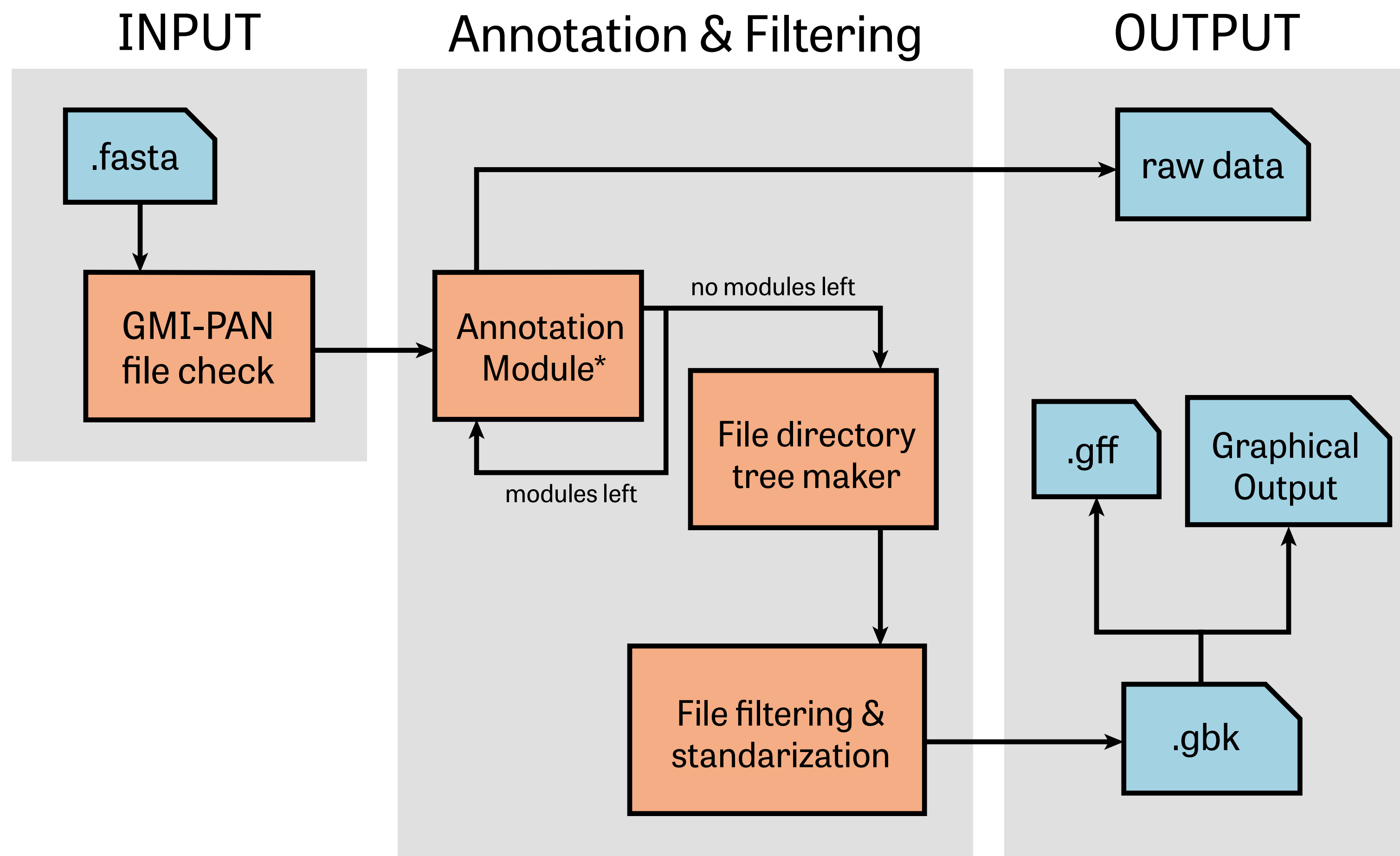
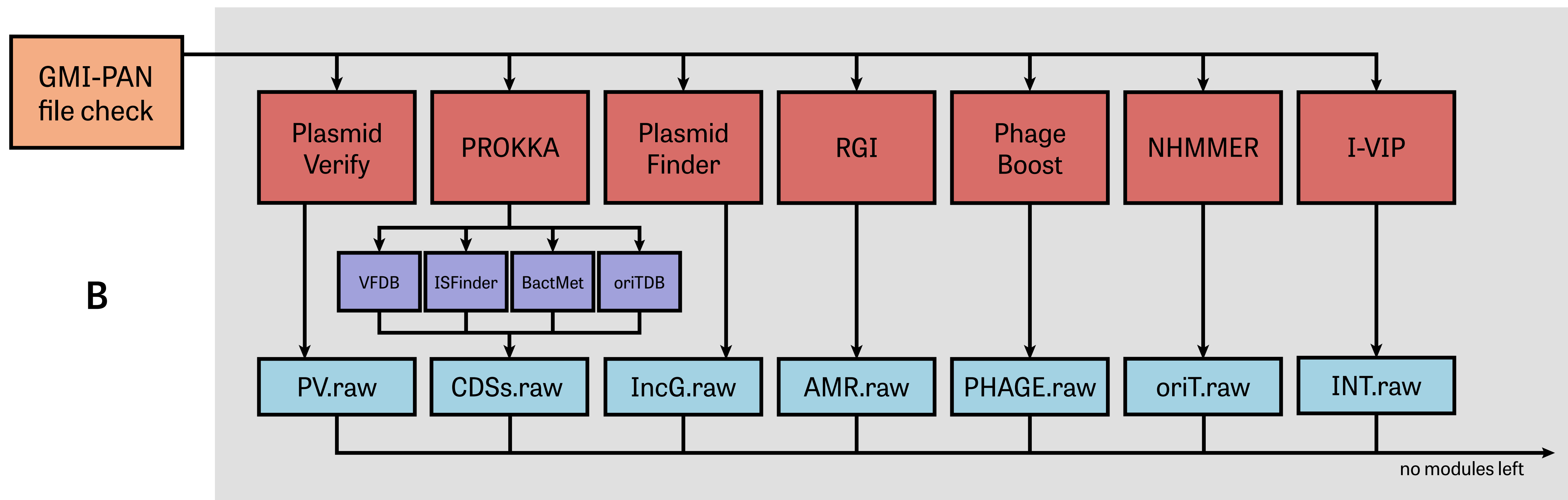


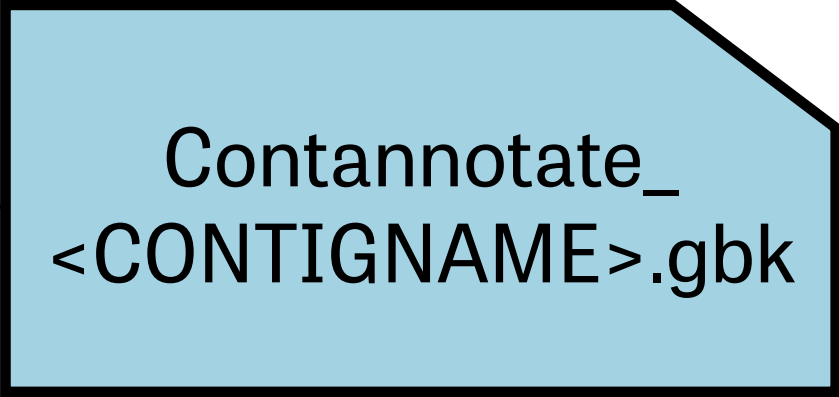
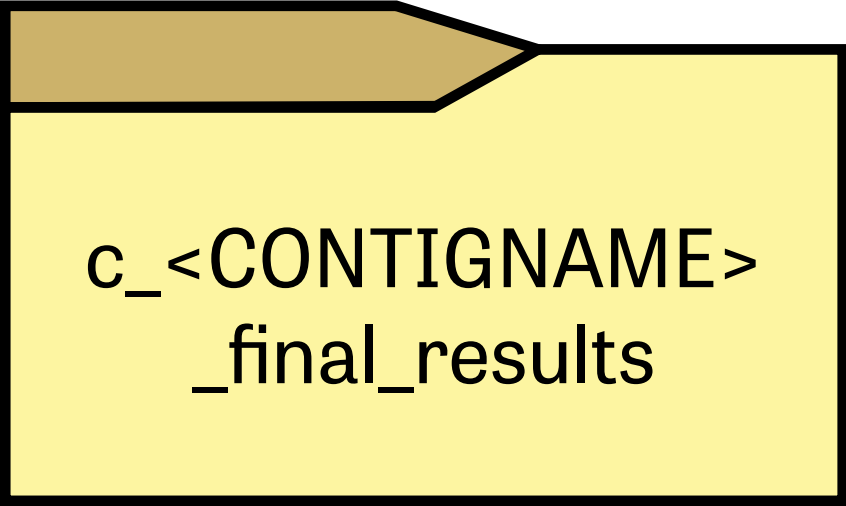
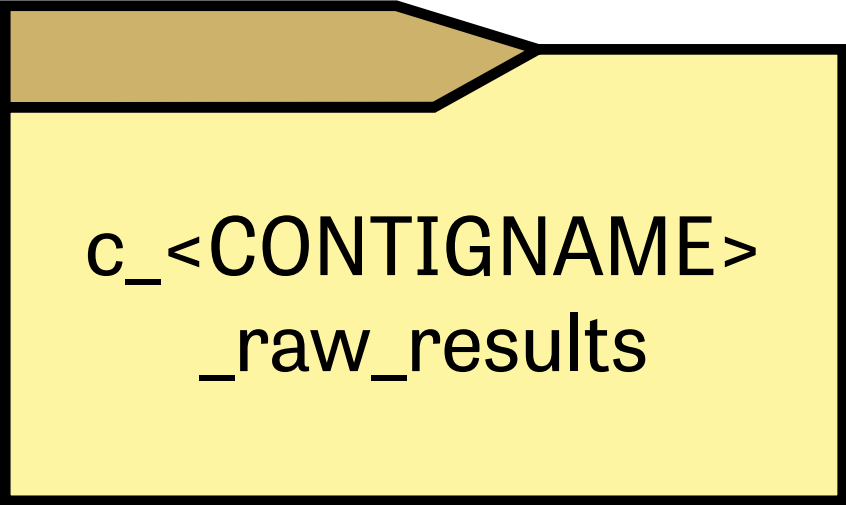
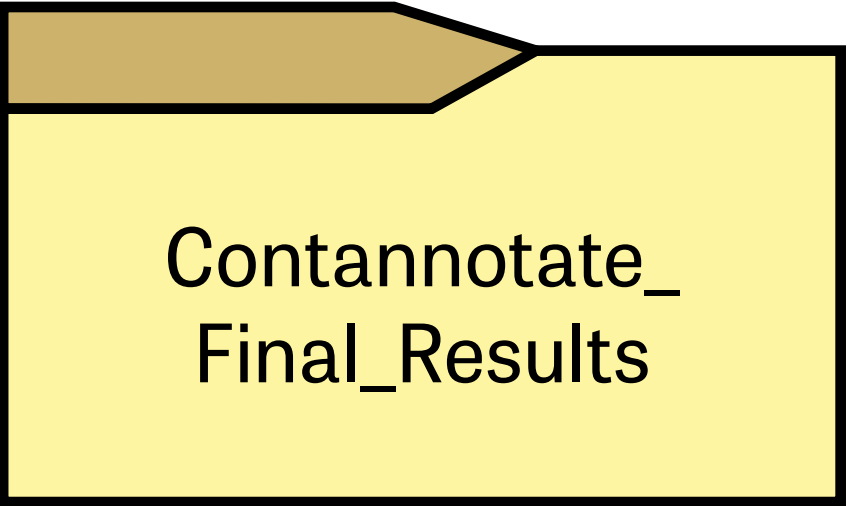
**A**



**\*Annotation Module**

**B**





Herramienta (referencia)	Determinante(s)
<i>PROKKA</i> (Seeman, T. 2014)	Secuencias codificantes (CDS), Resistencias a Metales, Transposones (Tn) y Sistemas de Secreción (TXSS)
<i>PlasmidVerify</i> (Antipov, D. et al. 2019)	Genoma bacteriano de tipo: Cromosomal / Plasmidial
<i>PlasmidFinder</i> (Carattoli, A. et al. 2014)	Grupo de Incompatibilidad (IncG)
<i>Resistance Genome Identifier</i> (RGI) (Alcock, B. et al. 2020)	Resistencia a Antibióticos
<i>PhageBoost</i> (Kimmo, S. et al. 2020)	Profagos (PHAGE)
<i>NHMMER</i> (Wheeler, T. et Eddy, S. 2013)	Origen de Transferencia (oriT)
<i>I-VIP</i> (Zhang, A. et al. 2018)	Integriones (INT)

Base de Datos (referencia)	Determinante(s)	Fecha de descarga
VFDB (Chen, L. et al. 2004)	Factores de Virulencia	10/11/2021
BactMet (Pal, C. et al. 2013)	Resistencia a Metales	26/01/2022
ISFinder (Siguier, P. et al. 2006)	Secuencias de Inserción	18/11/2021
oriTDB (Li, X. et al. 2018)	Origen de Transferencia, Relaxasa, proteína de acoplamiento de tipo IV (T4CP) y proteínas auxiliares	07/12/2021

OUTPUT	Descripción
<i>c_&lt;CONTIGNAME&gt;_raw_results</i>	Directorio con resultados brutos del pipeline de anotación
<i>c_&lt; CONTIGNAME&gt;_final_results</i>	Directorio con resultados estandarizados del pipeline de anotación
<i>Contannotate_&lt;CONTIGNAME&gt;.gbk</i>	Archivo GenBank, además de una lista de determinantes anotados posee una ficha estándar con datos de identificación y referencia sobre el contig analizado
<i>Contannotate_&lt;CONTIGNAME&gt;.gff</i>	Archivo <i>General Feature Format</i> con un listado estándar de todos los determinantes identificados en los diversos módulos

ID (auto)	AR	BL	INT	SS	T4SS	Tn	MR	CR	Ph	HP	Fs
pVA04-6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	7
pVA04-46	0	1	0	5	3	6	1	0	0	34	65
pVA04-58	21	8	4	1	0	14	0	0	0	35	104
pVA04-196	17	5	9	0	0	36	8	7	1	102	258
pVA126-12	2	0	0	0	0	0	0	0	0	8	18
pVA126-42	12	4	2	1	0	10	0	0	0	18	63
pVA126-68	8	4	10	5	3	13	1	0	0	36	98
pVA126-175	11	4	0	0	1	32	8	7	1	102	231
pVA126-339	1	0	0	0	3	1	2	0	4	175	369
pVA172-67	5	2	0	4	3	7	0	0	1	52	102
pVA172-90	16	5	3	10	1	12	0	0	0	51	128
pVA32-7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	28
pVA32-58	11	3	9	8	1	5	0	0	0	33	90
pVA32-74	6	4	0	4	3	8	0	0	0	53	108
pVA32-104	0	0	0	0	2	14	0	0	0	69	136
pVA32-200	19	3	7	0	0	41	8	7	1	93	260
pVA564-33	0	0	0	4	3	1	2	0	0	33	49
pVA564-37	11	4	2	1	0	10	0	0	0	14	52
pVA564-63	1	0	0	3	2	5	0	0	0	51	90
pVA564-179	13	4	2	0	0	33	8	7	2	97	234
pVA569-6	3	2	0	0	0	0	0	0	0	1	7
pVA569-7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	27
pVA569-35	8	2	2	1	0	9	0	0	0	16	52
pVA569-78	7	2	2	0	0	19	0	0	2	45	107
pVA591-7	0	0	0	0	0	1	0	0	0	3	18
pVA591-9	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	32
pVA591-46	0	1	0	5	3	6	1	0	0	34	65
pVA591-160	6	2	0	0	0	30	8	7	2	67	187
pVA681-5	0	0	0	0	0	1	0	0	0	4	25
pVA681-14	5	2	0	0	0	2	0	0	0	2	24
pVA681-36	0	0	0	5	2	2	1	0	0	38	59
pVA681-58	10	3	3	8	1	5	0	0	1	34	89
pVA681-191	17	3	13	0	0	38	8	7	1	86	241
pVA684-2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	5
pVA684-6	0	0	0	0	0	2	0	0	0	5	25
pVA684-8	0	0	0	0	0	2	0	0	0	6	44
pVA684-49	0	1	0	5	3	5	1	0	0	35	65
pVA684-146	0	0	0	1	0	3	1	7	1	74	166
pVA684-388	3	0	0	2	0	44	3	0	4	254	426
pVA833-7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	8
pVA833-92	11	7	3	2	2	10	0	0	1	69	141
pVA833-165	8	3	0	0	0	14	6	0	2	139	212
pVA833-176	15	2	2	0	0	27	8	7	1	96	229
Total	249	81	73	75	36	469	75	56	25	2083	4744

ID ( <i>manual</i> )	AR	BL	INT	SS	T4SS	Tn	MR	CR	Ph	HP	Fs
pVA04-6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	9
pVA04-46	0	1	0	6	6	4	0	0	0	34	70
pVA04-58	13	5	14	0	0	4	0	0	1	36	128
pVA04-196	18	6	9	0	0	16	4	13	2	98	310
pVA126-12	1	0	0	0	0	0	0	0	0	9	20
pVA126-42	10	3	6	0	0	5	0	0	2	18	75
pVA126-68	8	3	5	6	6	9	0	0	2	39	118
pVA126-175	12	4	4	0	0	11	4	13	1	96	275
pVA126-339	2	0	0	0	0	2	0	1	36	107	369
pVA172-67	4	2	0	0	0	3	0	0	1	44	101
pVA172-90	16	6	9	6	5	6	0	0	2	71	165
pVA32-7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	13
pVA32-58	12	3	9	5	5	2	0	0	0	45	108
pVA32-74	5	4	0	0	0	4	0	0	1	44	110
pVA32-104	0	0	0	0	0	9	0	0	2	60	151
pVA32-200	17	4	12	0	0	16	4	13	0	93	304
pVA564-33	0	0	0	6	6	0	0	0	0	37	55
pVA564-37	8	3	6	0	0	4	0	0	1	17	72
pVA564-63	1	0	0	0	0	4	0	0	0	44	88
pVA564-179	13	4	7	0	0	13	4	13	1	98	278
pVA569-6	4	2	0	0	0	0	0	0	0	3	10
pVA569-7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	10
pVA569-35	5	1	6	0	0	5	0	0	2	14	65
pVA569-78	5	2	6	0	0	7	0	0	0	50	145
pVA591-7	0	0	0	0	0	1	0	0	0	6	12
pVA591-9	0	0	0	0	0	1	0	0	0	7	13
pVA591-46	0	1	0	6	6	4	0	0	0	33	73
pVA591-160	8	2	0	0	0	12	4	13	1	76	227
pVA681-5	0	0	0	0	0	1	0	0	0	5	8
pVA681-14	7	2	0	0	0	1	0	0	0	0	21
pVA681-36	0	0	0	6	6	1	0	0	0	43	65
pVA681-58	9	3	8	5	5	1	0	0	0	48	106
pVA681-191	16	4	12	0	0	15	4	13	0	85	267
pVA684-2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1
pVA684-6	0	0	0	0	0	1	0	0	0	8	15
pVA684-8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	12	17
pVA684-49	0	1	0	6	6	4	0	0	0	34	72
pVA684-146	1	0	0	0	0	2	1	13	0	72	185
pVA684-388	4	0	0	0	0	22	7	0	5	254	520
pVA833-7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	9
pVA833-92	11	7	7	0	0	2	0	0	3	75	152
pVA833-165	9	4	0	0	1	4	8	0	2	121	228
pVA833-176	15	2	10	0	0	13	4	13	3	91	276
Total	235	79	130	52	52	209	44	105	68	2049	5316