

# ALZHEIMER-DETECTION

Orlando De Bernardis  
dborlando98@gmail.com

Pierantonio Carrozzini  
piercarrozzini@gmail.com

<https://github.com/theorly/alzheimer-detector.git>



May 10, 2023

## Abstract

Basandoci su uno studio svolto durante il percorso della laurea triennale, nel seguente lavoro si è pensato di realizzare un sistema di supporto alla diagnosi della malattia di Alzheimer, basato sull'analisi della scrittura a mano libera tramite Deep Learning.

Gli studi hanno infatti confermato che la scrittura a mano libera è tra le attività motorie che più vengono compromesse dal morbo di Alzheimer e sin dai primi momenti si possono registrare forme di disgrafia più o meno gravi, che ne permettono un rapido riconoscimento. La realizzazione di un sistema di supporto alla diagnosi richiede un'importante quantità e qualità di dati oltre che un'efficiente organizzazione di questi ultimi, visto il loro impatto sulle prestazioni del sistema. A tal proposito si utilizzerà un dataset proveniente da un precedente lavoro svolto durante il percorso di studi della laurea triennale in cui sono stati raccolti, tramite opportuni protocolli, campioni di scrittura a mano libera di soggetti non affetti da alcun disturbo e soggetti malati di Alzheimer appunto. [?]

Dopo la realizzazione ed opportuna organizzazione del dataset si procederà ad addestrare una rete neurale ad hoc, e ad integrare il tutto in un applicazione Android.

Si potrebbe pensare, data la ridotta quantità di dati presente nel dataset, di ricorrere alla tecnica di *Transfer Learning*, in modo da aumentare la precisione della nostra rete neurale.

L'obiettivo come detto è quello di realizzare un sistema che, tramite la scansione di un campione di scrittura a mano libera sia in grado di predire con buona accuracy se il soggetto è affetto o meno da tale disturbo.

Keypoints:

- rielaborazione del dataset
- training della rete neurale
- implementazione del modello in Android tramite TensorFlow Lite
- deploy del sistema di diagnosi

# Contents

<b>1</b>	<b>Introduction</b>	<b>2</b>
<b>2</b>	<b>Dataset</b>	<b>3</b>
2.1	Realizzazione del dataset . . . . .	3
2.2	Pre-elaborazione del dataset . . . . .	3
2.3	Organizzazione finale del dataset . . . . .	4
<b>3</b>	<b>Le CNN</b>	<b>5</b>
3.1	Addestramento della rete . . . . .	5
3.2	Risultati dell'addestramento . . . . .	7
3.3	Problemi evidenziati . . . . .	9
3.4	Conversione in modello TensorflowLite . . . . .	9
<b>4</b>	<b>Android</b>	<b>10</b>
4.1	Realizzazione dell'applicazione . . . . .	10
4.2	Deployment . . . . .	10
<b>5</b>	<b>Demo</b>	<b>11</b>
<b>6</b>	<b>ATTIVITA' PROGETTUALE</b>	<b>12</b>

# 1 Introduction

Le malattie neurodegenerative (ND) rappresentano un insieme di disturbi che affliggono il sistema nervoso e che colpiscono milioni di persone in tutto il mondo. Questi disturbi cognitivi alterano alcune funzioni umane essenziali quali l'attenzione, la memoria, l'abilità di giudizio, il linguaggio, la lettura e la scrittura. Le tre patologie più conosciute sono sicuramente il morbo di Alzheimer, il morbo di Parkinson e la Sclerosi Laterale Amiotrofica (SLA). Per il morbo di Alzheimer, così come per le altre patologie ND, non vi è ancora alcuna cura. A giocare un ruolo cruciale è una corretta e precoce diagnosi, che permette di contenere l'evoluzione della malattia e allungare l'aspettativa di vita di ogni singolo paziente.

L'importanza di una diagnosi tempestiva ha spinto i ricercatori a sviluppare appositi test che permettessero di visualizzare l'andamento della scrittura, al fine di fare predizioni sullo stato cognitivo del soggetto esaminato. L'intelligenza artificiale (IA) si è mostrata sin da subito un potente strumento al servizio dell'uomo, soprattutto nel campo della medicina moderna. Offre, infatti, uno strumento di supporto a medici e specialisti per diagnosi sempre più accurate e rapide, essendo in grado di cogliere dettagli impercettibili per l'essere umano.

Dunque, partendo dal lavoro svolto dal Dipartimento di Ingegneria Elettrica e dell'Informazione dell'Università di Cassino per la raccolta dei campioni di scrittura, nel seguente lavoro abbiamo preso in considerazione l'idea di costruire e addestrare un nuovo modello di rete neurale e di implementarla successivamente in un'applicazione Android che tramite una scansione di un particolare campione di scrittura sia in grado di riconoscere un paziente malato di Alzheimer.

# 2 Dataset

## 2.1 Realizzazione del dataset

Per ricorrere all'IA è necessario, infatti, un ampio e organizzato dataset e dunque il protocollo deve essere ben definito. E' fondamentale per la validità del dataset che vi sia una distinzione bilanciata tra i campioni raccolti da soggetti malati e da soggetti sani. Il Protocollo si compone di 25 esercizi di scrittura a mano (denominati Tasks) eseguiti da 181 soggetti in totale, di cui 91 sani e 90 malati di morbo di Alzheimer. Gli esercizi sono stati eseguiti su fogli A4 bianchi. Le persone sane sono identificate con la sigla *Healthy Controls* e appartengono alla classe **HC**, mentre le persone malate identificate come *Patients* e appartengono alla classe **PT**. I Tasks sono disposti in ordine crescente di difficoltà e ognuno di essi mira ad analizzare alcune caratteristiche del paziente. Tenendo conto dei vari obiettivi, possono essere suddivisi:

- Task grafici , il cui obiettivo è di valutare l'abilità di ciascun paziente nel disegnare tratti elementari, unire punti, disegnare figure semplici o più complesse.
- Task di copia diretta e inversa , che mirano a verificare l'abilità a riprodurre lettere, numeri e parole di differente lunghezza e organizzazione spaziale.
- Task di memoria che mirano a testare la capacità del soggetto di riprodurre a memoria una parola o una frase

Nel seguente lavoro non sono stati presi in considerazione tutti e 25 i Task, ma ne sono stati scelti solo alcuni per motivi di disponibilità. In particolare sono stati scelti i seguenti:

- **TASK 01:** *firma* del paziente;
- **TASK 08:** il paziente deve scrivere per quattro volte la lettera "l";
- **TASK 09:** il paziente deve scrivere per quattro volte le lettere "le";
- **TASK 10:** il paziente deve scrivere la parola "foglio";

## 2.2 Pre-elaborazione del dataset

Sono necessari alcuni passaggi intermedi che permettono la perfetta riuscita dell'operazione. Uno dei passaggi fondamentali nella costruzione del dataset è l'estrazione della Region Of Interest (ROI) da ogni singola immagine. La ROI rappresenta la porzione di immagine utile per la rete neurale e, dunque, la porzione che rappresenta lo svolgimento del task in esame. L'estrazione delle ROI è stata eseguita mediante uno script scritto in Python e basato sulla libreria OpenCV che permette l'estrazione automatica delle ultime.

I passaggi fondamentali del codice utilizzato sono:

- **definizione dei path:** sono stati inseriti i path sorgente in cui prelevare immagini;
- **processing dell'immagine offline:** è stata operata una conversione in scala di grigi ed una binarizzazione mediante una Threshold ricavata dall'algoritmo di Otsu.

- **estrazione coordinate dell'immagine:** l'operazione è stata svolta sull'immagine binarizzata in precedenza con Otsu. L'obiettivo è quello di ricavare lo spazio delle coordinate (x,y), andando così a definire una ROI tramite i punti della traccia. L'operazione è eseguita da una funzione che, presa in input l'immagine binarizzata graying, fornisce in output un vettore contenente gli estremi di intervallo delle ascisse, e l'intervallo delle ordinate;
- **taglio dell'immagine:** una volta ricavate le coordinate dal punto precedente, si è utilizzata una funzione di *OpenCV* per ritagliare la sola regione di interesse dell'immagine.
- **resize dell'immagine:** una volta estratta l'immagine si verifica se questa si sviluppa in altezza o in ampiezza, quindi la dimensione maggiore viene adattata a 299, mentre quella inferiore viene modificata in modo da mantenere invariato il rapporto originale tra le due dimensioni.
- **copia dell'immagine:** infine è stata creata un'immagine bianca di dimensioni **299x299** su cui è stata incollata in posizione centrale l'immagine tagliata e ridimensionata;

## 2.3 Organizzazione finale del dataset

Infine, una volta tagliate e centrate le immagini tramite l'algoritmo precedente, è stata necessaria una riorganizzazione del dataset. Le immagini sono state suddivise in tre cartelle:

- **TRAINING SET:** contiene il 70% dei dati ed è utilizzato per l'addestramento del modello;
- **VALIDATION SET:** contiene il 20% del dataset e viene impiegato per valutare il modello in fase di training ed in base a questo interrompere l'addestramento;
- **TEST SET:** rappresenta un fold intero, contenente il 10% del dataset e viene utilizzato per valutare il modello finale e le sue prestazioni.

In conclusione, il dataset è costituito da:

- **664** campioni totali considerando le due classi di appartenenza *HC* e *PT*, sommando le scansioni di tutti e quattro i Task presi in considerazione;
- **465** campioni per il *TRAIN.SET*;
- **133** campioni per il *VALIDATION.SET*;
- **66** campioni per il *TEST.SET*;

```
data = tf.keras.utils.image_dataset_from_directory(directory = data_path, image_size=(299, 299))
data_iterator = data.as_numpy_iterator()
batch = data_iterator.next()

data = data.map(lambda x,y: (x/255,y))
scaled_iterator = data.as_numpy_iterator()

batch = scaled_iterator.next()

print(len(data))

train_size = int(len(data)*.7)
val_size = int(len(data)*.2)
test_size = int(len(data)*.1)

train = data.take(train_size)
val = data.skip(train_size).take(val_size)
test = data.skip(train_size+val_size).take(test_size)

Found 664 files belonging to 2 classes.
21
```

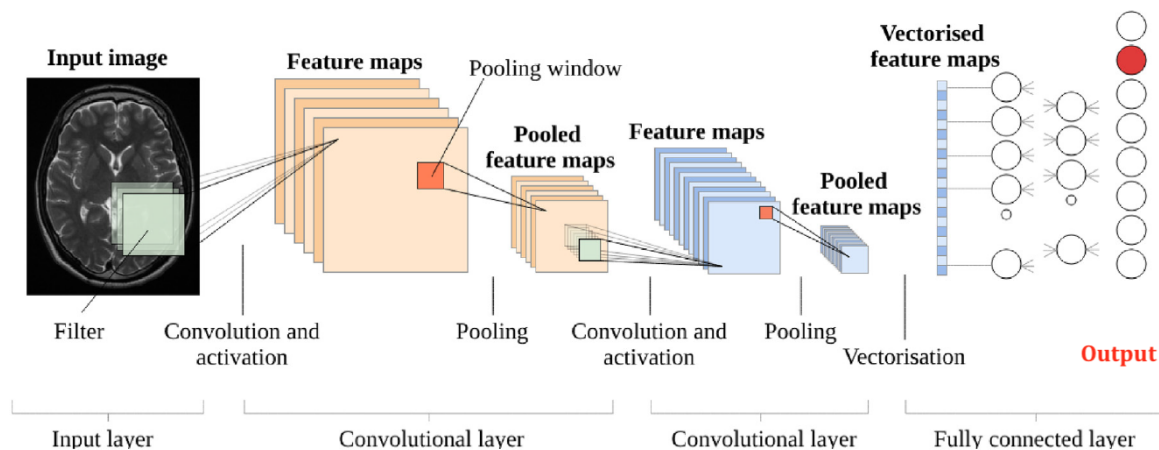
Parte di codice per la suddivisione del dataset.

## 3 Le CNN

Le reti neurali convoluzionali, indicate con l'acronimo CNN o ConvNet, rappresentano, senza alcun dubbio, una delle più importanti categorie di reti neurali feed-forward. Le reti convoluzionali si ispirano a processi biologici, in particolare utilizzano il modello dell'organizzazione della corteccia visiva animale per realizzare la connessione tra neuroni.

Analogamente ad altre reti neurali, una rete convoluzionale è costituita da un layer di input, un layer di output e decine o centinaia di layer intermedi nascosti. Questi ultimi eseguono operazioni che alterano i dati, al fine di apprendere le features dei dati stessi. I tre layer più importanti di una CNN sono:

- **Convolutional layer:** è dove avviene la maggior parte del calcolo, sottoponendo le immagini a una serie di filtri convoluzionali, ciascuno dei quali evidenzia determinate features dalle immagini.
- **Pooling layer:** solitamente dopo un layer di convoluzione si utilizza un layer di pooling, che serve a diminuire le dimensioni del feature map in input, mantenendo però le caratteristiche dello stesso.
- **Fully connected layer:** è il livello che di fatto esegue la classificazione. Una volta ricavate le features, estratte dai livelli precedenti di convoluzione e di pooling, queste vengono mappate da un sottoinsieme di livelli completamente connessi agli output finali della rete.



Esempio di una Convolutional Neural Network.

### 3.1 Addestramento della rete

Per l'addestramento del modello è stato utilizzato *Google Colab* (anche chiamato Google Colaboratory). Questo è un ambiente on-line gratuito per lo sviluppo e l'esecuzione di applicazioni in

Python che permette di lavorare a progetti di Data Science senza doversi preoccupare dell'installazione, configurazione e manutenzione di un pc o server, richiedendo esclusivamente un browser e una connessione Internet.

Per compilare il modello abbiamo scelto come ottimizzatore Adam (ADaptive Moment estimation), per aggiornare i pesi della rete durante l'allenamento. E' uno degli ottimizzatore più robusti, tant'è che una rete allenata con Adam tende a convergere anche a fronte di piccole variazioni negli

iperparametri. Per calcolare il valore di loss abbiamo usato *BinaryCrossentropy* di Keras, che consente di utilizzare un valore intero per il label che identifica la vera classe di appartenenza. Ha il vantaggio di essere meno costosa in termini di computazione e di memoria, poichè viene utilizzato un intero per classe, anzichè un vettore. Successivamente, abbiamo utilizzato la funzione di early stopping messa a disposizione da Keras per il training del modello, in quanto risulta molto utile per fermare l'allenamento in caso di peggioramento delle performance del modello, in particolare monitorando il valore di "validation-loss" dei dati.

```
dnn_model = Sequential()

imported_model= tf.keras.applications.ResNet50(include_top=False,
input_shape=(299,299,3),
pooling='avg',classes=no_classes,
weights='imagenet')
for layer in imported_model.layers:
    layer.trainable=False

dnn_model.add(imported_model)
dnn_model.add(Flatten())
dnn_model.add(Dense(512, activation='relu'))
dnn_model.add(Dense(1, activation='sigmoid'))

dnn_model.summary()

dnn_model.compile(loss=tf.losses.BinaryCrossentropy(),
                  optimizer=optimizer,
                  metrics=['accuracy'])

callback = tf.keras.callbacks.EarlyStopping(monitor='val_loss', patience=10, restore_best_weights=True)
```

La funzione di *early stopping* prende i seguenti parametri in input:

- **monitor**: come detto in precedenza il valore che è stato preso in analisi è il valore di *val\_loss*, al fine di valutarne eventuali peggioramenti ad ogni epoca
- **patience**: indica quante epoche consecutive di peggioramento vengono tollerate e nel caso specifico il valore è stato impostato su *10*
- **restore\_best\_weights**: se impostato su *True* permette di memorizzare i pesi della rete prima delle 10 epoche di peggioramento

Tramite questa strategia è stato quindi possibile prevenire problemi di *overfitting* della rete. Infatti, nei casi in cui l'apprendimento è stato effettuato troppo a lungo o dove c'era uno scarso numero di dati per il training, il modello potrebbe adattarsi a caratteristiche che sono specifiche solo del training set, ma che non hanno riscontro nella distribuzione tipica del resto dei casi. Perciò il modello impara le peculiarità del training set e non riesce ad adattarsi a dati nuovi. Si ha quindi *overfitting* quando il miglioramento delle prestazioni del modello sui dati di allenamento non implica un miglioramento delle prestazioni sui dati nuovi.[3]

Inoltre, come è possibile notare si è utilizzata la tecnica del *Transfer Learning*. Il Transfer Learning è un approccio utilizzato nell'apprendimento profondo, in cui la conoscenza viene trasferita da un modello ad un altro, tramite il quale si è in grado di risolvere un particolare task utilizzando un modello pre-addestrato su un task differente. L'obiettivo principale del transfer learning è quello di ottenere risultati migliori in tempi e costi ridotti.

E' stata infatti presa una rete di tipo **ResNet50** preaddestrata sul database pubblico ImageNet, e applicata dunque al nostro modello.

Infine, il modello inizia il training tramite la funzione **dnn\_model.fit()**, con *epochs*=100 e *batch size*=32. L'allenamento, come detto, è stato eseguito su Google Colab.



## 3.2 Risultati dell'addestramento

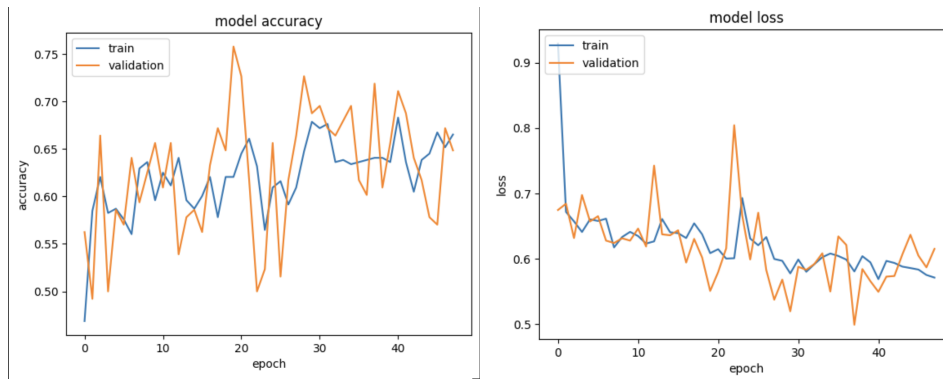
Una volta terminata la fase di training, il modello è stato valutato tramite l'apposita funzione di *evaluate*, che ha prodotto i seguenti risultati in termini di accuracy e loss:

- **accuracy** : 0.6719
- **loss** : 0.6108

```
[ ] test_dict = dnn_model.evaluate(  
    test,  
    steps=test_size,  
    return_dict=True  
)
```

2/2 [=====] - 3s 198ms/step - loss: 0.6108 - accuracy: 0.6719

Inoltre durante la fase di training tramite l'apposita libreria python *Pyplot* sono stati realizzati i seguenti grafici per valutare le metriche di accuracy e loss durante le varie epoche del train.



Le possibili classi sono:

- **Positive**: si riferisce alla classe dei pazienti;
- **Negative**: si riferisce alla classe dei soggetti sani;

		CLASSI PREVISTE	
		SI	NO
CLASSI EFFETTIVE	SI		
	NO		

Considerando una matrice dove inseriamo classi effettive e classi previste come quella in figura, possono verificarsi quattro casi:

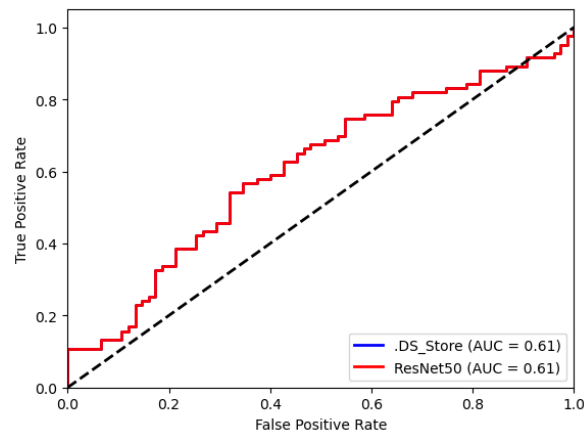
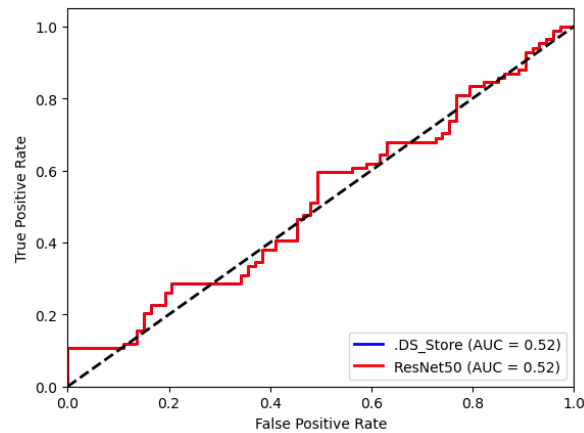
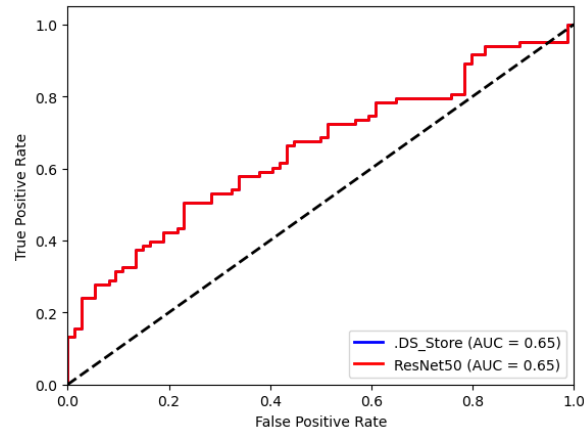
- **TP (True Positive)**: è il caso di una classificazione corretta. Viene diagnosticata una malattia ad un paziente che è realmente affetto da quella malattia;
- **FP (False Positive)**: è il caso di una classificazione non corretta. Ad esempio è diagnosticata ad un soggetto una certa malattia, ma il soggetto non è realmente affetto da quella malattia;
- **TN (True Negative)**: è il caso di una classificazione corretta. Nella diagnosi ad un soggetto una certa malattia viene esclusa e realmente il soggetto non soffre di quella malattia;

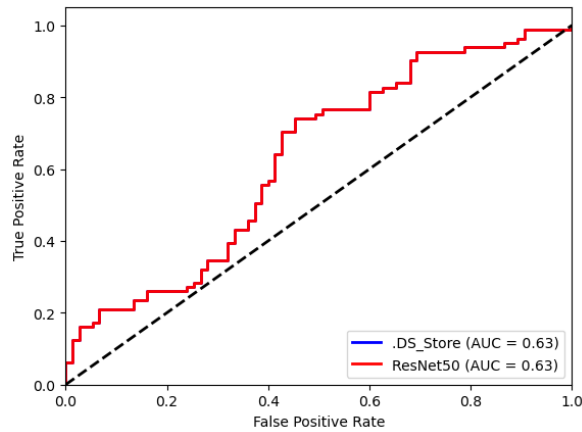
- **FN (False Negative):** è il caso di una classificazione non corretta. Ad esempio quando non si diagnostica ad un paziente una certa malattia, ma il paziente è realmente affetto da quella malattia.

Dalla matrice è possibile ricavare alcuni parametri di notevole importanza nell'analisi di un test, rispettivamente *True Positive Rate* e *False Positive Rate*, che saranno parametri utili per effettuare un'analisi costruendo le curve ROC per i vari Task.

Una *curva ROC* è il tasso dei veri positivi in funzione del tasso dei falsi positivi. L'analisi della curva ROC di un test diagnostico permette di valutarne la bontà, di determinare il valore di cut-off più appropriato e di confrontare le performance di due, o più, diversi test. In generale un test risulta più accurato quanto più la sua curva ROC si avvicina all'angolo superiore sinistro del grafico.

Dunque, abbiamo valutato le prestazioni del nostro modello per ciascuno dei quattro task in nostro possesso e abbiamo poi realizzato le relative curve ROC presentate di seguito.





### 3.3 Problemi evidenziati

I risultati ottenuti attraverso questo studio rafforzano l'ipotesi di utilizzare il Deep Learning in campo medico come strumento aggiuntivo per la diagnosi di disturbi cognitivi e, considerata la limitata mole di dati a disposizione, non si può non ritenere che con l'uso di un dataset più grande le prestazioni migliorino notevolmente. Poiché le reti neurali necessitano di un grande quantitativo di dati per poter lavorare in modo efficiente, ecco che l'idea potrebbe essere quella di perfezionare il protocollo di acquisizione dei dati, al fine di acquisire ed ottenere una quantità più ampia di dati.

Tuttavia, più vengono utilizzate reti complesse e alimentate da una notevole quantità di dati, maggiore saranno i costi e la potenza di calcolo richiesta.

### 3.4 Conversione in modello TensorflowLite

TensorFlow Lite fa parte dei mezzi messi a disposizione dal framework per far inferenza (predire con nuovi dati) dopo che un nostro modello è stato addestrato e rifinito. Lo scopo primario è quello di portare gli algoritmi di machine learning su tutti i dispositivi con limitate capacità computazionali e, dunque, anche per deployment su applicazioni Android. Il convertitore ha il compito principale di ottimizzare il modello riducendo le sue dimensioni e aumentando la sua velocità di esecuzione.

```
import tensorflow as tf
import os

converter = tf.lite.TFLiteConverter.from_keras_model(dnn_model)

tflite_noquant_model = converter.convert()
open(model_path + "model_yt.tflite", "wb").write(tflite_noquant_model)
```

Una volta salvato il nuovo modello TFLite, è stato aggiunto al progetto per l'app **Alzheimer-Detection** su Android Studio.

# 4 Android

## 4.1 Realizzazione dell'applicazione

## 4.2 Deployment

## 5 Demo

## **6 ATTIVITA' PROGETTUALE**

# Bibliography

- [1] Nicole Dalia Cilia, Claudio De Stefano, Francesco Fontanella, Alessandra Scotto di Freca. “An experimental Protocol to support cognitive impairment diagnosis by using hand-writing analysis”. Department of Electrical and Information Engineering University of Cassino and Southern Lazio, Cassino, Italy, 2018.
- [2] [https://www.tensorflow.org/api\\_docs/python/tf/keras/losses/BinaryCrossentropy](https://www.tensorflow.org/api_docs/python/tf/keras/losses/BinaryCrossentropy)
- [3] <https://it.wikipedia.org/wiki/Overfitting>
- [4] <https://medium.com/@bravinwasike18/building-a-deep-learning-model-with-keras-and-resnet-50-9dd6f4eb3351>