potenţiale noi

Proprietăți

- lucrează la nivel de individ
- se bazează doar pe reprezentarea indivizilor (independent de fitness)
- Aiută la explorarea şi exploatarea spaţiului de căutare
- Trebuie să producă indivizi valizi

Tipologie

- În funcție de aritate
 - □ Aritate 1 → operatori de mutaţie
 - □ Aritate > 1 → operatori de recombinare/încrucişare

Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare – mutația



Scop

- Reintroducerea în populație a materialului genetic pierdut
- Operator unar de căutare (spaţiul continuu)
- Introducerea diversităţii în populaţie (în spaţiul discret binar)

Proprietăţi

- Acţionează la nivel de genotip
- Bazată pe elemente aleatoare



- Responsabilă cu explorarea unor noi regiuni promiţătoare ale spaţiului de căutare
- Este responsabilă de evadarea din optimele locale
- Trebuie să producă mici schimbări stocastice ale individului
- Mărimea mutaţiei trebuie să fie controlabilă
- Se produce cu o anumită probabilitate (p_m) la nivelul fiecărei gene a unui cromozom

Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare – mutația



Tipologie

- Reprezentare binară
 - Mutaţie tare bit-flipping
 - Mutaţie slabă
- Reprezentare întreagă
 - Random resetting
 - Creep mutation
- Reprezentare permutare
 - Mutaţie prin inserţie
 - Mutaţie prin interchimbare
 - Mutaţie prin inversare
 - Mutaţie prin amestec
 - Mutaţie k-opt
- Reprezentare reală
 - Mutaţie uniformă
 - Mutaţie neuniformă
 - Mutaţie Gaussiană
 - Mutaţie Cauchy
 - Mutaţie Laplace
- Reprezentare arborescentă → într-un curs viitor
 - Mutaţie grow
 - mutaţie shrink
 - Mutaţie switch
 - Mutaţie cycle
 - Mutaţie tip Koza
 - Mutaţie pentru terminalele numerice



- □ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i, g_i' \in \{0,1\}$, pt. i=1,2,...,L
- Mutaţie tare bit flipping
 - Ideea de bază
 - $f \Box$ Schimbarea cu probabilitatea p_m (rată de mutație) a unor gene în complementul lor
 - $1 \rightarrow 0$
 - $0 \rightarrow 1$
 - **Ex.** Un cromozom cu L=8 gene, $p_m=0.1$





□ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i, g_i' \in \{0,1\}$, pt. i=1,2,...,L

- Mutaţie slabă
 - Ideea de bază
 - - $1 \to 0/1$
 - $0 \to 1/0$
 - \blacksquare Ex. Un cromozom cu L=8 gene, $p_m=0.1$







- □ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde g_i , $g_i' \in \{val_1, val_2,...,val_k\}$, pt. i=1,2,...,L
- Mutaţie random resetting
 - Ideea de bază
 - □ Valoarea unei gene este schimbată (cu probabilitatea p_m) într-o altă valoare (din setul de valori posibile)





- □ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i, g_i' \in \{val_1, val_2, ..., val_k\}$, pt. i=1,2,...,L
- Mutaţie creep
 - Ideea de bază
 - □ Valoarea unei gene este schimbată (cu probabilitatea p_m) prin adăugarea unei valori (pozitivă sau negativă)
 - valoarea → face parte dintr-o distribuţie simetrică faţă de zero
 - modificarea produsă este fină (mică)





- □ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ cu $g_i\neq g_i$ pentru orice $i\neq i$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i,g_i'\in\{val_1,val_2,...,val_L\}$, pt. i=1,2,...,L a.î. $g_i'\neq g_i'$ pentru orice $i\neq i$.
- Mutaţie prin interschimbare (swap mutation)
 - Ideea de bază
 - Se aleg aleator 2 gene şi se interschimbă valorile lor





Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ cu $g_i\neq g_i$ pentru orice $i\neq i$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i,g_i'\in\{val_1,val_2,...,val_L\}$, pt. i=1,2,...,L a.î. $g_i'\neq g_i'$ pentru orice $i\neq i$.

Mutaţie prin inserţie

- Ideea de bază
 - Se aleg 2 gene oarecare g_i şi g_i cu j > i
 - Se inserează gi după gi a.î. $g_i'=g_i$, $g_{i+1}'=g_j$, $g_{k+2}'=g_{k+1}$, pentru k=i, i+1, i+2, ...





□ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ cu $g_i\neq g_i$ pentru orice $i\neq i$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i,g_i'\in\{val_1,val_2,...,val_L\}$, pt. i=1,2,...,L a.î. $g_i'\neq g_i'$ pentru orice $i\neq i$.

■ Mutaţie prin inversare

- Ideea de bază
 - Se aleg aleator 2 gene şi se inversează ordinea genelor situate între ele (substringul dintre gene)





- □ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ cu $g_i\neq g_i$ pentru orice $i\neq i$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i,g_i'\in\{val_1,val_2,...,val_L\}$, pt. i=1,2,...,L a.î. $g_i'\neq g_i'$ pentru orice $i\neq i$.
- Mutaţie prin amestec (*scramble mutation*)
 - Ideea de bază
 - Se alege aleator un subşir (continuu sau discontinuu)
 de gene şi se rearanjează acele gene



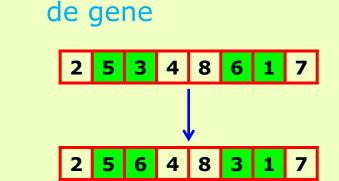


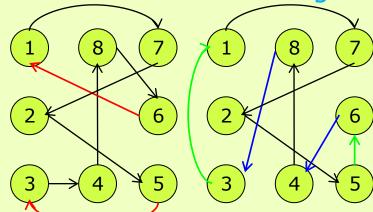
□ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ cu $g_i\neq g_i$ pentru orice $i\neq i$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i,g_i'\in\{val_1,val_2,...,val_L\}$, pt. i=1,2,...,L a.î. $g_i'\neq g_i'$ pentru orice $i\neq i$.

■ Mutaţie k-opt

- Ideea de bază
 - Se aleg 2 substringuri disjuncte și de lungime *k*

Se interchimbă 2 elemente ale acestor substringuri





k=2



- □ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i, g_i' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- Mutaţie uniformă
 - Ideea de bază
 - g_i este schimbată cu probabilitatea p_m la o valoare aleasă aleator uniform din $[LI_i, LS_i]$



□ Un cromozom $c=(g_1,g_2,...,g_L)$ devine $c'=(g_1',g_2',...,g_L')$, unde $g_i, g_i' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L

Mutaţie neuniformă

- Ideea de bază
 - valoarea unei gene este schimbată (cu probabilitatea p_m) prin adăugarea unei valori (pozitivă sau negativă)
 - valoarea → face parte dintr-o distribuţie
 - $N(\mu, \sigma)$ (Gaussiană) cu $\mu = 0$
 - Cauchy (x₀, γ)
 - Laplace (µ, b)
 - şi readusă la [LI_i, LS_i] (dacă este necesar) clamping

Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare - recombinarea

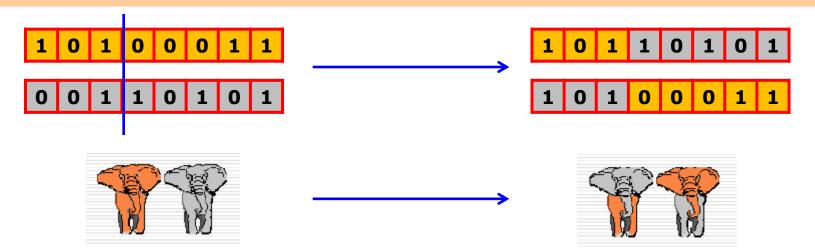


Scop

Amestecarea informaţiilor preluate din părinţi

Proprietăți

- Descendentul trebuie să moştenească ceva de la fiecare dintre părinți
 - Alegerea informaţilor care se amestecă este aleatoare
- Operator de exploatare probabilistică (p_c) a spaţiilor deja descoperite
- Descendenţii pot să fie mai buni, la fel de buni sau mai slabi decât părinţii lor
- Efectele sale se reduc pe măsură ce căutarea converge



Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare - recombinarea



- □ Tipologie în funcţie de reprezentarea indivizilor
 - Reprezentare binară şi întreagă
 - Cu puncte de tăietură
 - Uniformă
 - Reprezentare cu permutări
 - Încrucişare prin ordonare (versiunea 1 şi versiunea 2)
 - Încrucişare transformată parţial (Partially Mapped Crossover)
 - încrucişare ciclică
 - Încrucişare bazată pe legături (muchii)
 - Reprezentare reală
 - Discretă
 - Intermediară (aritmetică)
 - Aritmetică singulară
 - Aritmetică simplă
 - Aritmetică completă
 - Geometrică
 - Încrucişare amestecată
 - Încrucişare binară simulată
 - Reprezentare cu arbori
 - Încrucişare de sub-arbori → într-un curs viitor

Proiectare – recombinarea (reprez. binară și întreagă)



$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$$

- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in \{0,1\} / \{val_1, val_2, ..., val_k\}$, pt. i=1,2,...,L

□ Încrucişare cu *n* puncte de tăietură

- Ideea de bază
 - □ Se aleg n puncte de tăietură (n < L)
 - Se taie cromozomii părinți prin aceste puncte
 - Se lipesc părţile obţinute, alternând părinţii



Martie, 2018

Proiectare – recombinarea (reprez. binară și întreagă)

- □ Încrucişare cu *n* puncte de tăietură
 - Proprietăţi
 - Media valorilor codate de părinţi = media valorilor codate de descendenţi
 - Ex. Reprezentarea binară pe 4 biţi a numerelor întregi XO cu n = 1 dupa bitul 2
 - $p_1 = (1,0,1,0), p_2 = (1,1,0,1)$
 - $d_1 = (1,0,0,1), d_2 = (1,1,1,0)$
 - $val(p_1) = 10$, $val(p_2) = (13) \rightarrow (val(p_1) + val(p_2))/2 = 23/2 = 11.5$
 - $val(d_1) = 9$, $val(d_2) = (14) \rightarrow (val(d_1) + val(d_2))/2 = 23/2=11.5$
 - Ex. Reprezentare binară pe 4 biţi pentru problema rucsacului de capacitate K
 = 10 cu 4 obiecte de greutate şi valoare ((2,7), (1,8), (3,1), (2,3))
 - $p_1 = (1,0,1,0), p_2 = (1,1,0,1)$
 - $d_1 = (1,0,0,1), d_2 = (1,1,1,0)$
 - $val(p_1) = 8$, $val(p_2) = 18 \rightarrow (val(p_1) + val(p_2))/2 = 26/2=13$
 - $val(d_1) = 10$, $val(d_2) = 16 \rightarrow (val(d_1) + val(d_2))/2 = 26/2=13$
 - \blacksquare Probabilitatea apariției unui factor de răspândire $\beta\approx 1$ este mai mare decât probabilitatea oricărui alt factor

$$\beta = \left| \frac{val(d_1) - val(d_2)}{val(p_1) - val(p_2)} \right|$$

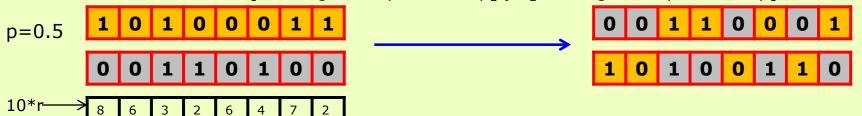
- Încrucişare prin contracţie β < 1
 - Valorile descendenților se află între valorile părinților
- Încrucişare prin extensie β > 1
 - Valorile părinților se află între valorile descendenților
- Încrucişare staţionară β = 1
 - Valorile descendenţilor coincid cu valorile părinţilor

Proiectare – recombinarea (reprez. binară și întreagă)



$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ și } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$$

- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in \{0,1\} / \{val_1, val_2, ..., val_k\}, pt. i=1,2,...,L$
- □ Încrucişare uniformă
 - Ideea de bază
 - Fiecare genă a unui descendent provine dintr-un părinte ales aleator şi uniform:
 - Pentru fiecare genă în parte se generează un număr aleator r care respectă legea uniformă
 - Dacă numărul generat r < probabilitatea p (de obicei p=0.5), c_1 va lua gena respectivă din p_1 și c_2 va lua gena respectivă din p_2 ,
 - Altfel c_1 va lua gena respectivă din p_2 şi c_2 va lua gena respectivă din p_1



Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)



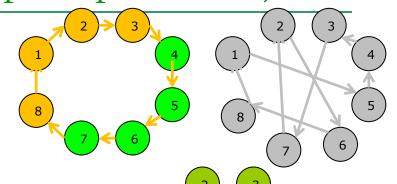
•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

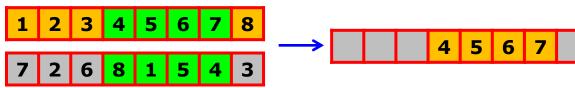
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L

Încrucişare ordonată

- Ideea de bază
 - Descendenţii păstrează ordinea de apariţie a genelor părinţilor

 - Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)





Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)



•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i], pt. i=1,2,...,L$

Încrucişare ordonată

- Descendenţii păstrează ordinea de apariţie a genelor părinţilor
- Se alege un substring de gene din primul părinte p₁
- Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
- Se copiază genele din p_2 în descendentul d_1 astfel:
 - Începând cu prima poziţie de după terminarea substringului
 - Respectând ordinea genelor din p₂ şi
 - Re-luând genele de la prima poziţe (dacă s-a ajuns la sfârşit)









Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)



•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i], pt. i=1,2,...,L$

□ Încrucişare ordonată

- Ideea de bază
 - Descendenţii păstrează ordinea de apariţie a genelor părinţilor
 - \square Se alege un substring de gene din primul părinte p_1
 - Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
 - Se copiază genele din p_2 în descendentul d_1 astfel:
 - Începând cu prima poziție de după terminarea substringului
 - Respectând ordinea genelor din p₂ şi
 - Re-luând genele de la prima pozițe (dacă s-a ajuns la sfârșit)

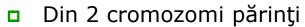








Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)



•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i], pt. i=1,2,...,L$

Încrucişare ordonată

Ideea de bază

- Descendenţii păstrează ordinea de apariţie a genelor părinţilor
- Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
- Se copiază genele din p_2 în descendentul d_1 astfel:
 - Începând cu prima poziţie de după terminarea substringului
 - Respectând ordinea genelor din p₂ şi
 - Re-luând genele de la prima poziţe (dacă s-a ajuns la sfârşit)

Inteligentă artificială - metode de căutare locală (AE)









Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)



•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

- se obțin 2 descendenți
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ şi $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i], pt. i=1,2,...,L$

Încrucişare ordonată

- Descendenţii păstrează ordinea de apariţie a genelor părinților
- Se alege un substring de gene din primul părinte p₁
- Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
- Se copiază genele din p_2 în descendentul d_1 astfel:
 - Începând cu prima poziție de după terminarea substringului
 - Respectând ordinea genelor din p_2 și
 - Re-luând genele de la prima pozite (dacă s-a ajuns la sfârșit)







Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)



•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i], pt. i=1,2,...,L$

□ Încrucişare ordonată

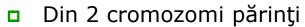
- Descendenţii păstrează ordinea de apariţie a genelor părinţilor
- Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
- Se copiază genele din p_2 în descendentul d_1 astfel:
 - Începând cu prima poziţie de după terminarea substringului
 - Respectând ordinea genelor din p₂ şi
 - Re-luând genele de la prima poziţe (dacă s-a ajuns la sfârşit)







Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)

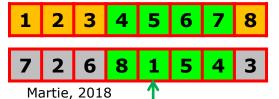


•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L

Încrucişare ordonată

- Descendenţii păstrează ordinea de apariţie a genelor părinţilor
- Se alege un substring de gene din primul părinte p₁
- Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
- Se copiază genele din p_2 în descendentul d_1 astfel:
 - Începând cu prima poziţie de după terminarea substringului
 - Respectând ordinea genelor din p₂ şi
 - Re-luând genele de la prima poziţe (dacă s-a ajuns la sfârşit)







Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)



•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

- se obțin 2 descendenți
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ şi $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L

Încrucişare ordonată

Ideea de bază

- Descendenţii păstrează ordinea de apariţie a genelor părinților
- Se alege un substring de gene din primul părinte p₁
- Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
- Se copiază genele din p_2 în descendentul d_1 astfel:
 - Începând cu prima poziție de după terminarea substringului
 - Respectând ordinea genelor din p_2 și
 - Re-luând genele de la prima pozițe (dacă s-a ajuns la sfârșit)
- \square Se reia procedeul pentru al doilea descendent d_2 .



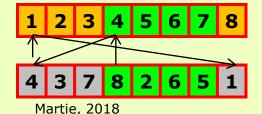




71

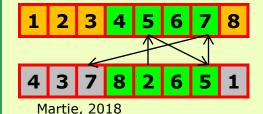
Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)

- □ Din 2 cromozomi părinţi
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i], pt. i=1,2,...,L$
- □ Încrucişare parţial transformată (partially mapped XO)
 - Ideea de bază
 - Se alege un substring de gene din primul părinte p₁
 - Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
 - Se iau pe rând elementele i din substringul din p_2 care nu apar în substringul din p_1 şi se determină care element j a fost copiat în locul lui din p_1
 - Se plasează i în d_1 în poziția ocupată de j în p_2 (dacă locul este liber)
 - Dacă locul ocupat de j în p_2 a fost deja completat în d_1 cu elementul k, i se pune în locul ocupat de k în p_2
 - Restul elementelor se copiază din p_2 în d_1
 - ullet Pentru descendentul d_2 se procedează similar, dar inversând părinții

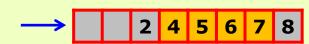




- □ Din 2 cromozomi părinţi
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- □ Încrucişare parţial transformată (partially mapped XO)
 - Ideea de bază
 - Se alege un substring de gene din primul părinte p₁
 - Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
 - Se iau pe rând elementele i din substringul din p_2 care nu apar în substringul din p_1 şi se determină care element j a fost copiat în locul lui din p_1
 - Se plasează i în d_1 în poziția ocupată de j în p_2 (dacă locul este liber)
 - Dacă locul ocupat de j în p_2 a fost deja completat în d_1 cu elementul k, i se pune în locul ocupat de k în p_2
 - Restul elementelor se copiază din p_2 în d_1
 - ullet Pentru descendentul d_2 se procedează similar, dar inversând părinții







Proiectare – recombinarea (reprez. permutare)



•
$$p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$$
 şi $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$

- se obțin 2 descendenți
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ şi $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L

Încrucişare parţial transformată

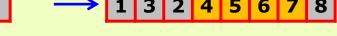
- Ideea de bază
 - Se alege un substring de gene din primul părinte p₁
 - ullet Se copiază substringul din p_1 în descendentul d_1 (pe poziții corespondente)
 - lacktriangle Se iau pe rând elementele *i* din substringul din p_2 care nu apar în substringul din p_1 și se determină care element j a fost copiat în locul lui din p_1
 - Se plasează i în d_1 în poziția ocupată de j în p_2 (dacă locul este liber)
 - Dacă locul ocupat de j în p_2 a fost deja completat în d_1 cu elementul k, i se pune în locul ocupat de k în p_2
 - Restul elementelor se copiază din p_2 în d_1
 - Pentru descendentul d_2 se procedează similar, dar inversând părinții



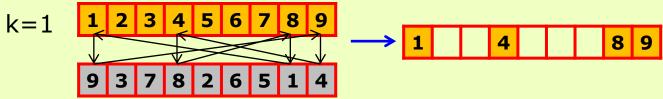




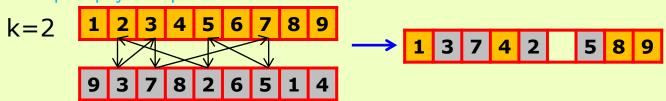
1



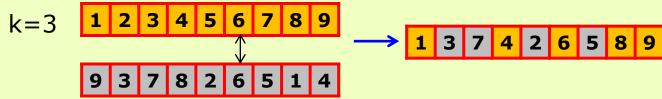
- Din 2 cromozomi părinți
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- □ Încrucişare ciclică
 - Ideea de bază
 - 1. iniţial k = 1
 - 2. Se formează un ciclu
 - Se adaugă în ciclu gena de pe poziţia k din p1 (g_k¹)
 - Se consideră gena de pe poziţia k din p2 (g_k²)
 - Se alege gena din p1 cu valoarea egală cu g_k² (g_r¹) şi se include în ciclu
 - Se consideră gena de pe poziția r din p2 (g_r²)
 - Se repetă paşii anteriori până când se ajunge la gena de pe poziţia k din p1
 - 3. Se copiază genele din ciclu în d1 (respectând poziițiile pe care apar în p1)
 - 4. Se incrementează k și se formează un nou ciclu dar cu genele din p2
 - 5. Se copiază genele din ciclu în d1 (respectând poziiţiile pe care apar în p2)
 - 6. Se repetă pașii 2-5 până când k = L



- Din 2 cromozomi părinți
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ si $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- □ Încrucişare ciclică
 - Ideea de bază
 - 1. iniţial k = 1
 - 2. Se formează un ciclu
 - Se adaugă în ciclu gena de pe poziţia k din p1 (g_k¹)
 - Se consideră gena de pe poziția k din p2 (q_k²)
 - Se alege gena din p1 cu valoarea egală cu g_k² (g_r¹) şi se include în ciclu
 - Se consideră gena de pe poziția r din p2 (g_r²)
 - Se repetă paşii anteriori până când se ajunge la gena de pe poziţia k din p1
 - 3. Se copiază genele din ciclu în d1 (respectând poziițiile pe care apar în p1)
 - 4. Se incrementează k și se formează un nou ciclu dar cu genele din p2
 - 5. Se copiază genele din ciclu în d1 (respectând poziițiile pe care apar în p2)
 - 6. Se repetă pașii 2-5 până când k = L



- □ Din 2 cromozomi părinţi
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$ şi $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- □ Încrucişare ciclică
 - Ideea de bază
 - 1. iniţial k = 1
 - 2. Se formează un ciclu
 - Se adaugă în ciclu gena de pe poziţia k din p1 (g_k¹)
 - Se consideră gena de pe poziția k din p2 (q_k²)
 - Se alege gena din p1 cu valoarea egală cu g_k^2 (g_r^1) și se include în ciclu
 - Se consideră gena de pe poziția r din p2 (g_r²)
 - Se repetă paşii anteriori până când se ajunge la gena de pe poziţia k din p1
 - 3. Se copiază genele din ciclu în d1 (respectând poziițiile pe care apar în p1)
 - 4. Se incrementează k și se formează un nou ciclu dar cu genele din p2
 - 5. Se copiază genele din ciclu în d1 (respectând poziițiile pe care apar în p2)
 - 6. Se repetă pașii 2-5 până când k = L



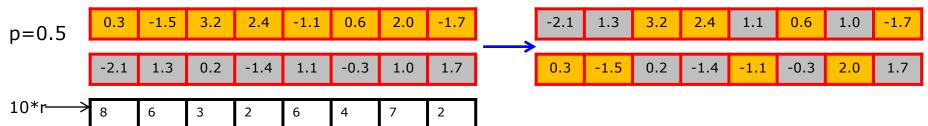
- □ Din 2 cromozomi părinţi
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- Încrucişare bazată pe muchii
 - A se consulta: Whitley, Darrell, Timothy Starkweather, D'Ann Fuquay (1989). "Scheduling problems and traveling salesman: The genetic edge recombination operator".International Conference on Genetic Algorithms. pp. 133–140 <u>link</u>

Proiectare – recombinarea (reprez. reală)

- Din 2 cromozomi părinţi
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$ și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- Încrucişare discretă
 - Ideea de bază

Martie, 2018

- Fiecare genă a unui descendent este luată (cu aceeaşi probabilitate, p = 0.5) dintr-unul din părinți
- Similar încrucişării uniforme de la reprezentarea binară/întreagă
- Nu se modifică valorile efective ale genelor (nu se creează informaţie nouă)



Inteligentă artificială - metode de căutare locală (AE)

Proiectare – recombinarea (reprez. reală)

- Din 2 cromozomi părinți
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$ şi $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obțin 2 descendenți

 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$, unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i = 1, 2, ..., L

□ Încrucişare intermediară (aritmetică)

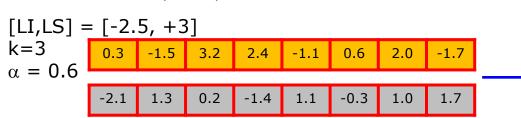
- Ideea de bază
 - □ Se creează copii aflaţi (ca valoare) între părinţi → încrucişare aritmetică
 - $z_i = \alpha x_i + (1 \alpha) y_i$ unde $\alpha : 0 \le \alpha \le 1$.
 - \square Parametrul α poate fi:
 - Constant → încrucisare aritmetică uniformă
 - Variabil → ex. dependent de vârsta populaţiei
 - Aleator pt fiecare încrucişare produsă
 - Apar noi valori ale genelor

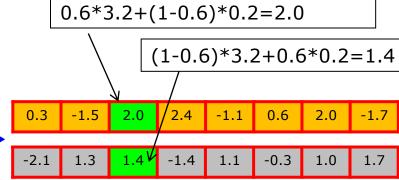
Tipologie

- Încrucișare aritmetică singulară
- Încrucişare aritmetică simplă
- Încrucişare aritmetică completă

Proiectare – recombinarea (reprez. reală)

- □ Din 2 cromozomi părinți
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- □ Încrucişare intermediară (aritmetică) singulară
 - Se alege câte o genă (de acelaşi index k) din cei doi părinţi şi se combină
 - $g_{k}' = \alpha g_{k}^{1} + (1-\alpha)g_{k}^{2}$
 - $g_{k}'' = (1-\alpha)g_{k}^{1} + \alpha g_{k}^{2}$
 - Restul genelor rămân neschimbate
 - $g_i' = g_i^1$
 - $g_i''=g_i^2$, pentru i=1,2,...,L şi $i \neq k$





Proiectare – recombinarea (reprez. reală)

- Din 2 cromozomi părinți
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_1^1)$ si $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_1^2)$
- se obțin 2 descendenți
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_1')$ si $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_1'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- Încrucişare intermediară (aritmetică) simplă
 - Se alege o poziție k şi se combină toate genele de după acea poziție
 - $g_i' = \alpha g_i^1 + (1-\alpha)g_i^2$
 - $g_{i}'' = (1-\alpha)g_{i}^{1} + \alpha g_{i}^{2}$, pentru i=k, k+1, ..., L
 - Genele de pe poziţii < k rămân neschimbate
 - $q_i'=q_i^1$
 - $g_{i}''=g_{i}^{2}$, pentru i=1,2,...,k-1

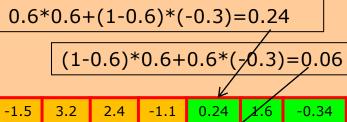
[LI,LS] = [-2.5, +3]

$$k=6$$

 $\alpha = 0.6$
0.3 -1.5 3.2 2.4 -1.1 0.6 2.0

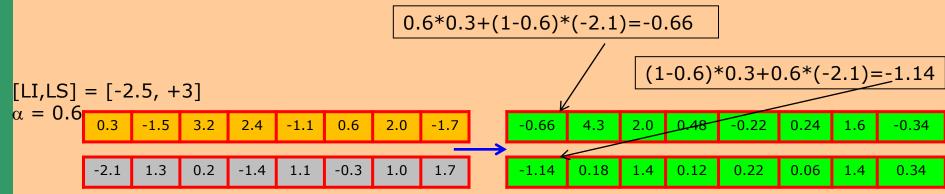
2.0 -1.7

1.3



Proiectare – recombinarea (reprez. reală)

- □ Din 2 cromozomi părinţi
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i], pt. i=1,2,...,L$
- □ Încrucişare intermediară (aritmetică) completă
 - Toate genele (de pe poziții corespunzătoare) se combină
 - $g_i' = \alpha g_i^1 + (1-\alpha)g_i^2$
 - $g_{i}'' = (1-\alpha)g_{i}^{1} + \alpha g_{i}^{2}$, pentru i=1,2,...,L



Martie, 2018

Proiectare – recombinarea (reprez. reală)

- Din 2 cromozomi părinţi
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$ și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- Încrucişare geometrică
 - Ideea de bază
 - Fiecare genă a unui descendent reprezintă produsul genelor părinţilor, fiecare cu un anumit exponent ω , respectiv 1- ω (unde ω număr real pozitiv subunitar)
 - $g_i' = (g_i^1)^{\omega} (g_i^2)^{1-\omega}$
 - $g_i'' = (g_i^1)^{1-\omega} (g_i^2)^{\omega}$

0.3^{0.7}+2.1^{1-0.7}=1.68

 $\begin{bmatrix} LI,LS \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} -2.5, +3 \end{bmatrix}$ $\omega = 0.7 \quad 0.3 \quad 1.5 \quad 3.2 \quad 2.4 \quad 1.1 \quad 0.6 \quad 2.0 \quad 1.7$ $2.1 \quad 1.3 \quad 0.2 \quad 1.4 \quad 1.1 \quad 0.3 \quad 1.0 \quad 1.7$

 1.68
 2.41
 2.87
 2.95
 2.10
 1.40
 2.62
 2.62

 $0.3^{1-0.7}+2.1^{0.7}=2.38$

Proiectare – recombinarea (reprez. reală)

- Din 2 cromozomi părinți
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1)$ și $p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţine 1 descendent
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L'),$
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- □ Încrucişare amestecată (*blend crossover BLX*)
 - Ideea de bază
 - Se generează un singur descendent
 - Genele g_i ale descendentului sunt alese aleator în intervalul [Min_i -I*a, Max_i+I*a], unde:
 - $Min_i = min\{g_i^1, g_i^2\}, Max_i = max\{g_i^1, g_i^2\}$
 - I = Max Min, a parametru din [0,1]

Min-Ia -0.26 1.16 -1.90	0.70	1.10	0.09	0.30	1.70
Max+Ia 2.66 1.50 3.20	2.40	1.10	0.60	2.00	1.70

1.25 | 1.45 | -1.11 | 2.37 | 1.10 | 0.11 | 0.70 | 1.70

Proiectare – recombinarea (reprez. reală)

- □ Din 2 cromozomi părinţi
 - $p_1 = (g_1^1, g_2^1, ..., g_L^1) \text{ si } p_2 = (g_1^2, g_2^2, ..., g_L^2)$
- se obţin 2 descendenţi
 - $c_1 = (g_1', g_2', ..., g_L')$ și $c_2 = (g_1'', g_2'', ..., g_L'')$,
 - unde $g_i^1, g_i^2, g_i', g_i'' \in [LI_i, LS_i]$, pt. i=1,2,...,L
- □ Încrucişare binară simulată
 - Ideea de bază
 - Fiecare genă a unui descendent reprezintă o combinație a genelor părinților $d_1 = \frac{p_1 + p_2}{2} \beta \frac{p_2 p_1}{2}, \ d_2 = \frac{p_1 + p_2}{2} + \beta \frac{p_2 p_1}{2}$
 - a.î. să se respecte cele 2 proprietăți de la încrucișarea cu n puncte de tăietură (pt. reprezentarea binară)
 - media valorilor codate în părinţi = media valorilor codate în descendenţi
 - probabilitatea apariţiei unui factor de răspândire $\beta \approx 1$ este mai mare decât a oricărui alt factor





Recombinarea multiplă

- Bazată pe frecvenţa valorilor din părinţi (încrucişare uniformă generală)
- Bazată pe segmentare şi recombinare (încrucişare generală cu puncte de tăietură diagonală)
- Bazată pe operaţii numerice specifice valorilor reale (încrucişare bazată pe centrul de masă, încrucişare generală aritmetică)

Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare – mutație sau recombinare?

Dezbateri aprinse

- Întrebări:
 - care operator este mai bun?
 - care operator este necesar?,
 - care operator este mai important?
- Răspunsuri:
 - Depinde de problemă, dar
 - În general, este bine să fie folosiţi ambii operatori
 - Fiecare având alt rol
 - Sunt posibili AE doar cu mutație, dar nu sunt posibili AE doar cu încrucişare
- Aspecte ale căutării:
 - Explorare → descoperirea regiunilor promiţătoare ale spaţiului de căutare (acumulând informaţie utilă despre problemă)
 - Exploatare → optimizarea într-o regiune promiţătoare (folosind informaţia existentă)
 - Trebuie să existe cooperare şi competiţie între aceste 2 aspecte
- Încrucişarea
 - Operator exploatativ, realizând un mare salt într-o regiune undeva între regiunile asociate părinţilor
 Efectele exploatative se reduc pe măsură ce AE converge
 - Operator binar (n-ar) care poate combina informaţia din 2 (sau mai mulţi) părinţi
 - Operator care nu schimbă frecvenţa valorilor din cromozomi la nivelul întregii populaţii
- Mutaţia
 - Operator explorativ, realizând mici diversiuni aleatoare, rămânând în regiunea apropiată părintelui
 Evadarea din optimele locale
 - Operator care poate introduce informație genetică nouă
 - Operator care schimbă frecvenţa valorilor din cromozomi la nivelul întregii populaţii

Algoritmi evolutivi – algoritm Proiectare – criteriu de oprire



- Stabilirea unui criteriu de stop
 - S-a identificat soluţia optimă
 - S-au epuizat resursele fizice
 - S-a efectuat un anumit număr de evaluaări ale funcţiei de fitness
 - S-au epuizat resursele utilizatorului (timp, răbdare)
 - S-au "născut" câteva generaţii fără îmbunătăţiri



- Evaluarea performanţelor unui AE
 - După mai multe rulări se calculează:
 - Măsuri statistice
 - media soluţiilor,
 - mediana soluţiilor,
 - cea mai bună soluţie,
 - cea mai slabă soluţie,
 - deviaţia standard pentru comparabilitate
 - Calculate pentru un număr suficient de mare de rulări independente



Algoritmi evolutivi

- Analiza complexităţii
 - Partea cea mai costisitoare → calculul fitnessului





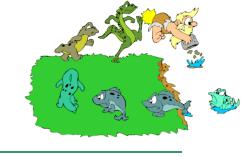
Avantaje

- Schema AE universală pentru toate problemele
 - se modifică doar
 - reprezentarea
 - funcţia de fitness
- AE sunt capabili să producă rezultate mai bune decât metodele convenţionale de optimizare pentru că:
 - nu necesită liniarizare
 - nu implică anumite presupuneri (continuitate, derivabilitate, etc. a funcţiei obiectiv)
 - nu ignoră anumite potențiale soluții
- AE sunt capabili să exploreze mai multe potenţiale soluţii decât poate explora omul





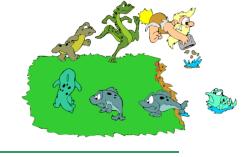
- Dezavantaje
 - Timp de rulare îndelungat



Algoritmi evolutivi

Aplicaţii

- Proiectări vehicule
 - Componenţa materialelor
 - Forma vehiculelor
- Proiectări inginereşti
 - Optimizarea structurală și organizatorică a construcțiilor (clădiri, roboți, sateliți, turbine)
- Robotică
 - Optimizarea proiectării, funcţionării componentelor
- Evoluare de hardware
 - Optimizarea de circuite digitale
- Optimizarea telecomunicaţiilor
- Generarea de glume şi jocuri de cuvinte
- Invenţii biomimetice (inspirate de arhitecturi naturale)
- Rutări pentru trafic şi transporturi
- Jocuri de calculator
- Criptări
- Profilul expresiv al genelor
- Analiza chimcă a cinecticii
- Strategii financiare şi marketing



Algoritmi evolutivi

- □ Tipuri de algoritmi evolutivi
 - Strategii evolutive
 - Programare evolutivă
 - Algoritmi genetici
 - Programare genetică

Cursul următor

A. Scurtă introducere în Inteligența Artificială (IA)

B. Rezolvarea problemelor prin căutare

- Definirea problemelor de căutare
- Strategii de căutare
 - Strategii de căutare neinformate
 - Strategii de căutare informate
 - Strategii de căutare locale (Hill Climbing, Simulated Annealing, Tabu Search, Algoritmi evolutivi, PSO, ACO)
 - Strategii de căutare adversială

c. Sisteme inteligente

- Sisteme care învaţă singure
 - Arbori de decizie
 - Rețele neuronale artificiale
 - Masini cu suport vectorial
 - Algoritmi evolutivi
- Sisteme bazate pe reguli
- Sisteme hibride

Cursul următor – Materiale de citit și legături utile

- capitolul 16 din *C. Groşan, A. Abraham, Intelligent Systems: A Modern Approach, Springer, 2011*
- James Kennedy, Russel Eberhart, Particle Swarm Optimisation, Proceedings of IEEE International Conference on Neural Networks. IV. pp. 1942–1948, 1995 (04_ACO_PSO/PSO_00.pdf)
- Marco Dorigo, Christian Blum, Ant colony optimization theory: A survey, Theoretical Computer Science 344 (2005) 243 - 27 (04_ACO_PSO/Dorigo05_ACO.pdf)

- Informaţiile prezentate au fost colectate din diferite surse de pe internet, precum şi din cursurile de inteligenţă artificială ţinute în anii anteriori de către:
 - Conf. Dr. Mihai Oltean www.cs.ubbcluj.ro/~moltean
 - Lect. Dr. Crina Groşan <u>www.cs.ubbcluj.ro/~cgrosan</u>
 - Prof. Dr. Horia F. Pop www.cs.ubbcluj.ro/~hfpop