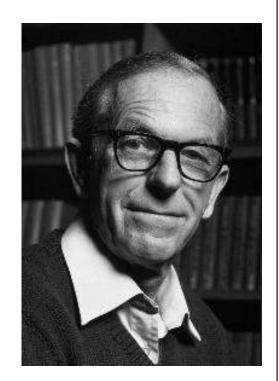
D. GIẢI TRÌNH TỰ DNA

- Hai phương pháp giải trình tự cổ điển:
 - 1. Phương pháp enzyme hay phương pháp dideoxynucleotide (Sanger 1977)
 - 2. Phương pháp hóa học (Maxam & Gilbert 1977)
- Hiện nay: Giải trình tự tự động, dựa theo phương pháp của Sanger.

Giải trình tự theo phương pháp Sanger

Đặc điểm:

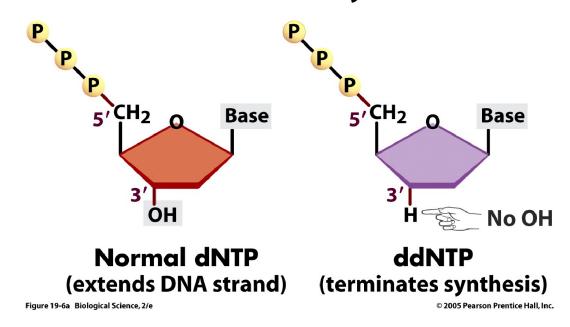
- Dùng 1 mồi duy nhất;
- Đánh dấu phóng xạ ³²P trên mồi (hoặc trên dNTP);
- Dùng đoạn Klevnow;
- Dùng các ddNTP (dideoxynucleoside triphosphate). Khi các ddNTP bị gắn vào đầu 3' của chuỗi polynucleotide >> sự tổng hợp kết thúc;
- Đoạn DNA cần xác trình tự định phải được tạo dòng trong một vector mạch đơn (phage M13).
- Trình tự kết quả được giải nhờ điện di trên gel polyacrylamide.



Frederick Sanger (1918 - 2013)

Giải trình tự theo phương pháp Sanger

ddNTPs terminate DNA synthesis.



dideoxyribonucleoside triphosphate (ddNTP)

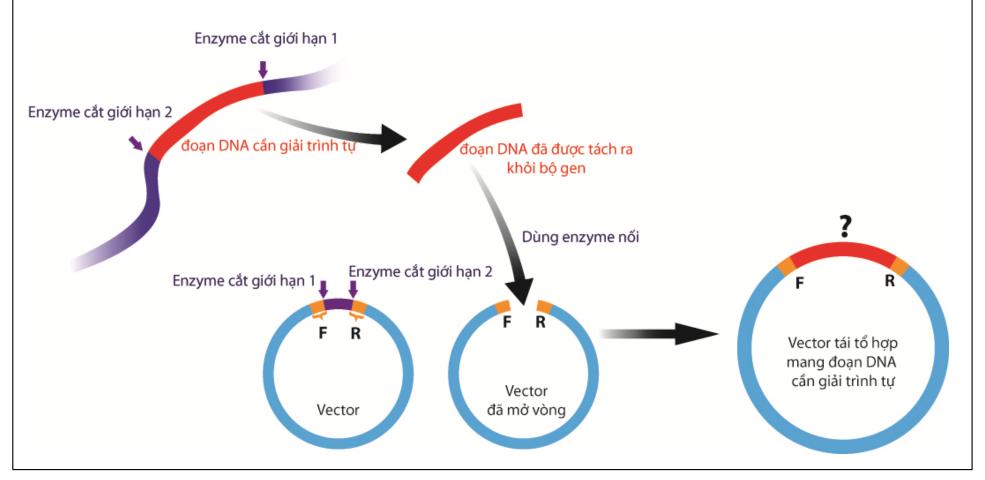
- dNTP: cho phép mạch mới được tổng hợp liên tục
- ddNTP: ngưng tổng hợp mạch mới



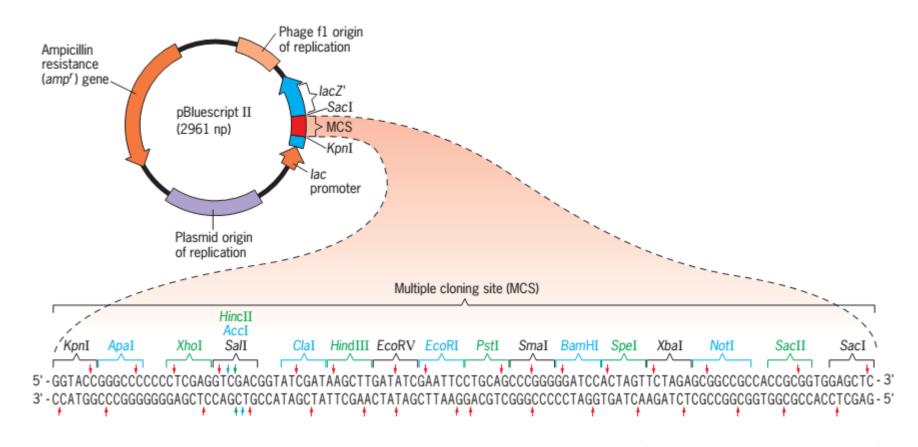
TRÌNH TỰ CẦN GIẢI



Dòng hóa vào plasmid



Cấu trúc cơ bản của một vector



- MCS Multiple cloning site Vùng có nhiều vị trí nhận biến của R-Enzyme;
- Promoter để tạo bản sao trong TB chủ hoặc biểu hiện gen;
- Gen kháng kháng sinh dùng để chọn lọc TB biến nạp.

Giái trình tự theo phương pháp Sanger

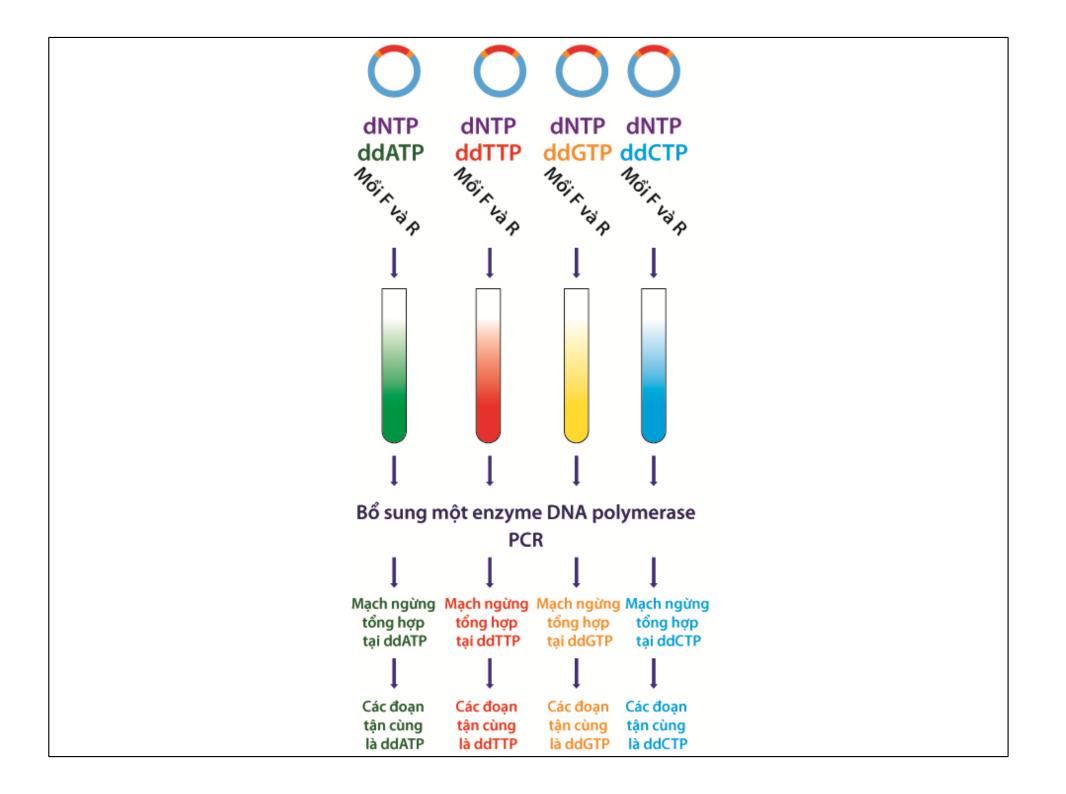
Đoạn cần giải trình tự QTAC (nằm trên vector) CATGCTAGCCTGGCTT 5'

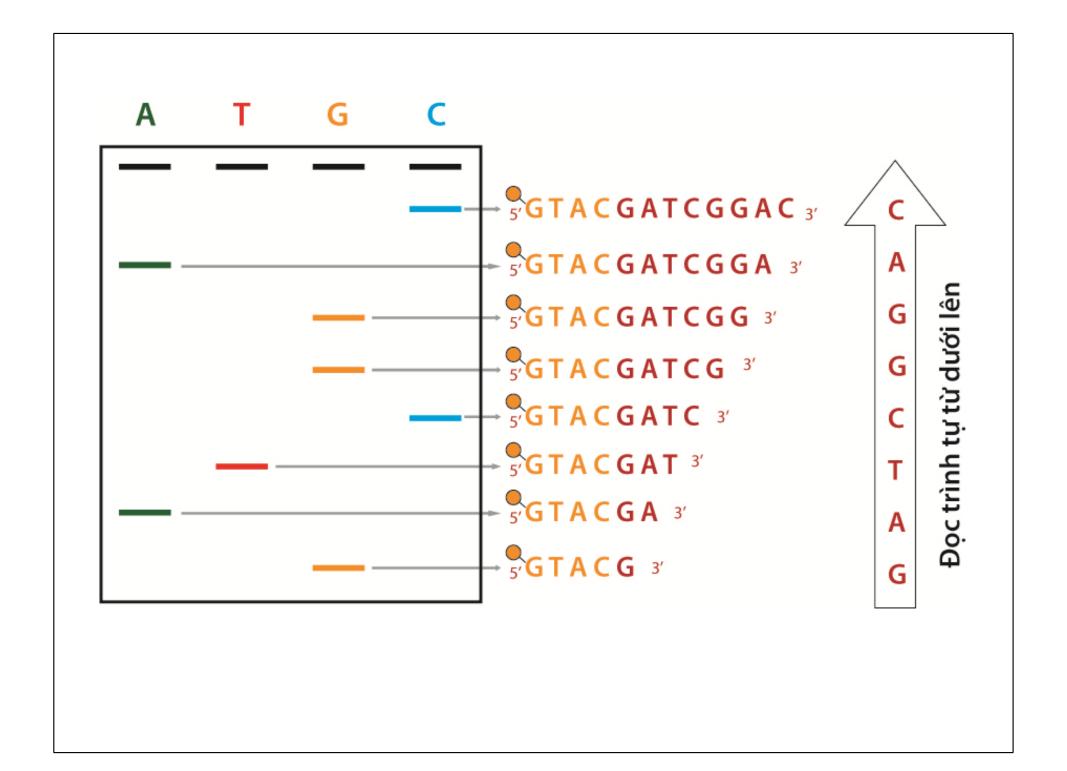


(VD: ddTTP)



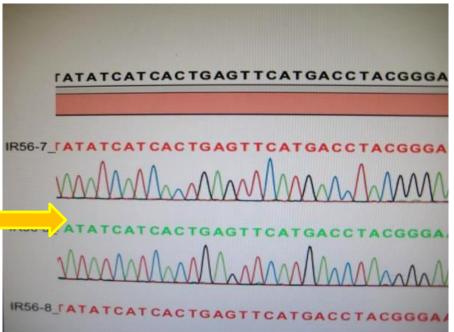




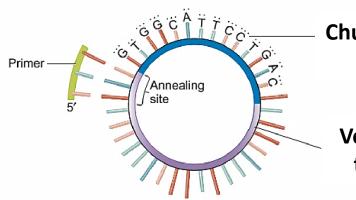


Giải trình tự tự động





Hệ thống giải trình tự tự động



Chuỗi DNA đích

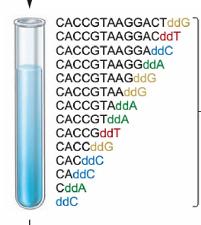
Giải trình tự tự động

Vector tái tổ hợp

- Nhiều bản sao của vector tái tổ hợp, primer, dNTP, dideoxyNu đánh dấu huỳnh quang được trộn lẫn.
- Bổ sung DNA polymerase → PCR.

Phân tách các đoạn bằng điện

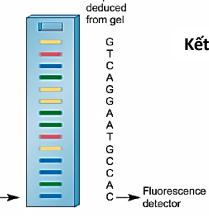
di trên gel



- Các dideoxyNu gắn vào mạch kéo dài làm ngừng phản ứng trùng hợp.

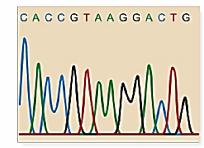
Laser

beam



Sequence

Kết quả phân tích của máy tính



E. CẮT DNA GIỚI HẠN

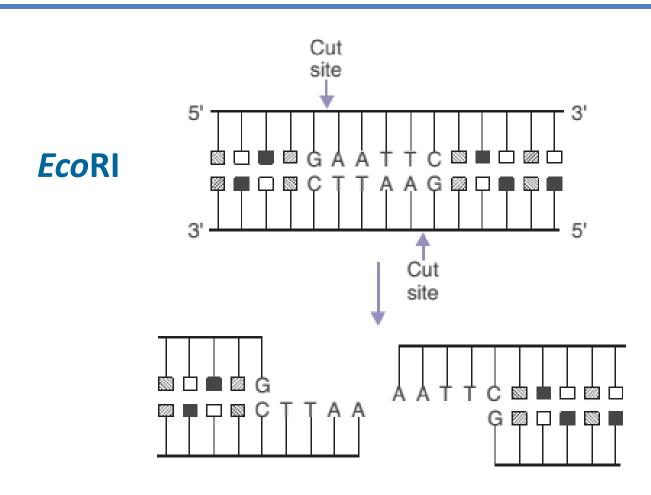
- Là phương pháp để cắt gen hoặc một đoạn DNA bằng enzyme.
- Enzyme thu nhận từ vi khuẩn, nấm và virus.
- Úng dụng:
 - Thu gen mục tiêu;
 - Cắt gen, vector và nối vào để tạo vector tái tổ hợp mang gen (tạo dòng);
 - Nghiên cứu đa hình chiều dài (RFLP).

Các enzyme cắt giới hạn (RE)

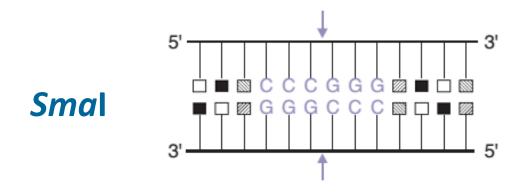
• Danh pháp:

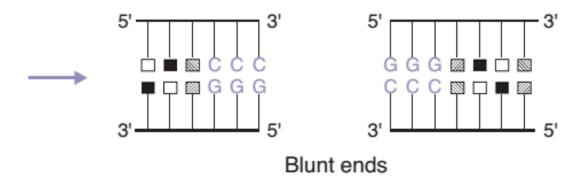
- Ba chữ cái in nghiêng: tên của tế bào chủ;
- CHỮ CÁI ĐẦU VIẾT HOA: giống;
- hai chữ cái sau viết thường: loài;
- Chữ cái thứ tư: chủng (nếu có);
- Số La Mã: thứ tự tìm ra.

Enzyme	Enzyme source
Smal	Serratia marcescens, 1st enzyme
Haelll	Hemophilus aegyptius, 3rd enzyme
<i>Hin</i> dII	Hemophilus influenzae, strain d, 2nd enzyme
HindIII	Hemophilus influenzae, strain d, 3rd enzyme
BamHI	Bacillus amyloliquefaciens, strain H, 1st enzyme



Enzyme cắt DNA có đầu "dính"





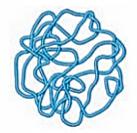
Enzyme cắt DNA có đầu "bằng"

F. LAI PHÂN TỬ (hybridization)

- Là kỹ thuật chuyển các đoạn DNA, RNA hoặc protein lên màng lai và dùng các mẫu dò (probe) để xác định có sự hiện diện của phân tử mục tiêu hay không.
- Úng dụng trong phát hiện gene, protein bệnh; sự biểu hiện gen ở thời điểm, vị trí hoặc điều kiện nhất định nào đó...

- Lai là quá trình bắt cặp bổ sung giữa các base của hai mạch đơn polynucleotide.
- Có nhiều kỹ thuật lai phân tử, nhưng cơ bản nhất là các kỹ thuật sau:
 - Southern blot Lai DNA.
 - Northern blot Lai RNA.
 - Western blot Lai protein.
 - FISH.

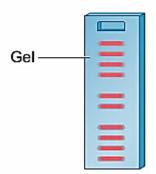


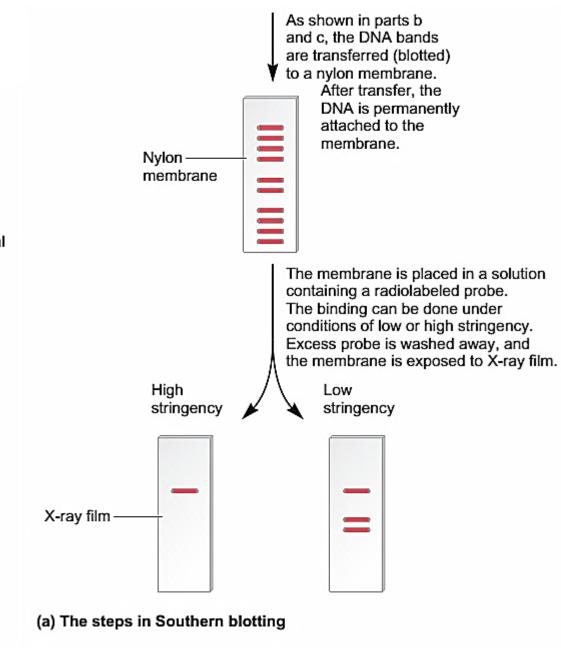


A sample of chromosomal DNA is digested into small fragments with a restriction enzyme.

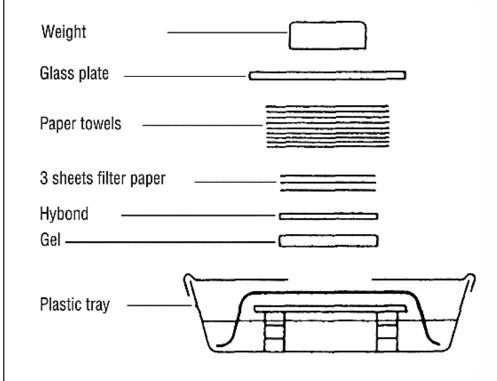


The fragments are separated by gel electrophoresis, and then denatured.

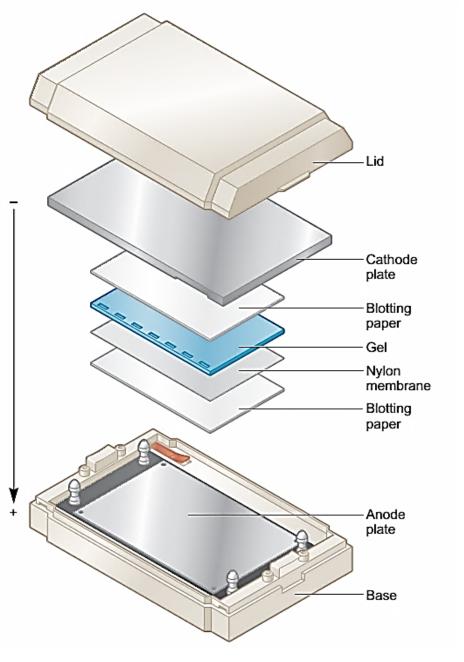


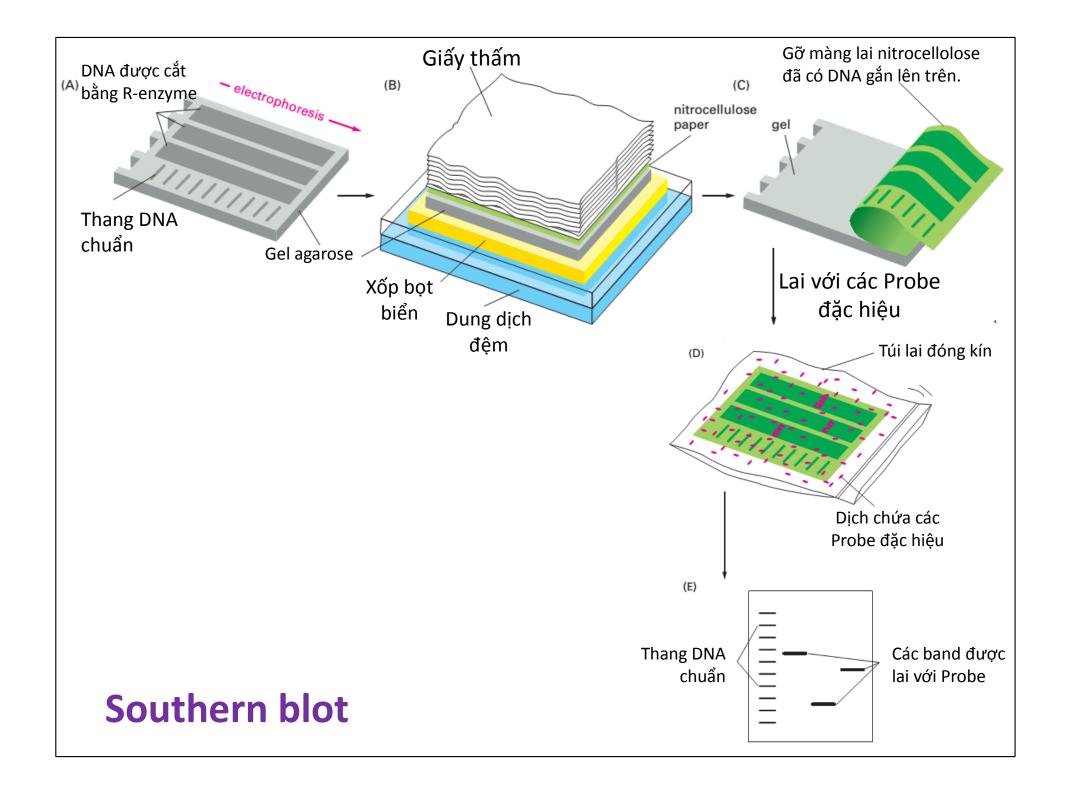


Southern blot



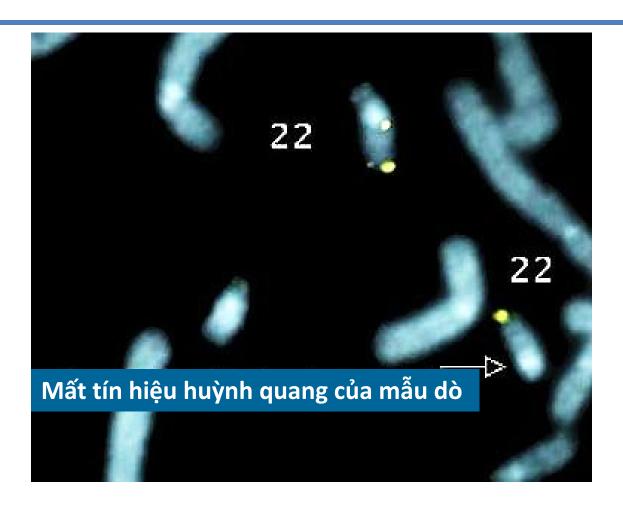
- Ứng dụng phát hiện gen mục tiêu (bệnh)
- Kết hợp với RFLP, VNTR, STRs,
 SNPs... trong xác định huyết thống,
 pháp y, xác định hài cốt...



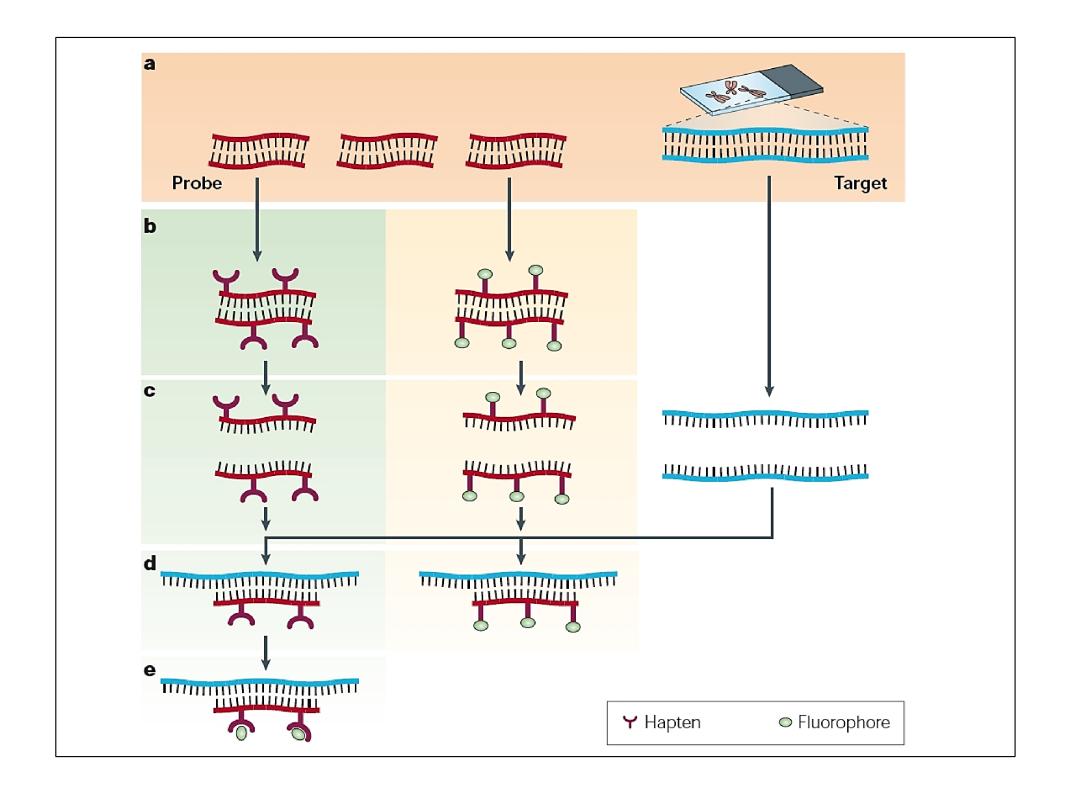


- FISH = Fluorescence in situ hybridization
- Thường được dùng để phát hiện các trường hợp mất đoạn, lặp đoạn hoặc chuyển đoạn NST.
- Đòi hỏi tính đặc hiệu cao của các mẫu dò (probe) và định hướng trong chẩn đoán lâm sàng.
- Kích thước mẫu dò: từ hàng chục Kb đến khoảng 1 Mb.

- Các loại mẫu dò:
 - Dựa trên trình tự: (1) trình tự lặp lại, (2) toàn bộ
 NST, hoặc (3) trình tự duy nhất.
 - Dựa trên cách đánh dấu:
 - Đánh dấu trực tiếp: mẫu dò có Nucleotide gắn huỳnh quang;
 - Đánh dấu gián tiếp: mẫu dò có Nucleotide gắn hapten, sau đó bổ sung kháng thể phù hợp (gắn huỳnh quang).



Kết quả xét nghiệm FISH của bệnh nhân bị mất đoạn trên vùng 22q11.



• Ưu điểm

- Phát hiện được bất thường NST trên cả TB không phân chia.
- Interphase FISH không cần phải nuôi tế bào, độ nhạy > 50 kB
- Mẫu dò đặc hiệu nên rất nhạy.

Nhược điểm

- Phụ thuộc vào mẫu dò.
- Không quan sát được toàn bộ cấu trúc bộ NST.
- Một số trường hợp không phát hiện được các vi mất đoạn.

TÀI LIỆU THAM KHẢO

- 1. Jane B. Reece et al., *Campbell Biology*, 10th ed, Benjamin Cummings, 2013.
- 2. Lodish et al., Molecular Cell Biology, 7th ed. W.H Freeman & Company, 2013.

Cảm ơn đã lắng nghẹ!

Liên hệ: chile@ump.edu.vn

Lưu ý: SV làm feedback cho nội dung bài giảng và phương pháp giảng dạy.