

Như thế nào là kết quả không tốt? Pha trộn nhiều gene

<https://brcf.medicine.umich.edu/cores/advanced-genomics/faqs/sanger-sequencing-faqs/interpretation-of-sequencing-chromatograms/>

Kỹ thuật giải trình tự Sanger



Ưu điểm

- Chiều dài phân mảnh ADN (read length) dài hơn so với kỹ thuật NGS.
- Độ chính xác cao
- Dùng kiểm định lại các đột biến được phát hiện bởi các kỹ thuật NGS.

Nhược điểm

- Tốn thời gian
- Chi phí XN cao
- Độ dài trình tự < 1000 bp

38

NGS: kỹ thuật giải trình tự mới - DNA bị cắt ngắn lại từ 100-150-300-350: Sanger dài hơn có thể tới 1000

Độ chính xác cao do xem xét từng vị trí nucleotide luôn: trong cái đột biến mới phát hiện bằng giải trình tự mới thì thường được kiểm định lại bằng giải trình tự Sanger

Sau đó đọc hết slide:

- **Gen nào độ dài trình tự 2Mb thì chịu thua:** ko thể xác định được bằng Sanger mà phải cắt thành từng đoạn nhỏ <1000 bp thì mới xem xét được từng tí một