# Analise de funcionários

#### Thiago Silva

01/05/2021

Este conjunto de dados é uma base ficticia do quadro de funcionários de uma empresa.

O objetivo é aplicar o algorítimo de agrupamento K-means para separar os individuos da base de dados em diferentes grupos com base nas suas caracteristicas.

#### 1. Sobre a base de dados

O nosso conjunto de dados possui informações de 220 individuos e suas informações de salário, anos de experiência, posição na empresa e sexo.

## 2. Importando os arquivos

Carregando a base de dados e ajustando o nome das colunas.

```
BD<- read.csv(file.choose(), na.strings = "", sep = ";")
colnames(BD)</pre>
```

```
## [1] "ï..indivÃ.duo" "salario" "posicao" "anosexperiencia"
## [5] "sexo"
```

```
colnames(BD) <- c("individuo", "salario", "posicao", "anosexperiencia", "sexo")
head(BD)</pre>
```

```
##
     individuo salario posicao anosexperiencia sexo
## 1
             1
                   148
                             7
                                           16,7
## 2
             2
                   165
                             7
                                           6,7
                                                   1
## 3
             3
                   145
                             5
                                           14,8
                                                   1
## 4
             4
                   139
                            7
                                           13,9
                                                   0
                                           6,4
## 5
             5
                   142
                             6
                                                   0
## 6
                   144
```

## 3. Explorando a base de dados

Checando se há valores faltantes na base de dados.

```
#CHECANDO PORCENTAGEM DE DADOS FALTANTES DE CADA VARIAVEL
NAs<- round(colSums(is.na(BD))*100/nrow(BD),2)
NAs
```

##	individuo	salario	posicao anosexperienc	ia	sexo	
##	0	0	0	0	0	

```
#CHECANDO SE EXISTE ALGUM DADO FALTANTE NA BASE
anyNA(BD)
```

```
## [1] FALSE
```

Neste caso, não possuimos nenhum valor faltante em nossa base de dados, não sendo necessário nenhum tipo de tratamento para este fim.

Explorando o conjunto para entender suas dimensões.

```
#CHECANDO DIMENSAO DO CONJUNTO DE DADOS dim(BD)
```

```
## [1] 220 5
```

Temos 220 linhas e 6 colunas.

Identificando proporção de sexo distribuidos na base.

```
#Explorando dados
propsexo <- round(table(BD$sexo)*100/nrow(BD),2)
propsexo</pre>
```

```
##
## 0 1
## 34.09 65.91
```

Com isso, adotando que a variavel categórica 1 seja o sexo masculino e a variavel 0 o sexo feminino, podemos ver que a base está distribuida em 65,91% de individuos do sexo masculino e 34,09% de individuos do sexo feminino.

Podemos entender um pouco mais da base plotando correlações para identificarmos variaveis que possuem correlação.

```
#Visualizando correlacoes
library(GGally)
```

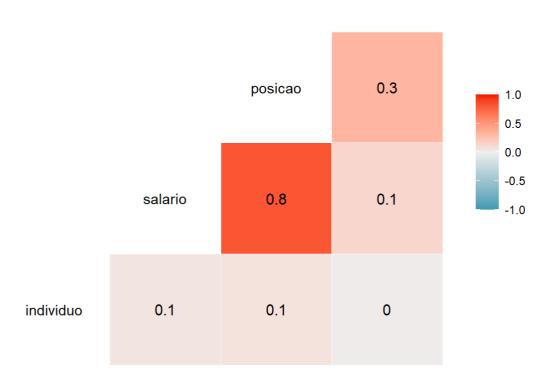
```
## Loading required package: ggplot2
```

```
## Registered S3 method overwritten by 'GGally':
## method from
## +.gg ggplot2
```

```
ggcorr(BD, label=T)
```

```
## Warning in ggcorr(BD, label = T): data in column(s) 'anosexperiencia' are not
## numeric and were ignored
```





Nota-se que existe correlação da posição que o individuo tem na empresa com o salário que ele recebe, o que faz sentido dado que conforme a seu cargo evolui espera-se que você receba um salário maior.

### 4. Transformando a base de dados

Para darmos inicio a construção do algoritmo K-means excluiremos a variavel ID "individuos" que não nos será útil.

```
#Removendo variavel ID
library(dplyr)

##
## Attaching package: 'dplyr'

## The following objects are masked from 'package:stats':
##
## filter, lag

## The following objects are masked from 'package:base':
##
## intersect, setdiff, setequal, union

BDclusters <- BD %>% select(-1)
```

Verificando o tipo de dado das colunas para sabermos se precisamos fazer algum tipo de tratamento.

```
#Verficando o tipo das colunas
str(BDclusters)
```

Nota-se que as variaveis posicao, anos de experiencia e sexo são variaveis categóricas e foram identificadas como númericas, neste caso será necessário realizar um tratamento nestas, afim de transforma-las para o tipo fator.

Outro ponto importante é que a variavel "anos experiencia" está com as casas decimais separadas por virgula, neste caso será necessário substituir a virgula por ponto, conforme código abaixo:

```
#Substituindo virgula por ponto na variavel anosexperiencia e formatando para tipo numerico anosexperiencia <- sapply(BDclusters, function(x) any(grepl(",", x)))
BDclusters$anosexperiencia <- sapply(BDclusters[,c("anosexperiencia")], function(x) as.numeri c(sub(",", ".", x)))
#Verficando o tipo das colunas
str(BDclusters)
```

## 5. Criando o algoritmo k-means

Para que o modelo não seja viesado por conta de grandezas diferentes, realizaremos uma normalização de dados atráves da função scale.

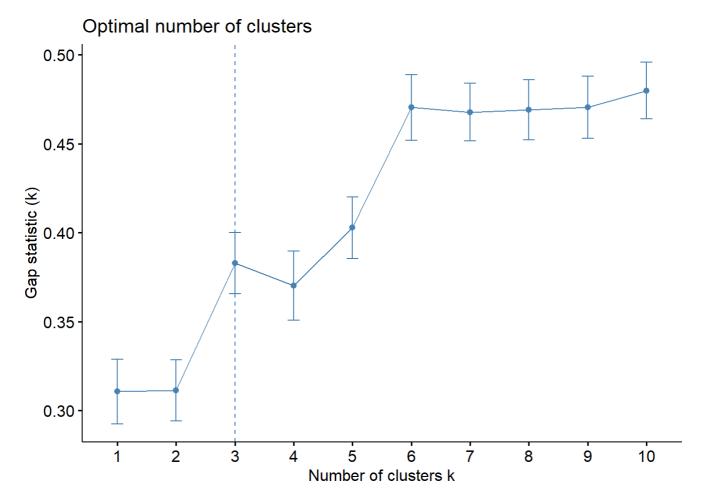
```
#NORMALIZANDO DADOS E ARMAZENANDO NA VARIAVEL "DADOS"
dados<- scale(BDclusters[,c(1:4)])</pre>
```

Através do método "Cotovelo" identificaremos a quantidade ideal de grupos para esse conjunto de dados.

```
#ENCONTRANDO O NUMERO IDEAL DE CLUSTERS
library(factoextra)
```

```
## Welcome! Want to learn more? See two factoextra-related books at https://goo.gl/ve3WBa
```

#EXECUTANDO ALGORITMO KMEANS E METODO GAP\_STAT PARA ENCONTRAR O NUMERO IDEAL DE CLUSTERS fviz\_nbclust(dados, kmeans, method= "gap\_stat")



Como vemos explicitamente acima, trabalharemos com 3 grupos diferentes.

Damos inicio a predição orientando o algoritmo k-means a separar o conjunto em 3 grupos diferentes.

```
library(caret)

## Loading required package: lattice

#REALIZANDO PREDICAO COM ALGORITMO DE CLUSTERIZACAO E UTILIZANDO METODO DE NORMALIZACAO "SCAL E"

BDclusters <- predict(preProcess(BDclusters, method ="scale") ,BDclusters)

#COMANDO PARA GARANTIR QUE O LEITOR CHEGUE AO MESMO RESULTADO</pre>
```

# 6. Explorando grupos

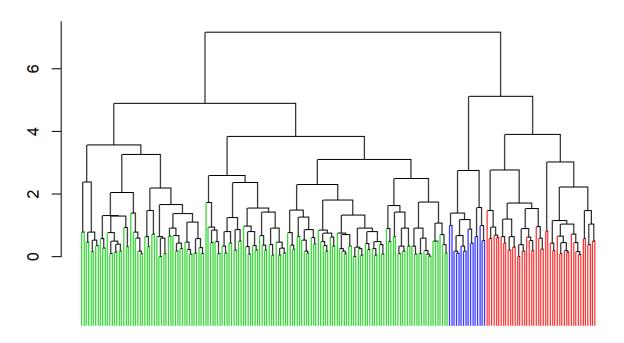
clusters<- kmeans(BDclusters, centers=3)</pre>

set.seed(1)

Após separação dos grupos, podemos visualizar o dendograma com os grupos separados por 3 cores diferentes.

```
dendograma <- hclust(dist(BDclusters))
#plot(dendograma)
#Dividindo o dendograma em 3 grupos com cores diferentes
y = cutree(dendograma, 3)
library(sparcl)
ColorDendrogram(dendograma, y = y, labels = names(y), main = "Dendograma", branchlength = 80)</pre>
```

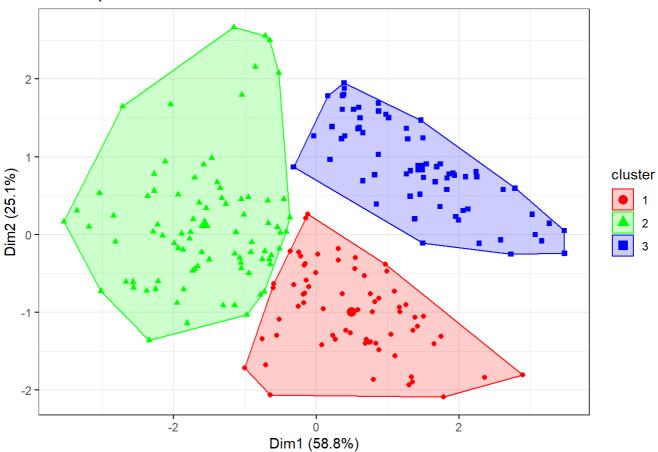
## Dendograma



dist(BDclusters)
hclust (\*, "complete")

Como visualização auxiliar, temos:





Podemos ver algumas estatisticas dos agrupamentos, como os clusteres os centróides e quantos individiuos foram alocados em cada cluster.

```
#CLUSTERS
clusters$cluster
```

#CENTROS DOS CLUSTERS clusters\$centers

```
## salario posicao anosexperiencia sexo
## 1 10.71517 2.269808 1.902795 2.104838
## 2 12.31883 3.808876 2.673347 1.904378
## 3 10.98853 2.195639 1.286458 0.000000
```

#TAMANHO DOS CLUSTERS clusters\$size

```
## [1] 69 84 67
```

O proximo passo será incluir nossa predições na base original para que possamos explorar estes agrupamentos.

```
#INSERINDO CLUSTERS NO DATASET E VISUALIZANDO A CLASSIFICACAO EM TABELA
BD$Cluster <- clusters$cluster
#head(BDcLusters)
head(BD)</pre>
```

```
##
    individuo salario posicao anosexperiencia sexo Cluster
## 1
          1
               148
                       7
                                  16,7
                       7
## 2
          2
               165
                                   6,7
                                         1
                                                2
## 3
         3
              145
                      5
                                  14,8
                                       1
                                               2
          4
                       7
## 4
              139
                                  13,9
                                         0
                                                3
          5
              142
                                         0
                                                3
## 5
                       6
                                   6,4
               144
## 6
          6
                       5
                                   9,1
                                         1
                                                1
```

Podemos visualizar em % a proporção do conjunto de dados em cada grupo.

```
#Proporcao da quantidade de individuos por grupo
proporcaocluster <- round(table(BD$Cluster)*100/nrow(BD),2)
proporcaocluster</pre>
```

```
##
## 1 2 3
## 31.36 38.18 30.45
```

Afim de conseguirmos uma visualização mais clara, arredondamos a variavel de anos de experiencia para 0 casas decimais, além da substituição da virgula pelo ponto na formatação de casa decimal desta vez no nosso conjunto de dados inicial.

```
BD$anosexperiencia <- round(BD$anosexperiencia,0)
```

Tornamos tambem as variaveis individuo, posicao, sexo e cluster como sendo do tipo fator.

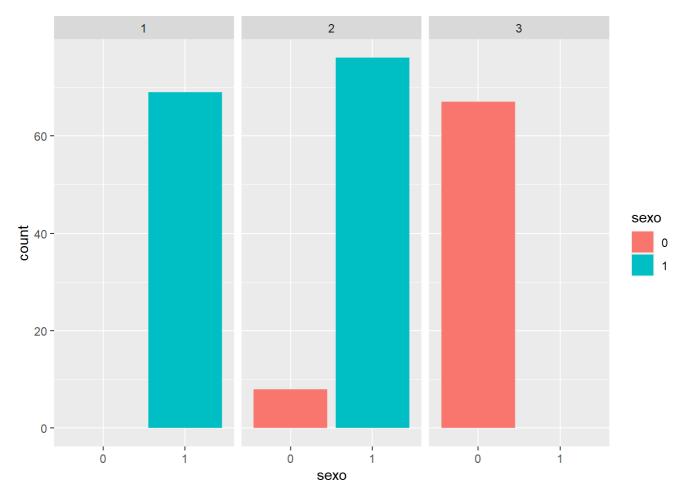
```
#Alterando tipos das variaveis
str(BD)
```

```
BD$individuo <- as.factor(BD$individuo)
BD$posicao <- as.factor(BD$posicao)
BD$sexo <- as.factor(BD$sexo)
BD$Cluster <- as.factor(BD$Cluster)</pre>
```

Damos inicio a uma análise exploratória mais profunda afim de entendermos o que os grupos possuem em comum.

```
#PLotando grupos
library(ggplot2)

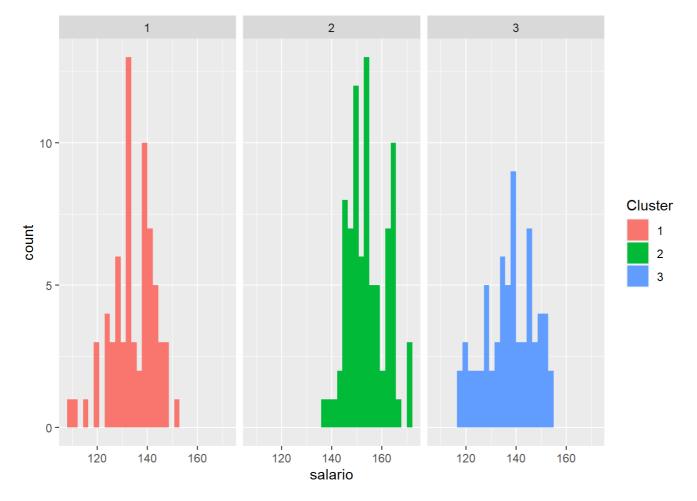
#Sexo barras
ggplot(BD) +
  aes(x = sexo, fill = sexo) +
  geom_bar() +
  scale_fill_hue() +
  theme_gray() +
  facet_wrap(vars(Cluster))
```



Podemos notar que o grupo 1 é composto apenas por individuos do sexo masculino. O grupo 2 possui em torno de 92% da sua composição individuos do sexo masculino e o grupo 3 é composto apenas por individuos do sexo feminino.

Plotando o salario em forma de histograma.

```
#salario histogram
ggplot(BD) +
  aes(x = salario, fill = Cluster) +
  geom_histogram(bins = 30L) +
  scale_fill_hue() +
  theme_gray() +
  facet_wrap(vars(Cluster))
```



Nota-se que o grupo 1 possui os individuos com o salário mais baixo apesar de ter alta concentração de salários que permeiam o ponto médio de salario do nosso conjunto de dados. O grupo 2 possui os individuos com maior salario e o grupo 3 possui os individuos com menor variancia de salário, haja visto que estes não recebem nem o menor e nem o maior salário da nossa base de dados e estão levemente concentrado no ponto médio da escala de salarios.

Podemos explorar um pouco mais da variavel salario:

```
#Explorando os salarios dos grupos
mediasalario <- BD %>% group_by(Cluster) %>% summarise(media.salario= mean(salario))
```

```
## `summarise()` ungrouping output (override with `.groups` argument)
```

```
minimosalario <- BD %>% group_by(Cluster) %>% summarise(minimo.salario= min(salario))
```

```
## `summarise()` ungrouping output (override with `.groups` argument)
```

```
maxsalario <- BD %>% group_by(Cluster) %>% summarise(max.salario= max(salario))
```

```
## `summarise()` ungrouping output (override with `.groups` argument)
```

cbind(minimosalario, mediasalario, maxsalario)

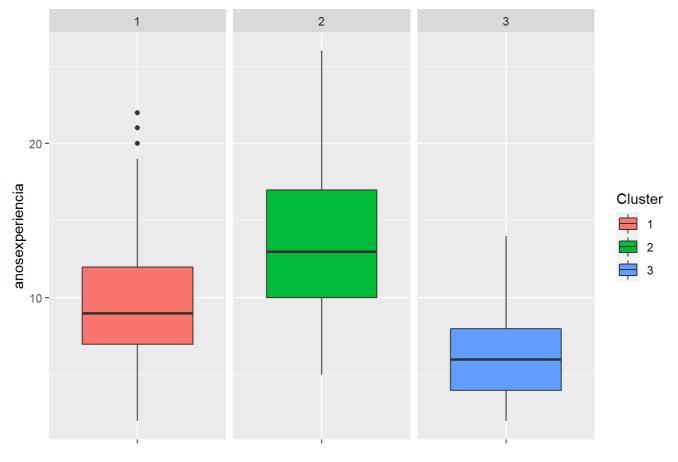
```
##
    Cluster minimo.salario Cluster media.salario Cluster max.salario
## 1
          1
                       110
                                 1
                                        134.1594
                                                                 152
          2
                                 2
                                                       2
## 2
                       136
                                        154.2381
                                                                 172
                                        137.5821
                                                                 153
## 3
          3
                       118
                                 3
                                                       3
```

O grupo 1 possui um salario minimo de 110, uma media de 134 e um salario maximo de 152.

O grupo 2 possui um salario minimo de 136, uma media de 154 e um salario maximo de 172.

O grupo 3 possui um salario minimo de 118, uma media de 137 e um salario maximo de 153.

```
#Anos experiencia boxplot
ggplot(BD) +
  aes(x = "", y = anosexperiencia, fill = Cluster) +
  geom_boxplot() +
  scale_fill_hue() +
  theme_gray() +
  facet_wrap(vars(Cluster))
```

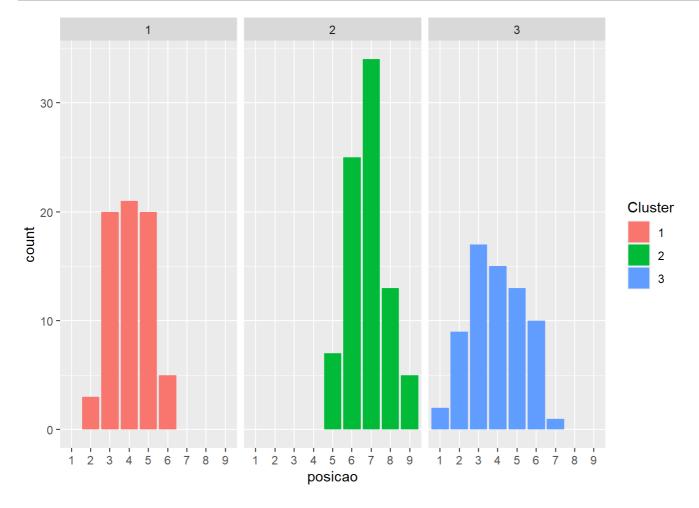


A partir desta visualização, podemos observar os grupos em diferentes niveis de senioridade onde o grupo 3 possui os individuos em inicio de carreira, haja visto ser o grupo com menos tempo de experiencia. O grupo 1 com individuos que provavelmente estão em transição de senioridade de junior para pleno, individuos que ja possuem um pouco mais de experiencia. O grupo 2, individuos que provavelmente são as referências das suas áreas com mais anos de experiencia.

Nota-se também que o grupo 1 é o conjunto que possui mais outliers, onde provavelmente sejam pessoas que não tiveram acesso qualificado a educação e podem ter estagnado em uma senioridade inicial.

Podemos confirmar essas premissas com o gráfico abaixo que mostra a quantidade de individuos por posição na empresa segmentado por grupos.

```
#Posicao barras
ggplot(BD) +
  aes(x = posicao, fill = Cluster) +
  geom_bar() +
  scale_fill_hue() +
  theme_gray() +
  facet_wrap(vars(Cluster))
```



## 7. Conclusão

Por fim, conclui-se que o conjunto de dados Ajax possui 3 grupos diferentes de individuos, sendo eles:

Grupo 1: Apenas individuos do sexo masculino com uma média em torno de 8 anos de experiencia que possuem senioridades iniciais e salarios iniciais condizentes com sua posição.

Grupo 2: Composto por mais de 90% de individuos do sexo masculino, é o conjunto que possui a maior senioridade, mais anos de experiência, ocupa as posições mais altas e possuem o maior salario.

Grupo 3: Composto apenas por mulheres, o conjunto possui a menor variancia de salarios, é o grupo com menos anos de experiência e que possui maior distribuição de individuos nas posições de senioridade pleno.
menos anos de experiencia e que possui maior distribuição de individuos has posições de semondade pieno.