### Universidade Federal do Rio Grande do Norte Instituto Metrópole Digital IMD0601 - Bioestatística

# Distribuição multivariada

Prof. Dr. Tetsu Sakamoto Instituto Metrópole Digital - UFRN Sala A224, ramal 182 Email: tetsu@imd.ufrn.br







### Baixe a aula (e os arquivos)

- Para aqueles que não clonaram o repositório:
- > git clone https://github.com/tetsufmbio/IMD0601.git
- Para aqueles que já tem o repositório local:
- > cd /path/to/IMD0601
- > git pull

### Revisão

Probabilidade condicional

Independência entre os eventos

Distribuição multivariada

- Discreta e Contínua;
- Distribuição conjunta;
- Distribuição marginal;
- Distribuição condicional.

### Distribuições multivariadas comuns

- Multinomial
- Normal multivariada
- Distribuição de Dirichlet

O mais comum entre as distribuições multivariada discreta;

Extensão da distribuição binomial → 3 ou mais resultados possíveis;

Considere o experimento:

**n** experimentos independentes;

Cada experimento → r tipos diferentes de resultados;

Probabilidade de qualquer resultado  $\rightarrow$  constante (p<sub>1</sub>,p<sub>2</sub>, ..., p<sub>r</sub>);

Soma das probabilidades  $\rightarrow$  1 (p<sub>1</sub>+p<sub>2</sub>+ ... + p<sub>r</sub> = 1)

Considere o experimento:

**n** experimentos independentes;

Cada experimento → r tipos diferentes de resultados;

Probabilidade de qualquer resultado  $\rightarrow$  constante (p<sub>1</sub>,p<sub>2</sub>, ..., p<sub>r</sub>);

Soma das probabilidades  $\rightarrow$  1 (p<sub>1</sub>+p<sub>2</sub>+ ... + p<sub>r</sub> = 1)

Se contarmos o número de vezes que cada resultado ocorre, temos um conjunto de  ${\bf r}$  variáveis aleatórias ( ${\bf X_1}, {\bf X_2}, ..., {\bf X_r}$ ), onde  ${\bf X_i}$  é a contagem do j-ésimo resultado;

$$X_j = x_j$$
  
  $x_1 + x_2 + ... + x_r = n$ 

Como estamos lidando com uma série de eventos independentes:

$$p_1^{x1}p_2^{x2} ... p_r^{xr}$$

Análise combinatória → número de combinações possíveis considerando r grupos;

$$inom{n}{x_1,x_2,...,x_r} = rac{n!}{x_1!x_2!...x_r!}$$
 Coeficiente multinomial

Combinando as duas equações temos:

$$p(x_1,x_2,\dots,x_r) = rac{n!}{x_1!x_2!...x_r!} p_1^{x_1} p_2^{x_2} \dots p_r^{x_r}$$

#### Aplicação:

• Modelar a distribuição conjunta do número de genótipos observados.

#### Exemplo simples:

- Gene contendo 2 alelos (A e a);
- Genótipos possíveis → AA, Aa, aa
- Número de indivíduos com cada genótipo → n<sub>AA</sub>, n<sub>Aa</sub>, n<sub>aa</sub>
- Formalizando em um modelo probabilístico  $\Rightarrow$  X =  $n_{AA}$ , Y =  $n_{AA}$ , Z =  $n_{AA}$
- Probabilidades → P<sub>AA</sub>, P<sub>Aa</sub>, P<sub>aa</sub>

$$p(X=n_{AA},Y=n_{Aa},Z=n_{aa})=rac{n!}{n_{AA}!n_{Aa}!n_{aa}!}(P_{AA})^{n_{AA}}(P_{Aa})^{n_{Aa}}(P_{aa})^{n_{aa}}$$

#### Suponha que:

- 20 indivíduos
- Genótipos → n<sub>AA</sub> = 4, n<sub>AB</sub> = 14, n<sub>BB</sub> = 2
- Estimativa dos parâmetros multinomiais:

$$P_{AA} = 0.2; P_{Aa} = 0.7; P_{aa} = 0.1$$

Como não temos muitos dados, podemos simular dados com estes parâmetros para gerar gráficos e verificar outros detalhes da distribuição.

### Distribuição normal multivariada

Amplamente utilizada em estatística multivariada;

Distribuição normal univariada:

$$f(x)=rac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{rac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2}}$$

distribuição conjunta de X e Y → produto das distribuições marginais de X e Y(caso independentes).

$$f(x,y)=f(x)f(y)=rac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{rac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2}}rac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{rac{(y-\mu)^2}{2\sigma^2}}$$

### Distribuição normal multivariada

$$f(x,y)=f(x)f(y)=rac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{rac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2}}rac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{rac{(y-\mu)^2}{2\sigma^2}}$$

Reduzindo a fórmula anterior considerando distribuições normais padrão.

$$f(x,y) = rac{1}{\sqrt{2\pi}}e^{rac{x^2}{2}} rac{1}{\sqrt{2\pi}}e^{rac{y^2}{2}} = rac{1}{\sqrt{2\pi}}e^{rac{x^2+y^2}{2}}$$

### Distribuição Dirichlet

#### Versão multivariada da distribuição beta;

Distribuição beta → Usado para modelar dados na forma de proporção;

$$f(x) = rac{1}{eta(lpha,eta)} x^{lpha-1} (1-x)^{eta-1}, 0 < x < 1 \;\; eta(lpha,eta) = rac{\Gamma(lpha)\Gamma(eta)}{\Gamma(lpha+eta)}$$

Exemplo → modelar dados de proporção de nucleotídeos (A, T, C, G) em uma sequência de DNA;

 $X_1, X_2, ..., X_k \rightarrow conjunto de proporções;$ 

$$f(X_1,X_2,\ldots,X_k)=rac{\Gamma(\sumlpha_i)}{\prod\Gamma(lpha_i)}\prod(X_i)^{lpha_i-1}$$

## Distribuição Dirichlet

Exemplo simples → modelar a distribuição conjunta das proporções de purinas (A e G) e pirimidinas (C e T) em uma dada sequência:

$$k = 2;$$

X1 → proporção de purinas (p1); X2 → proporção de pirimidinas (p2);

$$f(X_1,X_2) = rac{\Gamma(\displaystyle\sum_{i=0}^2 lpha_i)}{\displaystyle\prod_{i=0}^2 \Gamma(lpha_i)} \prod_{i=0}^2 (x_i)^{lpha_i-1}$$

$$f(X_1,X_2)=rac{\Gamma(3)}{\Gamma(1)\Gamma(2)}(p_1)^{1-1}(p_2)^{2-1}$$

$$f(X_1,X_2)=rac{\Gamma(3)}{\Gamma(1)\Gamma(2)}(p_1)^{1-1}(1-p_1)^{2-1}$$

Equivalente a distribuição beta de  $\alpha=\alpha 1=1$ ,  $\beta=\alpha 2=2$