

		Overall	Metrics			Stability		Resources							
LB ranking	Name	Score	MR	Cosine	MR MAE	MR RMSE	Var(MR	Cosine)	Var(MR MAE)	Var(MR RMSE)	%CPU	Peak memory	Disk read	Disk write	Duration
3	NN retraining with pseudolabels	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	36G	<1G	<1G	28m
16	ScAPE	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	67G	<1G	24G	2h
18	Py-boost	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	16G	<1G	<1G	2m
1	LSTM-GRU-CNN Ensemble	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	45G	12G	4G	1h
20	JN-AP-OP2	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	14G	<1G	<1G	50m
/	Mean per cell type and gene	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	6G	<1G	<1G	7s
2	Transformer Ensemble	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	<div></div>	15G	<1G	<1G	2h

Rank



worst

best

Scaled score



0

0.4

0.6

0.8

1

Resources



min

max