



Kết quả tạm chấp nhận, ít “noise”

Ở các đỉnh đều tương ứng nhưng dưới đáy có các noise-->lỗi trong kỹ thuật chạy PCR thôi-->nó chấp nhận được vì ko gây ảnh hưởng, ko thay đổi cái đỉnh với vị trí nucleotide (ko lệch)-->tạm chấp nhận

Nếu ở trên xuất hiện các cái lỗi, có cái khoảng trắng ko nhận diện nucleotide ở trên-->lỗi này gây ra kết quả sai-->ko được chấp nhận