Notes de cours | Sélectionner et renommer les colonnes

February 2024

Introduction
Objectifs d'apprentissage
L'ensemble de données COVID-19 de Yaoundé
Introduction à select()
Sélectionner des gammes de colonnes avec :
Exclure des colonnes avec !
Fonctions auxiliaires pour select()
starts_with() \mathbf{et} ends_with()
contains()
everything()
Changer les noms de colonnes avec rename ()
Renommer dans select()
Conclusion!

Introduction

Aujourd'hui, nous commencerons notre exploration du package {dplyr} ! Notre premier verbe sur la liste est select qui permet de conserver ou de supprimer des variables de votre dataframe. Choisir vos variables est la première étape du nettoyage de vos données.



Fig: la function select().

C'est parti!

Objectifs d'apprentissage

- Vous pouvez conserver ou supprimer des colonnes d'un dataframe en utilisant la fonction dplyr::select() du package {dplyr}.
- Vous pouvez sélectionner une plage ou une combinaison de colonnes à l'aide d'opérateurs comme le deux-points (:), le point d'exclamation (!) et la fonction

c().

- Vous pouvez sélectionner des colonnes en fonction des motifs de leurs noms avec des fonctions d'aide comme starts_with(), ends_with(), contains() et everything().
- Vous pouvez utiliser rename () et select () pour changer les noms des colonnes.

L'ensemble de données COVID-19 de Yaoundé

Dans cette leçon, nous analysons les résultats d'une enquête sérologique sur la COVID-19 menée à Yaoundé, au Cameroun, fin 2020. L'enquête estimait combien de personnes avaient été infectées par la COVID-19 dans la région, en testant les anticorps IgG et IgM. L'ensemble complet des données peut être obtenu sur Zenodo, et l'article peut être consulté ici.

Passez un peu de temps à parcourir cet ensemble de données. Chaque ligne correspond à un patient interrogé. Il y a des variables démographiques, socioéconomiques et liées à la COVID. Les résultats des tests d'anticorps IgG et IgM sont dans les colonnes igg result et igm result.

```
<- read_csv(here::here("data/yaounde_data.csv"))</pre>
```

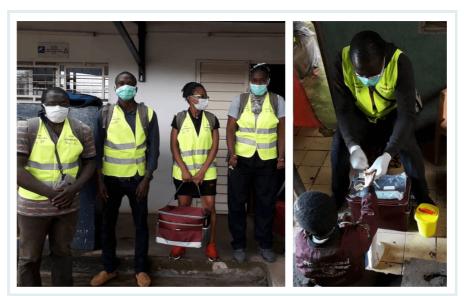
```
## # A tibble: 5 × 53
## id
                       date surveyed age
  <chr>
                        <date> <dbl>
##
## 1 BRIQUETERIE 000 0001 2020-10-22
                                        55
## 2 BRIQUETERIE 000 0002 2020-10-24
## 3 BRIQUETERIE 000 0003 2020-10-24
                                       23
## 4 BRIQUETERIE 002 0001 2020-10-22
                                       20
## 5 BRIQUETERIE 002 0002 2020-10-22
                                       55
## age_category age_category_3 sex
## <chr> <chr> <chr>
## 1 45 - 64 Adult
## 2 45 - 64 Adult
                             Female
                             Male
## 3 15 - 29
               Adult
                              Male
## 4 15 - 29
               Adult
                             Female
## 5 45 - 64
               Adult
                              Female
## # i 47 more variables: highest_education <chr>,
## # occupation <chr>, weight kg <dbl>, height cm <dbl>, ...
```



Notez que le jeu de donnée COVID-19 Yaoundé est en anglais!



Pour cette leçon, nous utiliserons cette version en anglais. Mais dans d'autres leçons, nous utiliserons une version partialement en français.



Gauche : l'équipe d'enquête de Yaoundé. Droite : un test d'anticorps étant administré.

Introduction à select()

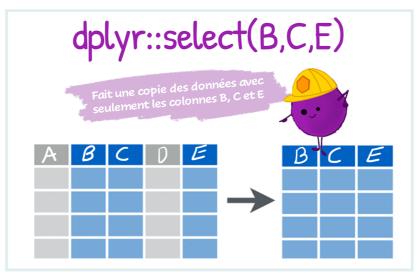


Fig: la fonction select(). (Dessin adapté d'Allison Horst).

dplyr::select() nous permet de choisir quelles colonnes (variables) conserver ou supprimer.

Nous pouvons sélectionner une colonne par son nom :

%>% select(age)

```
## # A tibble: 5 × 1
## age
## <dbl>
## 1     45
## 2     55
## 3     23
## 4     20
## 5     55
```

Ou nous pouvons sélectionner une colonne par sa position :

```
%>% select(3) # `age` est la 3ème colonne
```

```
## # A tibble: 5 × 1
## age
## 1 45
## 2 55
## 3 23
## 4 20
## 5 55
```

Pour sélectionner **plusieurs variables**, nous les séparons par des virgules :

```
%>% select(age, sex, igg_result)
```



- Sélectionnez les variables poids et taille dans le dataframe yaounde.
- Sélectionnez les colonnes 16 et 22 dans le dataframe yaounde.

Pour la prochaine partie du tutoriel, créons un sous-ensemble plus petit des données, appelé yao.

Sélectionner des gammes de colonnes avec :

L'opérateur : permet de sélectionner une plage de variables consécutives :

```
select(age:occupation) # Sélectionnez toutes les colonnes de `age` à `occupation`
```

```
## 4 Student
## 5 Trader--Farmer
```

Nous pouvons également spécifier une plage avec des numéros de colonne :

```
select(1:4) # Sélectionnez les colonnes 1 à 4
```

```
## # A tibble: 5 × 4
     age sex highest education
## <dbl> <chr> <chr>
## 1 45 Female Secondary
## 2
      55 Male University
## 3 23 Male University
## 4 20 Female Secondary
## 5 55 Female Primary
##
  occupation
##
    <chr>
## 1 Informal worker
## 2 Salaried worker
## 3 Student
## 4 Student
## 5 Trader--Farmer
```



 Avec le dataframe yaounde, sélectionnez les colonnes entre symptoms et sequelae, inclusivement. ("Inclusivement" signifie que vous devriez également inclure symptoms et sequelae dans la sélection.)

Exclure des colonnes avec !

Le point d'exclamation nie une sélection :

```
select(!age) # Sélectionnez toutes les colonnes sauf `age`
```

```
## # A tibble: 5 \times 7
## sex highest education occupation
## <chr> <chr>
                  <chr>
## 1 Female Secondary
                         Informal worker
## 2 Male University
                         Salaried worker
## 3 Male University
                         Student
## 4 Female Secondary
                         Student
## 5 Female Primary
                         Trader--Farmer
##
  is smoker is pregnant igg result igm result
  <chr>
          <chr> <chr>
##
                                  <chr>
                       Negative Negative
## 1 Non-smoker No
## 2 Ex-smoker <NA>
                       Positive Negative
```

```
## 3 Smoker <NA> Negative Negative
## 4 Non-smoker No Positive Negative
## 5 Non-smoker No Positive Negative
```

Pour supprimer une plage de colonnes consécutives, nous utilisons, par exemple, !age:occupation:

```
select(!age:occupation) # Supprimez les colonnes de `age` à `occupation`
```

Pour supprimer plusieurs colonnes non consécutives, placez-les à l'intérieur de !c()

```
select(!c(age, sex, igg_result)) # Supprimez les colonnes de `age`, `sex`, et
`igg_result
```

```
## # A tibble: 5 × 5
## highest education occupation
                                  is smoker
           <chr>
## <chr>
                                   <chr>
## 1 Secondary
                    Informal worker Non-smoker
## 2 University
                   Salaried worker Ex-smoker
## 3 University
                   Student Smoker
## 4 Secondary Student Non-smoker
## 5 Primary Trader--Farmer Non-smoker
## is pregnant igm result
## <chr> <chr>
## 1 No
             Negative
## 2 <NA>
             Negative
## 3 <NA>
              Negative
## 4 No
              Negative
## 5 No
              Negative
```



• Du dataframe yaounde, retirez toutes les colonnes entre highest_education et consultation, inclusivement.

Fonctions auxiliaires pour select()

dplyr possède un certain nombre de fonctions auxiliaires pour faciliter la sélection en utilisant des motifs des noms de colonnes. Jetons un œil à certaines d'entre elles.

```
starts with() et ends with()
```

Ces deux fonctions auxiliaires fonctionnent exactement comme leurs noms l'indiquent !

```
select(starts_with("is_")) # Colonnes qui commencent par "is"
```

```
## # A tibble: 5 × 2
## is_smoker is_pregnant
## <chr> <chr> ## 1 Non-smoker No
## 2 Ex-smoker <NA>
## 3 Smoker <NA>
## 4 Non-smoker No
## 5 Non-smoker No
```

```
select(ends_with("_result")) # Colonnes qui finissent par "result"
```

contains()

contains () aide à sélectionner les colonnes qui contiennent une certaine chaîne :

```
%>% select(contains("drug")) # Colonnes contenant la chaîne "drug"
```

```
## # A tibble: 5 \times 12
   drugsource is_drug_parac is_drug_antibio
##
##
    <chr>
                            <dbl>
                                            <dbl>
## 1 Self or famili...
                               1
                                                0
## 2 <NA>
                               NA
                                                NA
## 3 <NA>
                               NA
                                                NA
## 4 Self or famili...
                                0
                                                 1
```

```
## 5 <NA>
## is_drug_hydrocortisone is_drug_other_anti_i...¹
      <dbl> <dbl>
## 1
                      0
## 2
                      NA
                                            NA
## 3
                       NA
                                            NA
## 4
                       0
                                             0
## 5
                       NA
## # i abbreviated name: 1 is drug other anti inflam
\#\# \# \# \% 7 more variables: is drug antiviral <dbl>, ...
```

everything()

Une autre fonction auxiliaire, everything(), correspond à toutes les variables qui n'ont pas encore été sélectionnées.

```
cd, `is_pregnant`, puis toutes les autres colonnes.
select(is_pregnant, everything())
```

```
## # A tibble: 5 × 8
             ..._rgnest_e
..._r <chr> <chr> 45 Female Secondary
55 Male Univer
## is pregnant age sex highest education
## <chr> <dbl> <chr> <chr>
## 1 No
## 2 <NA>
                 55 Male University
## 3 <NA>
                 23 Male University
## 4 No
                 20 Female Secondary
## 4 No
## 5 No
                 55 Female Primary
## occupation is_smoker igg_result
## <chr> <chr>
## 1 Informal worker Non-smoker Negative
## 2 Salaried worker Ex-smoker Positive
## 5 Trader--Farmer Non-smoker Positive
## # i 1 more variable: igm result <chr>
```

C'est souvent utile pour établir l'ordre des colonnes.

Disons que nous voulions amener la colonne is_pregnant au début du dataframe yao, nous pourrions écrire manuellement tous les noms des colonnes :

```
select(is_pregnant,
    age,
    sex,
    highest_education,
    occupation,
    is_smoker,
    igg_result,
    igm_result)
```

```
## # A tibble: 5 × 8
   is_pregnant age sex highest_education
## <chr> <dbl> <chr> <chr>
                45 Female Secondary
## 1 No
                  55 Male University
23 Male University
## 2 <NA>
## 3 <NA>
## 4 No
                   20 Female Secondary
## 5 No 55 Female Primary
## occupation is_smoker igg_result
## <chr> <chr>
## 1 Informal worker Non-smoker Negative
## 2 Salaried worker Ex-smoker Positive
## 3 Student Smoker Negative
## 4 Student
                    Non-smoker Positive
## 5 Trader--Farmer Non-smoker Positive
## # i 1 more variable: igm result <chr>
```

Mais ce serait pénible pour des dataframes plus grands, comme notre dataframe original yaounde. Dans un tel cas, nous pouvons utiliser everything():

```
% `is_pregnant` à l'avant du dataframe
%>% select(is_pregnant, everything())
```

```
## # A tibble: 5 × 53
## is pregnant id
                                       date surveyed
## <chr> <chr>
                                       <date>
              BRIQUETERIE_000_00... 2020-10-22
BRIQUETERIE_000_00... 2020-10-24
BRIQUETERIE_000_00... 2020-10-24
## 1 No
## 2 <NA>
## 3 <NA>
## 4 No
           BRIQUETERIE_002_00... 2020-10-22
BRIQUETERIE_002_00... 2020-10-22
## 5 No
     age age_category age_category_3 sex
                    <chr>
   <dbl> <chr>
##
      45 45 - 64 Adult
55 45 - 64 Adult
      45 45 - 64
## 1
                                         Female
## 2
                                        Male
## 3 23 15 - 29
                       Adult
                                       Male
## 4
      20 15 - 29
                        Adult
## 5 55 45 - 64 Adult
                                        Female
## # i 46 more variables: highest education <chr>,
## # occupation <chr>, weight kg <dbl>, height cm <dbl>, ...
```

Cette fonction auxiliaire peut être combinée avec beaucoup d'autres.

```
les colonnes qui se terminent par "result" à l'avant du dataframe %>% select(ends_with("result"), everything())
```

```
## # A tibble: 5 × 53
## igg_result igm_result id
## <chr> <chr>
```

```
## 1 Negative Negative BRIQUETERIE_000_0001
## 2 Positive Negative BRIQUETERIE_000_0002
## 3 Negative Negative BRIQUETERIE 000 0003
## 4 Positive Negative BRIQUETERIE 002 0001
## 5 Positive Negative BRIQUETERIE 002 0002
  date surveyed age age category
##
  <date> <dbl> <chr>
##
## 1 2020-10-22 45 45 - 64
## 2 2020-10-24
                   55 45 - 64
## 3 2020-10-24
                   23 15 - 29
                   20 15 - 29
## 4 2020-10-22
## 5 2020-10-22 55 45 - 64
## # i 47 more variables: age category 3 <chr>, sex <chr>,
## # highest education <chr>, occupation <chr>, ...
```



- Sélectionnez toutes les colonnes dans le dataframe yaounde qui commencent par "is_".
- Déplacez les colonnes qui commencent par "is_" au début du dataframe yaounde.

Changer les noms de colonnes avec rename ()

dplyr::rename() est utilisée pour changer les noms des colonnes:

```
nez `age` et `sex` en `patient_age` et `patient_sex`
%>%
(patient_age = age,
  patient_sex = sex)
```

```
## # A tibble: 5 × 53
## id
                       date surveyed patient age
   <chr>
                       <date>
                                          <dbl>
## 1 BRIQUETERIE 000 00... 2020-10-22
                                            4.5
## 2 BRIQUETERIE 000 00... 2020-10-24
                                            55
## 3 BRIQUETERIE 000 00... 2020-10-24
                                            23
## 4 BRIQUETERIE 002 00... 2020-10-22
                                            20
## 5 BRIQUETERIE 002 00... 2020-10-22
                                             55
## age category age category 3 patient sex
## <chr>
               <chr>
## 1 45 - 64
                             Female
               Adult
                             Male
## 2 45 - 64
               Adult
                             Male
## 3 15 - 29
               Adult
               Adult
                             Female
## 4 15 - 29
```

```
## 5 45 - 64 Adult Female
## # i 47 more variables: highest_education <chr>,
## # occupation <chr>, weight_kg <dbl>, height_cm <dbl>, ...
```



Le fait que le nouveau nom vienne en premier dans la fonction (rename (NOUVEAUNOM = VIEUXNOM)) est parfois déroutant. Vous devriez vous y habituer avec le temps.

Renommer dans select()

Vous pouvez également renommer des colonnes tout en les sélectionnant :

```
ionnez `age` et `sex`, et renommez-les en `patient_age` et `patient_sex`
%>%
(patient_age = age,
   patient_sex = sex)
```

Conclusion!

J'espère que cette première leçon vous a permis de voir à quel point les verbes {dplyr} sont intuitifs et utiles ! Ceci est la première d'une série de verbes de base pour la manipulation de données : rendez-vous à la prochaine leçon pour en savoir plus.

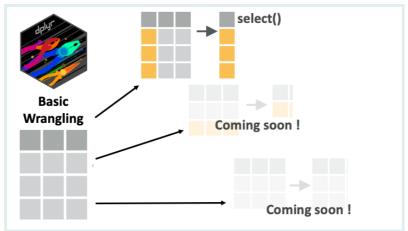


Fig: Basic Data Wrangling Dplyr Verbs.

Contributeurs

Les membres de l'équipe suivants ont contribué à cette leçon :



LAURE VANCAUWENBERGHE

Data analyst, the GRAPH Network A firm believer in science for good, striving to ally programming, health and education



ANDREE VALLE CAMPOS

R Developer and Instructor, the GRAPH Network Motivated by reproducible science and education



KENE DAVID NWOSU

Data analyst, the GRAPH Network Passionate about world improvement



SABINA RODRIGUEZ VELÁSQUEZ

Project Manager and Scientific Collaborator, The GRAPH Network Infectiously enthusiastic about microbes and Global Health

Références

Certains matériaux de cette leçon ont été adaptés des sources suivantes :

- Horst, A. (2021). *Dplyr-learnr*. https://github.com/allisonhorst/dplyr-learnr (Œuvre originale publiée en 2020)
- Sélectionner des colonnes en utilisant leurs noms et types---Select. (n.d.). Récupéré le 31 décembre 2021, de https://dplyr.tidyverse.org/reference/select.html

L'artwork a été adapté de :

• Horst, A. (2021). *Illustrations R & stats par Allison Horst*. https://github.com/allisonhorst/stats-illustrations (Œuvre originale publiée en 2018)