Análise do Conjunto de Dados RCSB PDB

Explorando Estruturas e Propriedades Moleculares

RCSB PDB (Research Collaboratory for Structural Bioinformatics Protein Data Bank)

<u>Gerenciamento e Atualização do Dados</u>
<u>Visualizações - Boxplots</u>

<u>Análise e Visualização de Dados</u>
<u>Visualizações - Scatterplots</u>

<u>Pré-processamento de Dados</u>
<u>Visualizações - Gráficos de Densidade</u>

<u>Visualizações - Histogramas</u>

O Banco de Dados RCSB PDB

Armazenamento

A RCSB PDB é uma base de dados com informações tridimensionais de macromoléculas biológicas.

Gerencimanento

Gerenciada por três instituições:
Universidade Rutgers, Instituto de Tecnologia da Califórnia e Instituto de Pesquisa Scripps.

Financimanento

A RCSB PDB é
financiada pela
National Science
Foundation, pelo
National Institutes of
Health e pelo
Departamento de
Energia dos Estados
Unidos.

Registros

A RCSB PDB possui mais de 200.000 registros, compostos por coordenadas atômicas que representam a posição dos átomos em estruturas moleculares tridimensionais.

Análise e Visualização de Dados

Bibliotecas para visualização

Utilizamos R para análise, com bibliotecas como ggplot2, dplyr e corrplot

Conjunto de ddos

- Fórmula molecular
- Peso molecular exato
- LogP
- Número de aceitadores de hidrogênio
- Número de doadores de hidrogênio
- Número de ligações rotacionáveis
- Contagem de anéis
- Área de superfície polar topológica (TPSA)

Limpeza de dados

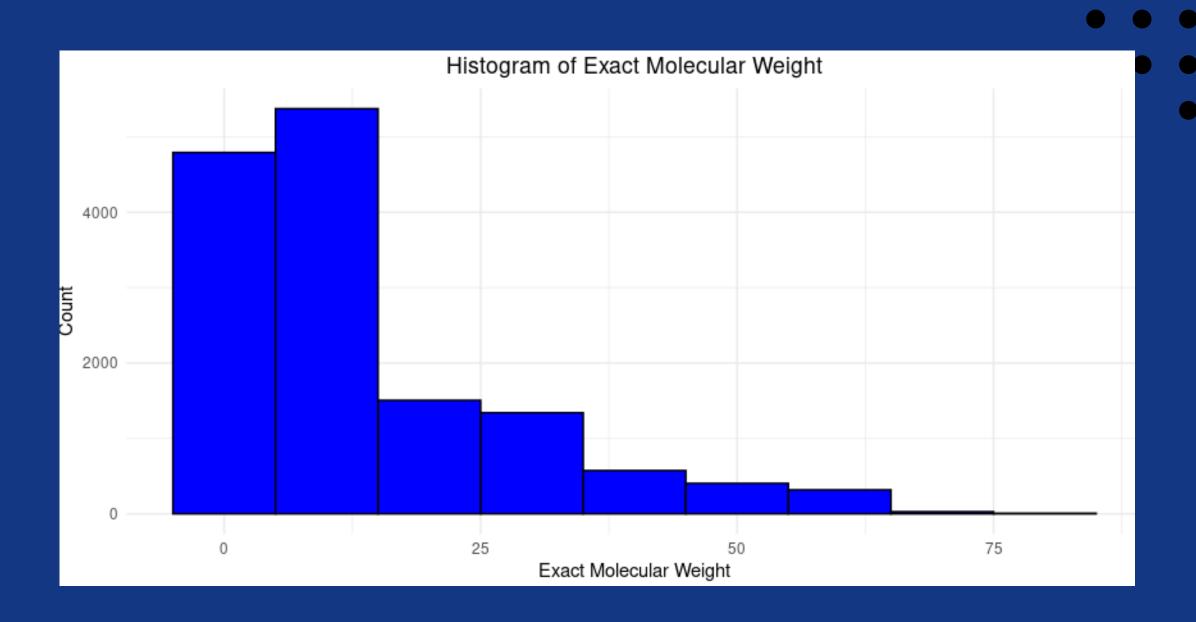
 Pré-processamos os dados para garantir consistência.

Tipo de visualiação

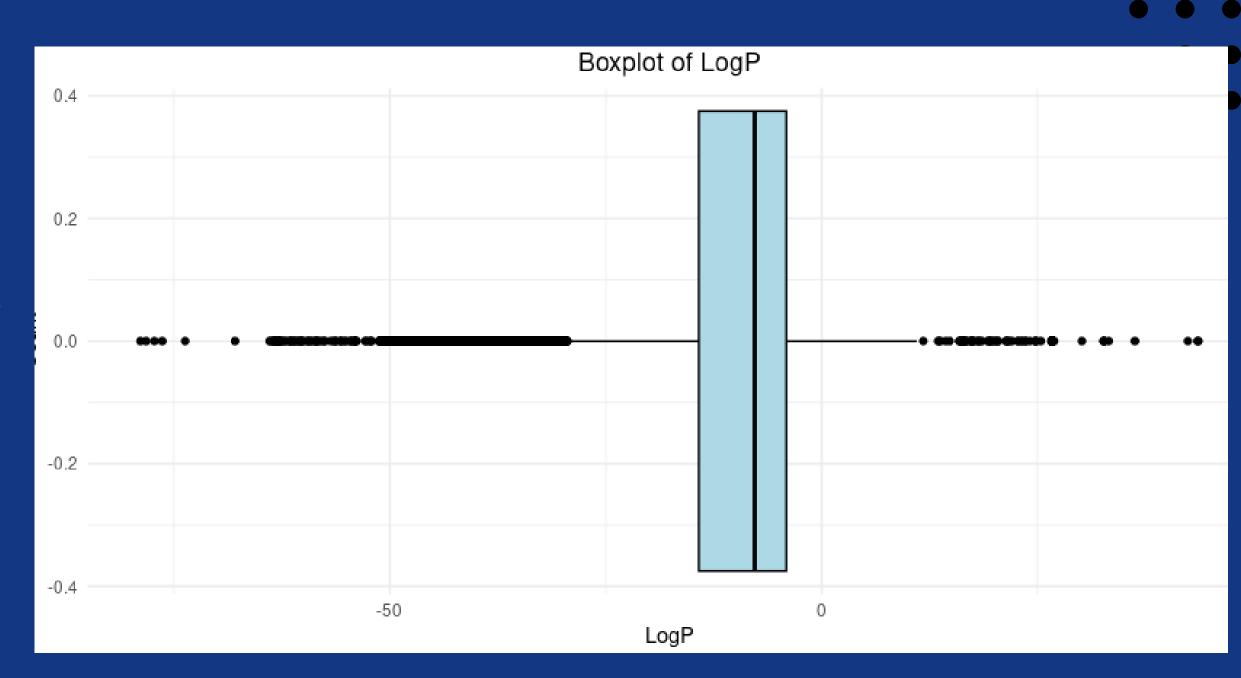
Usamos histogramas para visualizar a distribuição de peso molecular exato e logP.

1 Histograma de Peso

Molecular Exato: Maioria das
moléculas têm peso entre 0
e 100 Daltons.



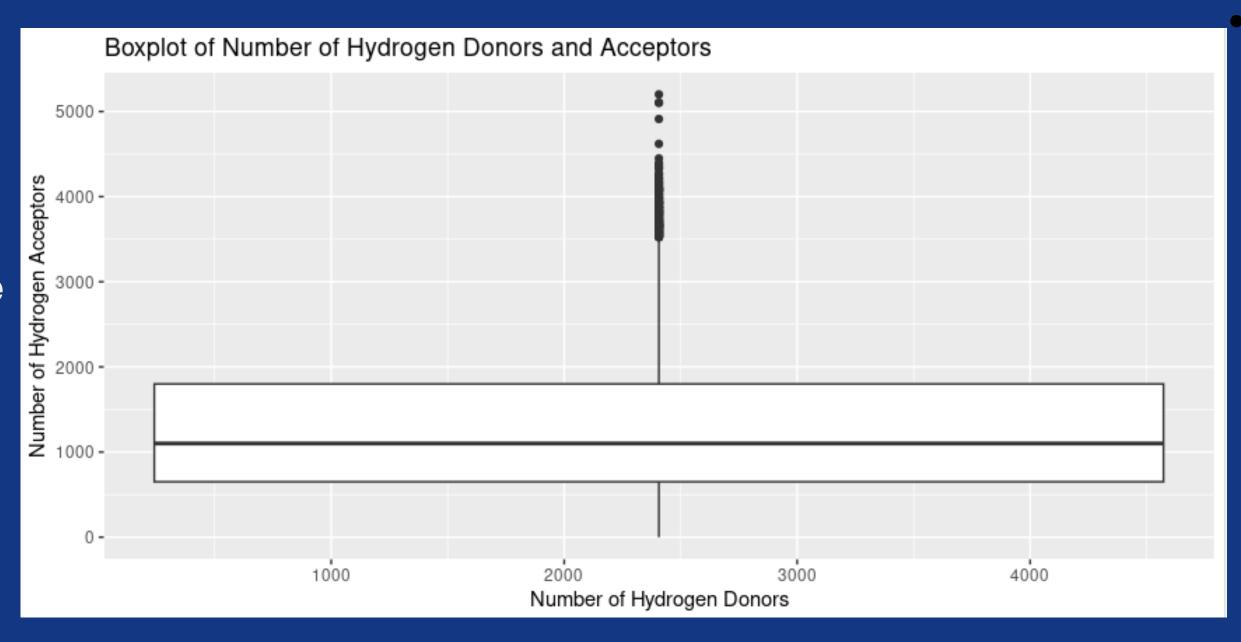
- 2 Boxplot de LogP: Mediana de LogP é -7.7, indicando tendência à hidrofilicidade.
 - Isso pode ter
 implicações para sua
 atividade biológica e
 comportamento em um
 sistema biológico, pois
 pode afetar suas
 propriedades de
 absorção, distribuição,
 metabolismo e excreção
 (ADME).



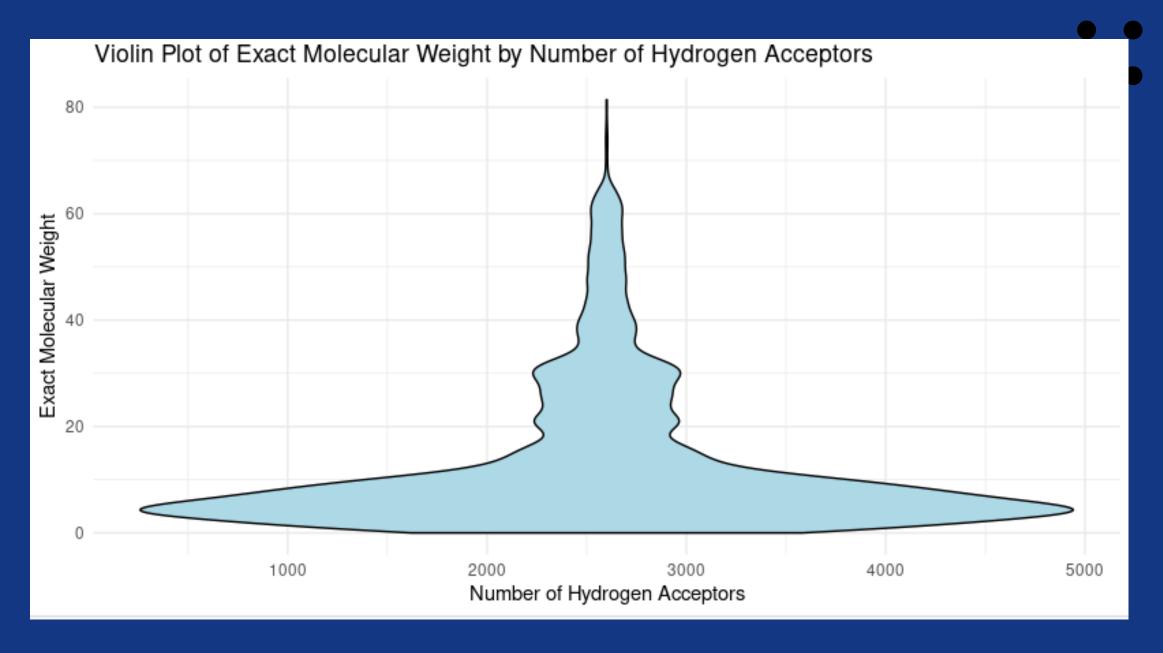
Boxplot de Número de

Aceitadores e Doadores de Hidrogênio: Maioria das

- moléculas têm número moderado de aceitadores e doadores de hidrogênio.
 - Estrutura e
 estabilidade de
 moléculas
 biológicas
- Interação entre moléculas



Violin Plot de Peso Molecular
Exato por Número de
Aceitadores de Hidrogênio:
A largura do "violino" indica
a densidade de moléculas
com um peso molecular
específico.



- A maior densidade sugere que moléculas com mais aceitadores de hidrogênio tendem a ter um peso molecular maior.
- A maioria das moléculas apresenta um número moderado de aceitadores de hidrogênio.

Gráfico de dispersão de

Contagem de Anéis e TPSA:

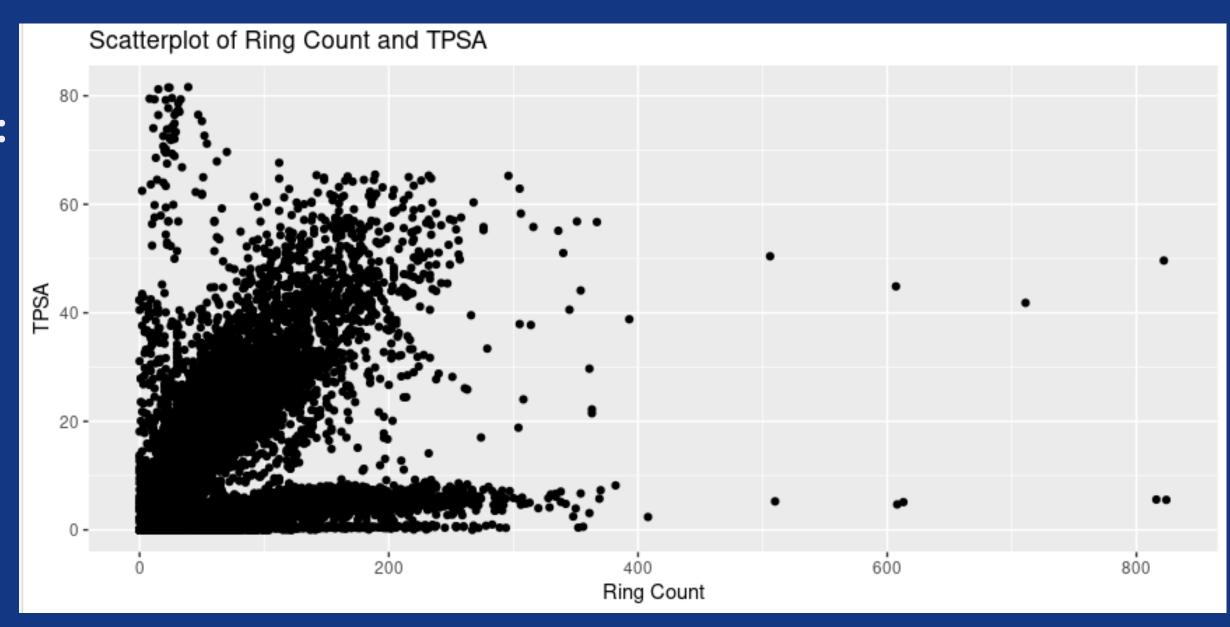
Correlação positiva entre

contagem de anéis e TPSA,

sugerindo conexão entre

complexidade molecular e

área de superfície polar.



CONSIDERAÇÕES FINAIS



- A solubilidade, influenciada pelo peso molecular e propriedades de LogP, é crucial para a eficácia de fármacos.
- A capacidade de formar ligações de hidrogênio, indicada pelo número de doadores e aceitadores, pode afetar a afinidade do fármaco pelo alvo.

Obrigado