



Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης  
Πολυτεχνική Σχολή  
Τμήμα Ηλεκτρολόγων Μηχανικών και Μηχανικών Υπολογιστών  
Τομέας Ηλεκτρονικής και Υπολογιστών

# **Μάθηση πολλαπλών εργασιών στη μοντελοποίηση διαταραχών με εφαρμογή σε μονοκυτταρικά δεδομένα**

Θεόδωρος Κατζάλης

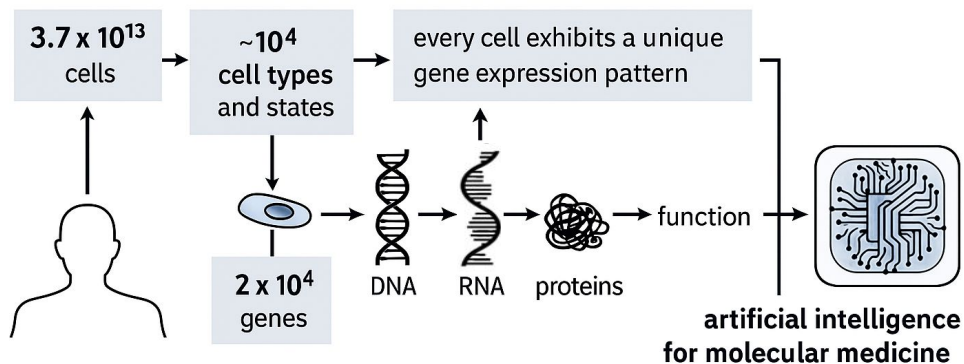
Επιβλέπων: Περικλής Μήτκας, Καθηγητής ΑΠΘ  
Συνεπιβλέπων: Φώτης Ψωμόπουλος, Ερευνητής INEB-EKETA

Θεσσαλονίκη, Νοέμβριος 2025

# Περιεχόμενα

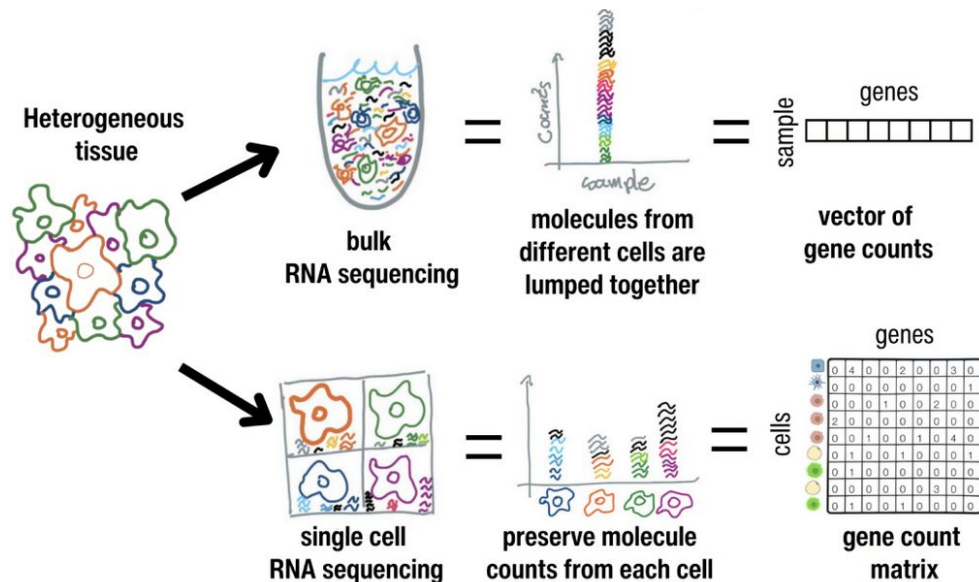
- Μοντελοποίηση μονοκυτταρικών διαταραχών (single-cell perturbation modeling)
- Μάθηση πολλαπλών εργασιών (Multi-task learning, MTL)
- Feature-wise Linear Modulation (FiLM)
- Περιγραφή της προτεινόμενης αρχιτεκτονικής
- Αξιολόγηση αποτελεσμάτων
- Συμπεράσματα και μελλοντικές επεκτάσεις

# Κεντρικό δόγμα της βιολογίας



source: <https://aimm.epfl.ch/research/>

# Τεχνολογίες αλληλούχισης γονιδίων

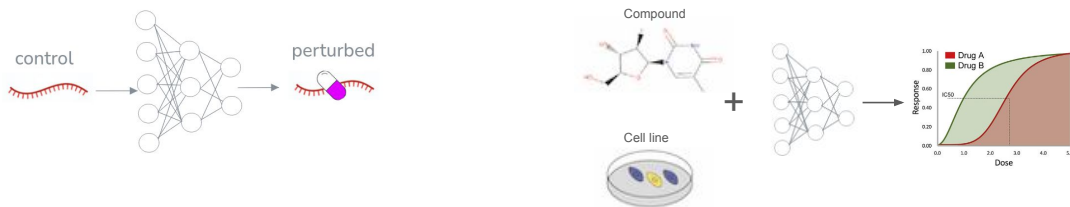


source: <https://mbzuai.ac.ae/news/the-future-of-personalized-medicine/>

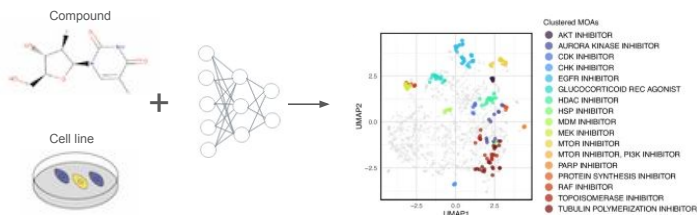
# Τι είναι η μοντελοποίηση διαταραχών

## A. Perturbation response prediction

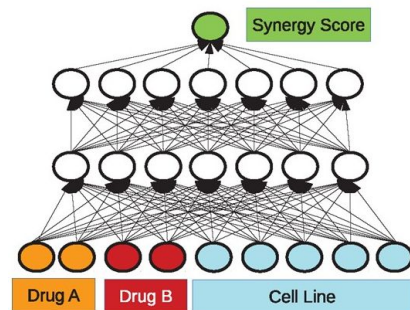
i. out-of-distribution (OOD) detection    ii. phenotype



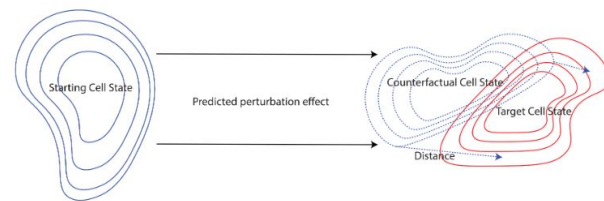
## B. Predicting the Mode of action (MOA)



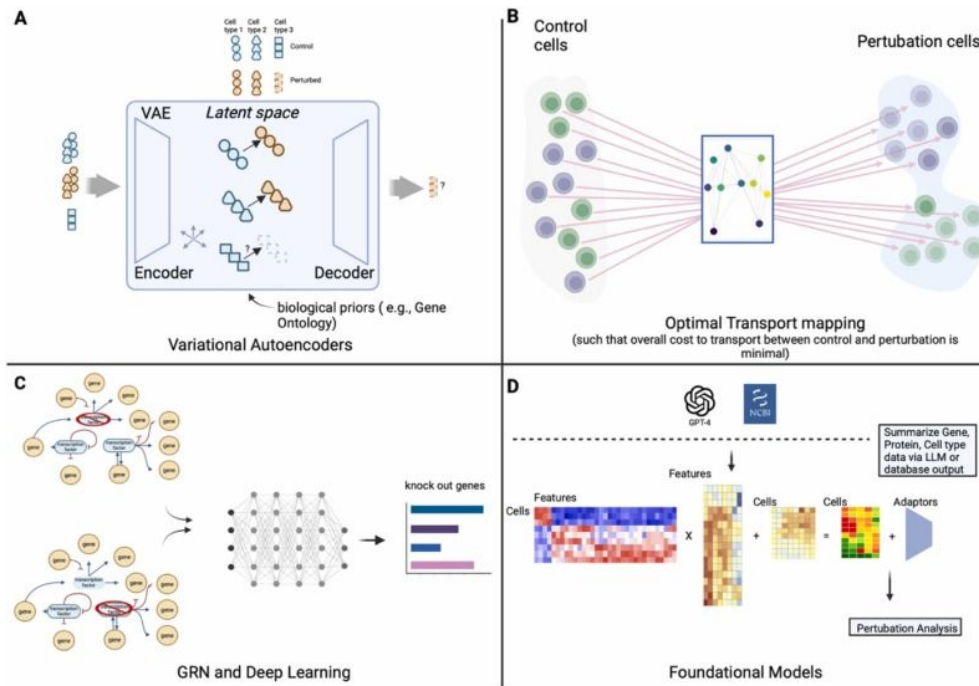
## C. Perturbation interaction prediction



## D. Chemical property prediction



# Βιβλιογραφικές μέθοδοι στη μοντελοποίηση διαταραχών

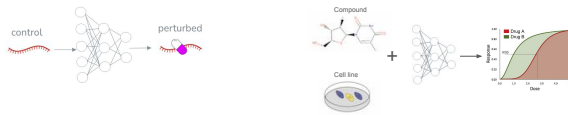


source: Gavrilidis et al. 2024

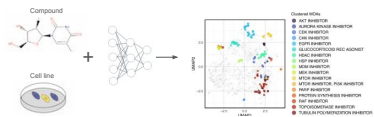
# Κίνητρο χρήσης μάθησης πολλαπλών εργασιών

## A. Perturbation response prediction

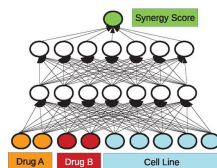
i. out-of-distribution (OOD) detection    ii. phenotype



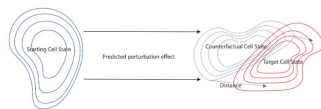
## B. Predicting the Mode of action (MOA)



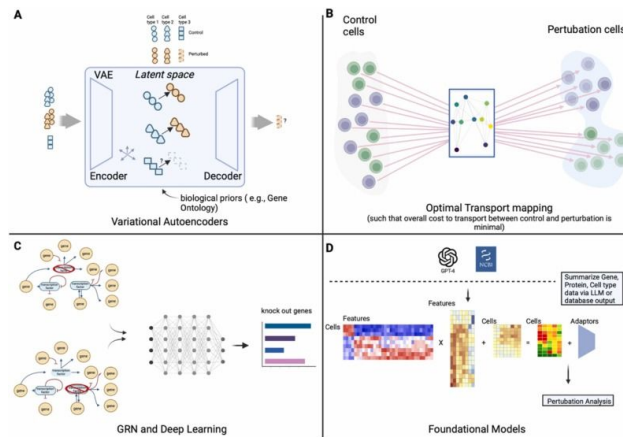
## C. Perturbation interaction prediction



## D. Chemical property prediction



sources: Gavrilidis et al. 2024, Yu et al. 2025, Ji et al. 2021, Sinha et al. 2025, Preuer et al. 2018

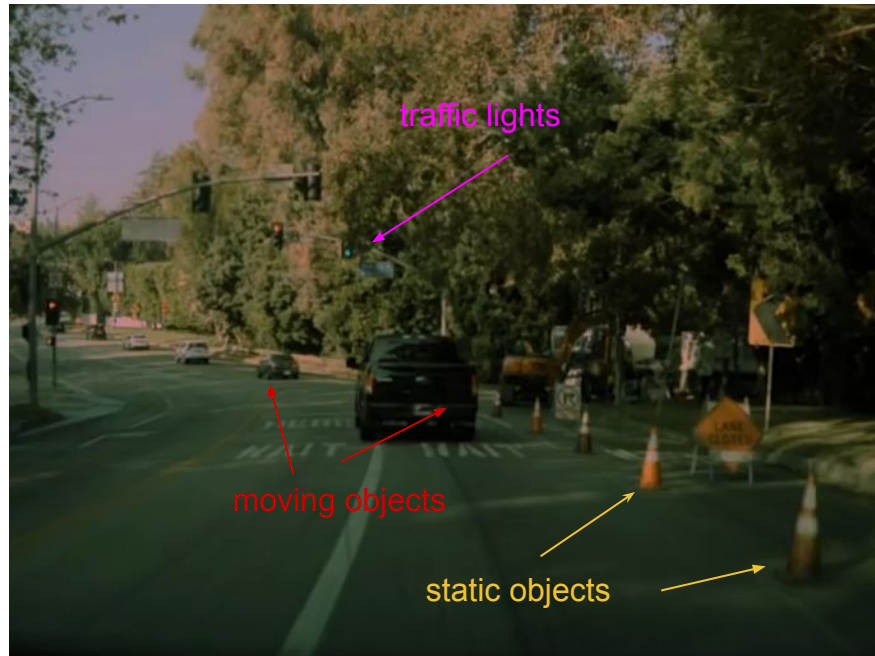


source: Gavrilidis et al. 2024

“Highly complex single-cell multi-omic data [...] necessitate more powerful ML/DL approaches than ever to glean perturbational knowledge”

“[...] we believe multi-task learning will be an important feature of powerful DL models.”

## Μάθηση πολλαπλών εργασιών (Multi-task learning, MTL)

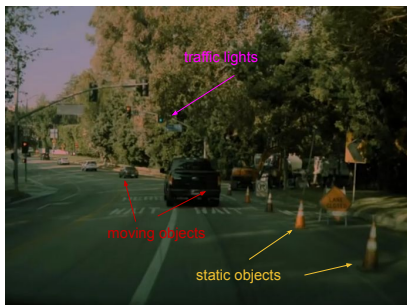


source: [Andrej Karpathy: Tesla Autopilot and Multi-Task Learning for Perception and Prediction](#)

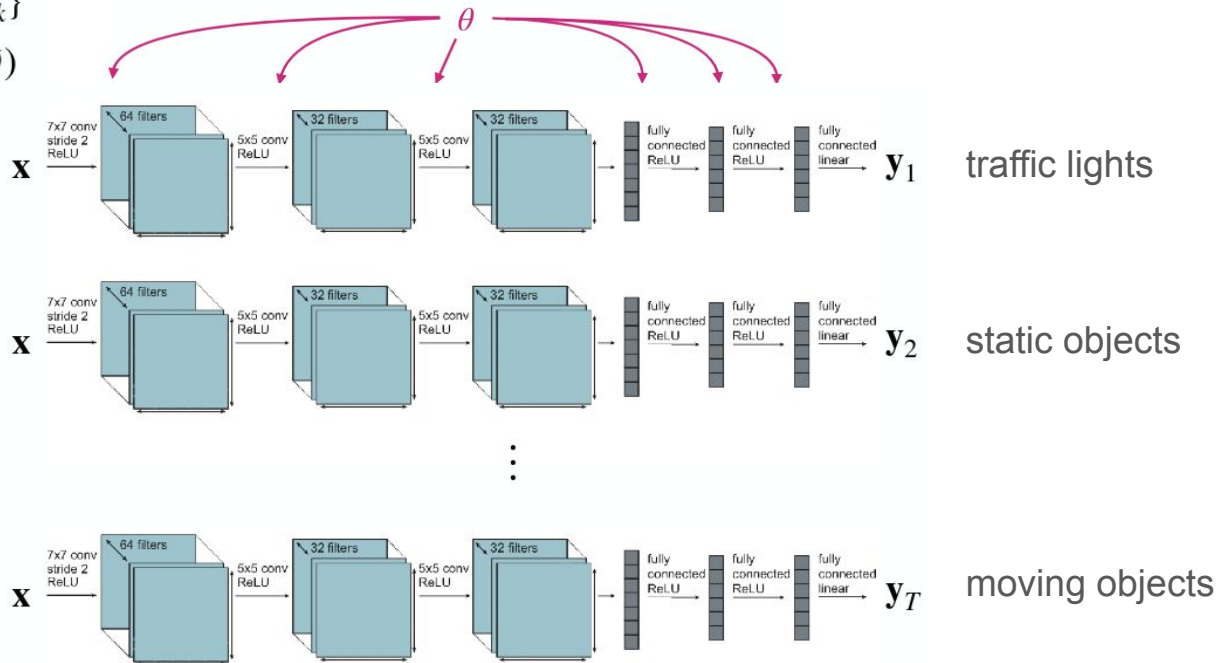


# Μάθηση πολλαπλών εργασιών (Multi-task learning, MTL)

Single-task learning:  $\mathcal{D} = \{(\mathbf{x}, \mathbf{y})_k\}$   
[supervised]  
 $\min_{\theta} \mathcal{L}(\theta, \mathcal{D})$



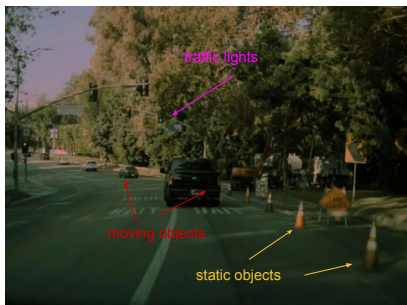
source: [Andrej Karpathy: Tesla Autopilot and Multi-Task Learning for Perception and Prediction](#)



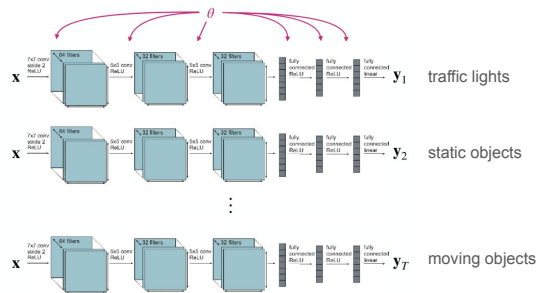
source: [Stanford - CS330](#)

# Μάθηση πολλαπλών εργασιών (Multi-task learning, MTL)

Single-task learning:  $\mathcal{D} = \{(\mathbf{x}, \mathbf{y})_k\}$   
[supervised]  
$$\min_{\theta} \mathcal{L}(\theta, \mathcal{D})$$



source: [Andrej Karpathy: Tesla Autopilot and Multi-Task Learning for Perception and Prediction](#)



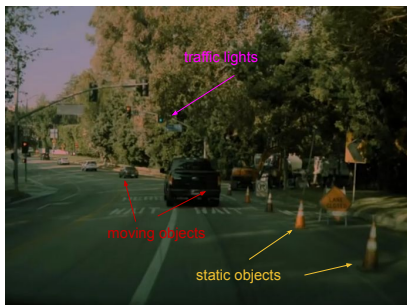
## Προβλήματα

- Αναξιοποίητες κοινές αναπαραστάσεις
- Ποσότητα δεδομένων (data inefficient)
- Υπερπροσαρμογή (overfitting)
- Αυξημένη πολυπλοκότητα
- Επαναφύρεση τροχού

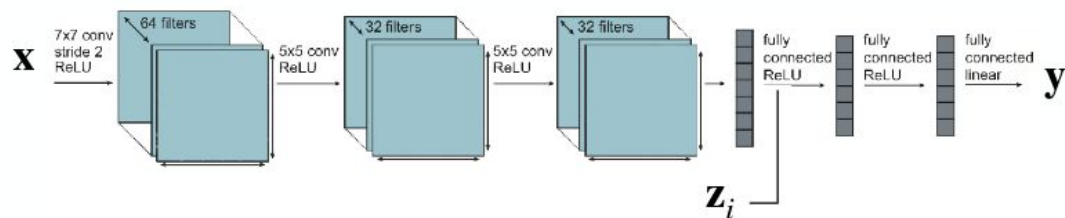
# Μάθηση πολλαπλών εργασιών (Multi-task learning, MTL)

Split  $\theta$  into shared parameters  $\theta^{sh}$  and task-specific parameters  $\theta^i$

Then, our objective is: 
$$\min_{\theta^{sh}, \theta^1, \dots, \theta^T} \sum_{i=1}^T \mathcal{L}_i(\{\theta^{sh}, \theta^i\}, \mathcal{D}_i)$$



source: [Andrej Karpathy: Tesla Autopilot and Multi-Task Learning for Perception and Prediction](#)



Let's assume  $\mathbf{z}_i$  is the one-hot task index.

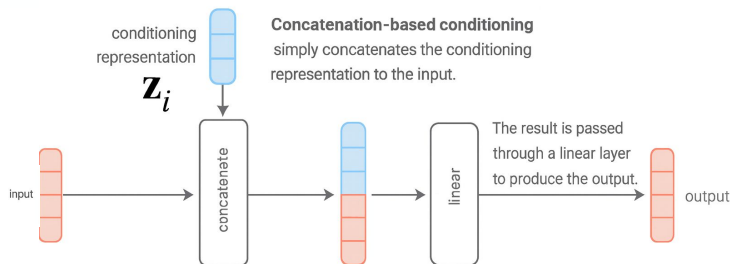
Concatenate  $\mathbf{z}_i$  with input and/or activations

source: [Stanford - CS330](#)

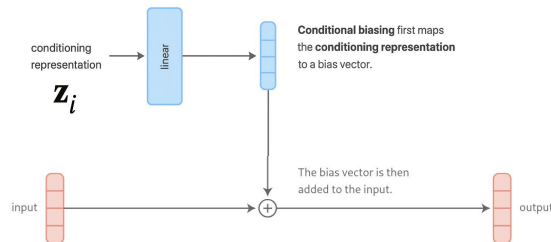
Ο τρόπος σχεδίασης του  $\mathbf{z}$  καθορίζει την MTL αρχιτεκτονική

# Αρχιτεκτονική - Διαμόρφωση εργασιών (conditioning)

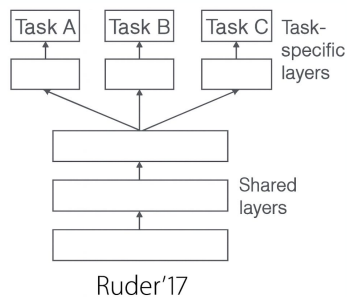
## 1. Concatenation-based conditioning



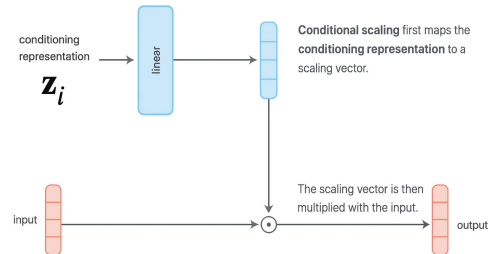
## 2. Additive conditioning



## 3. Multi-head architecture



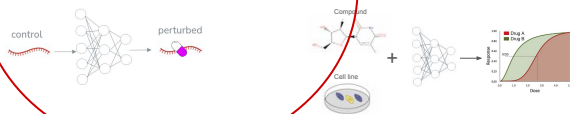
## 4. Multiplicative conditioning



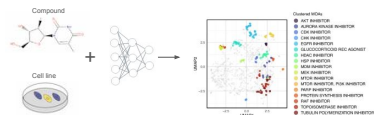
# Επιλογή εργασιών στην μοντελοποίηση διαταραχών για MTL

## A. Perturbation response prediction

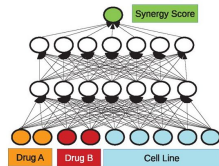
i. out-of-distribution (OOD) detection    ii. phenotype



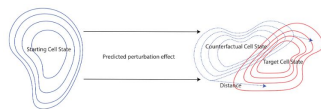
## B. Predicting the Mode of action (MOA)



## C. Perturbation interaction prediction



## D. Chemical property prediction

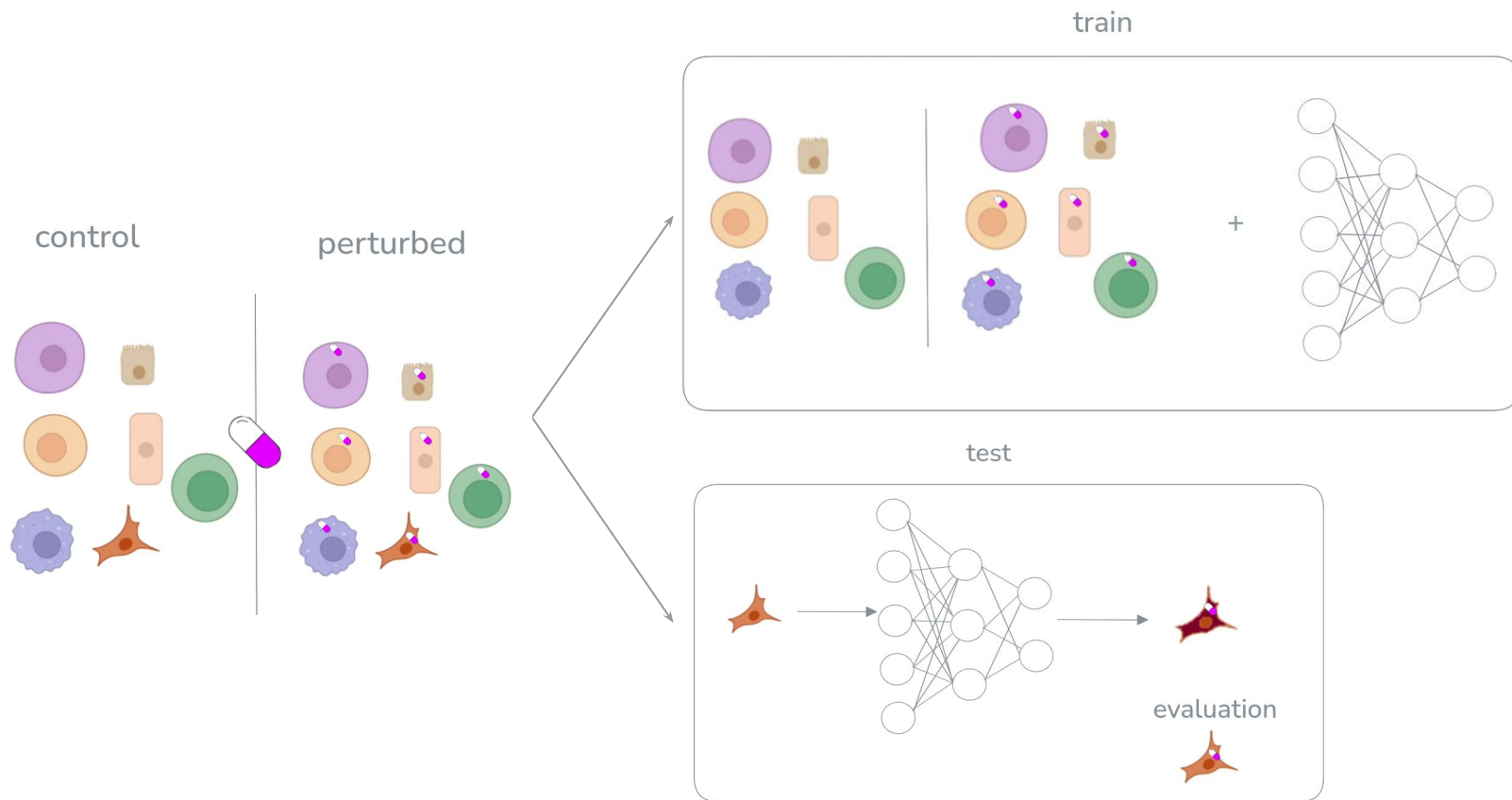


## Προκλήσεις

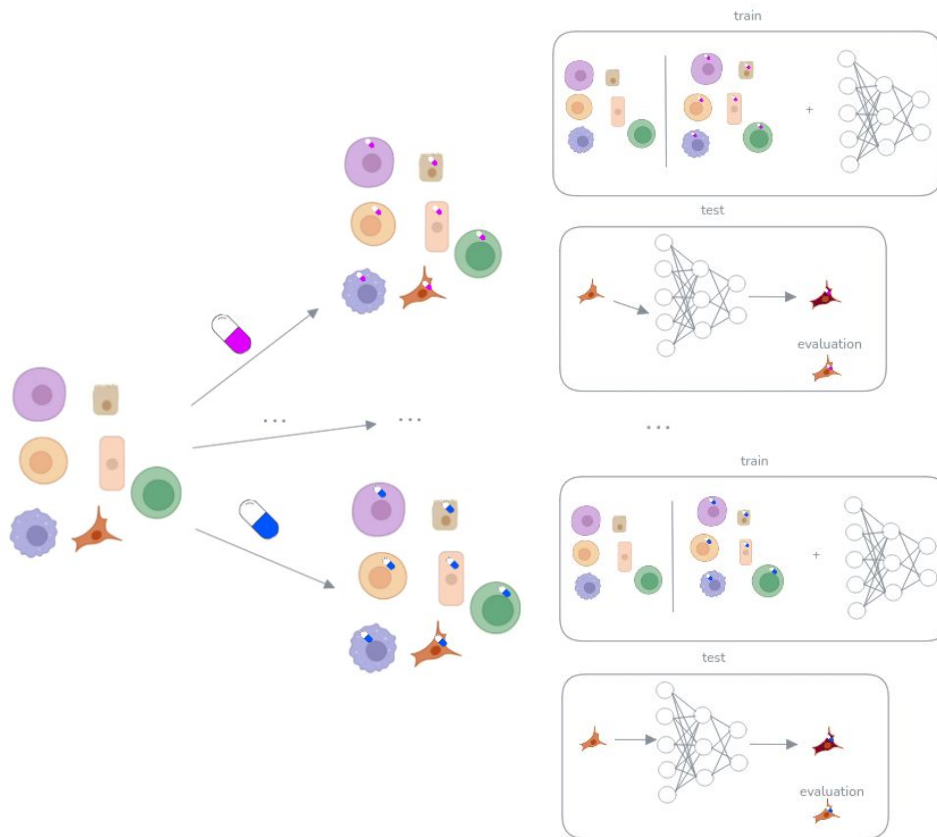
- Τύπος δεδομένων (Input space)
- Επίπεδο λεπτομέρειας (granularity)
- Συνδυασμός δεδομένων (dataset integration)
- Διάταξη εργασιών (sequential MTL)
- Αυξημένη πολυπλοκότητα

sources: Gavrilidis et al. 2024, Yu et al. 2025, Ji et al. 2021, Sinha et al. 2025, Preuer et al. 2018

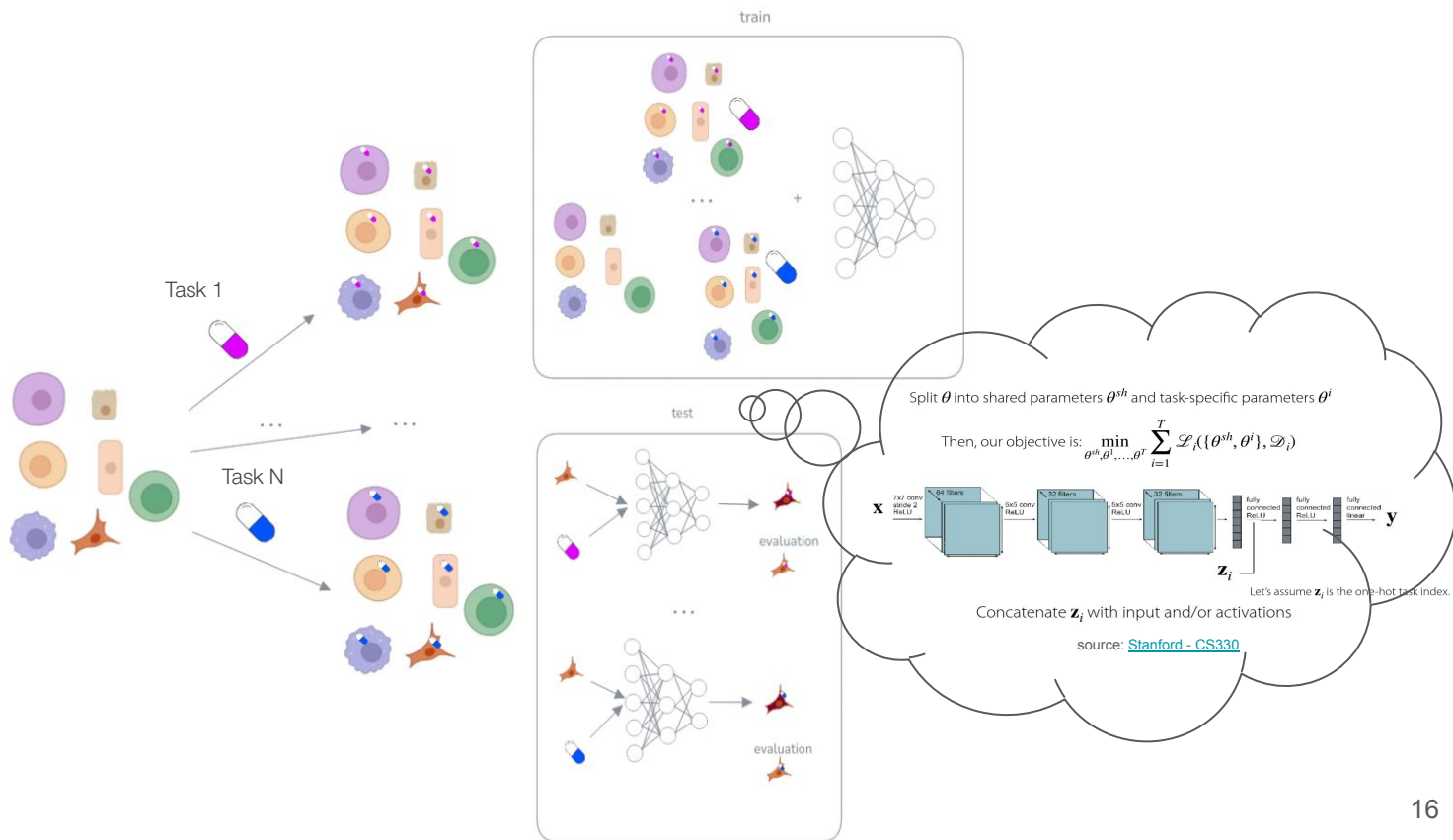
# Προτεινόμενη αρχιτεκτονική



# Προτεινόμενη αρχιτεκτονική

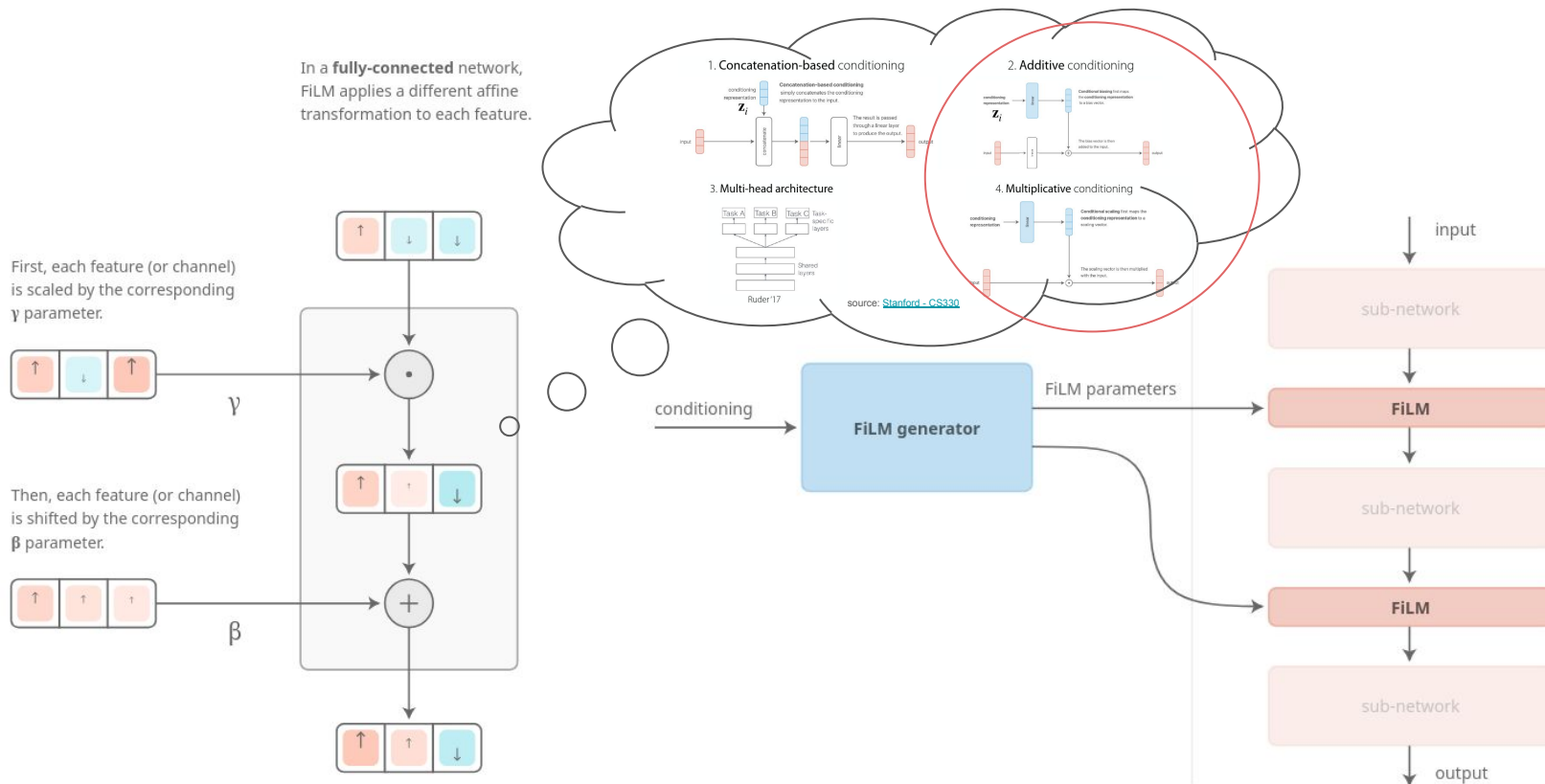


# Προτεινόμενη αρχιτεκτονική



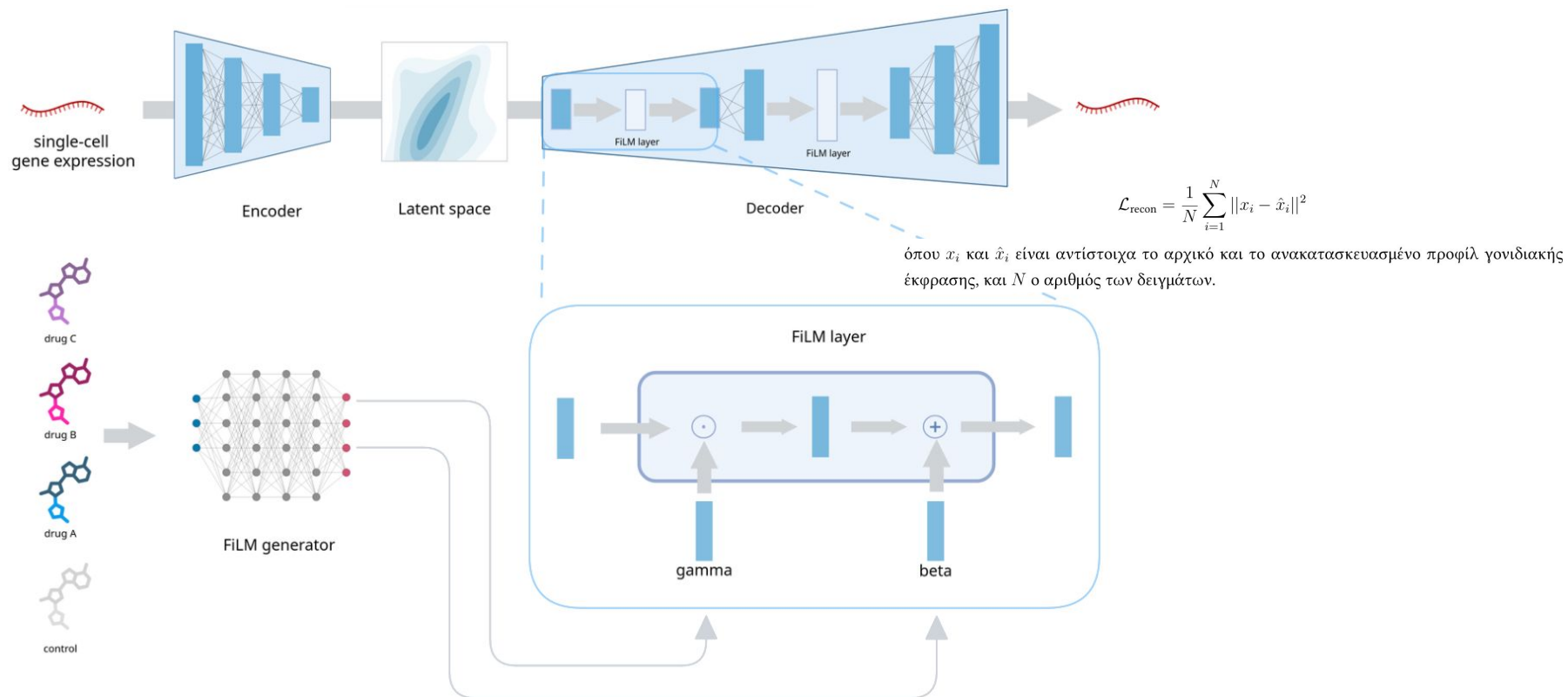


# Feature-wise Linear Modulation (FiLM)

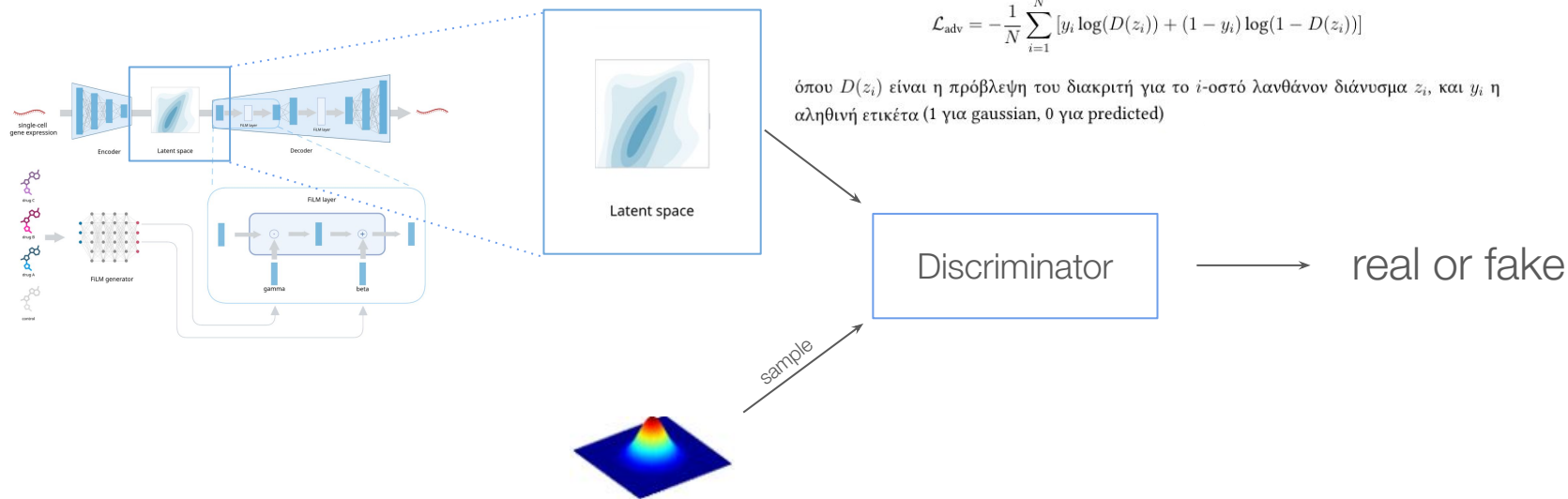


source: Dumoulin, et al., "Feature-wise transformations", Distill, 2018.

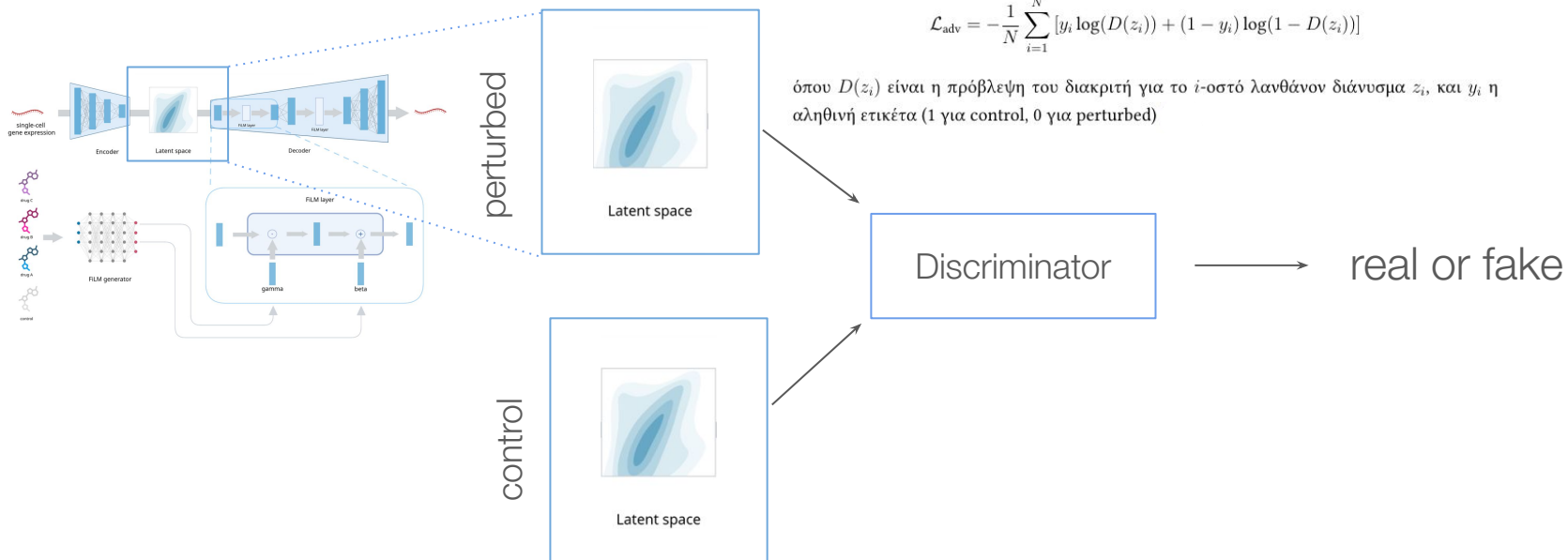
# Multi-task autoencoder (MTAe)



# Adversarial autoencoder - Gaussian (MTAeAdvG)



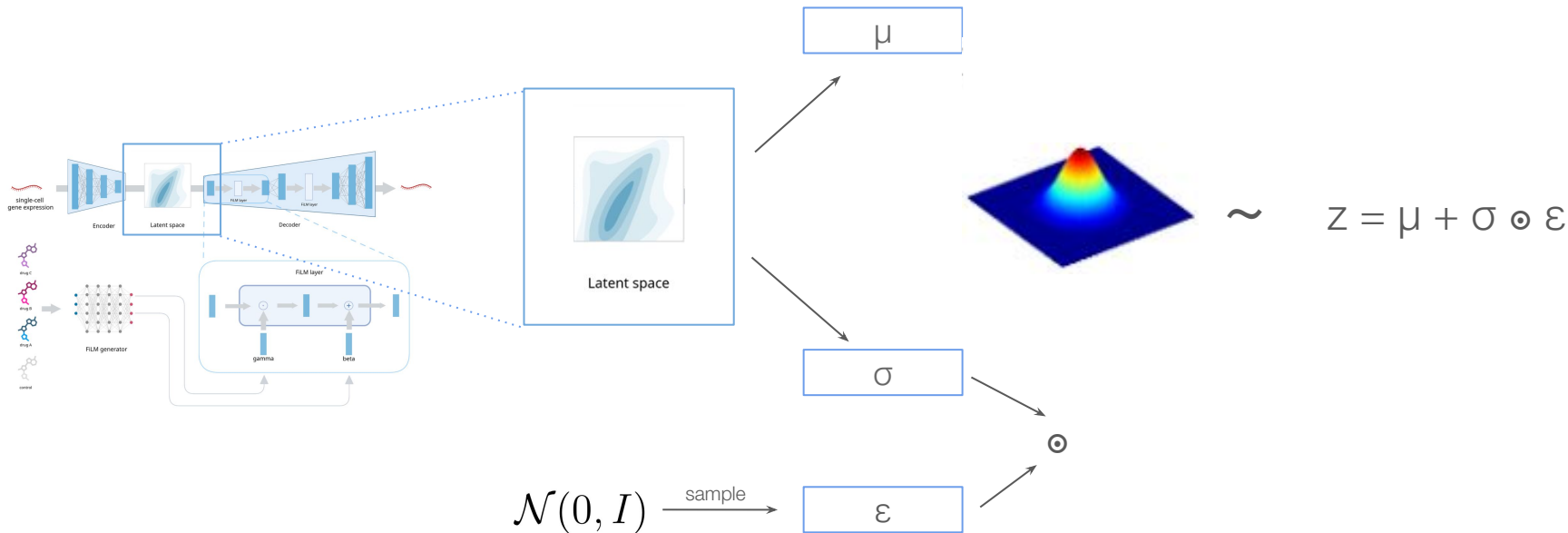
# Adversarial autoencoder - Ελεύθερη απο διαταραχές (MTAeAdv)



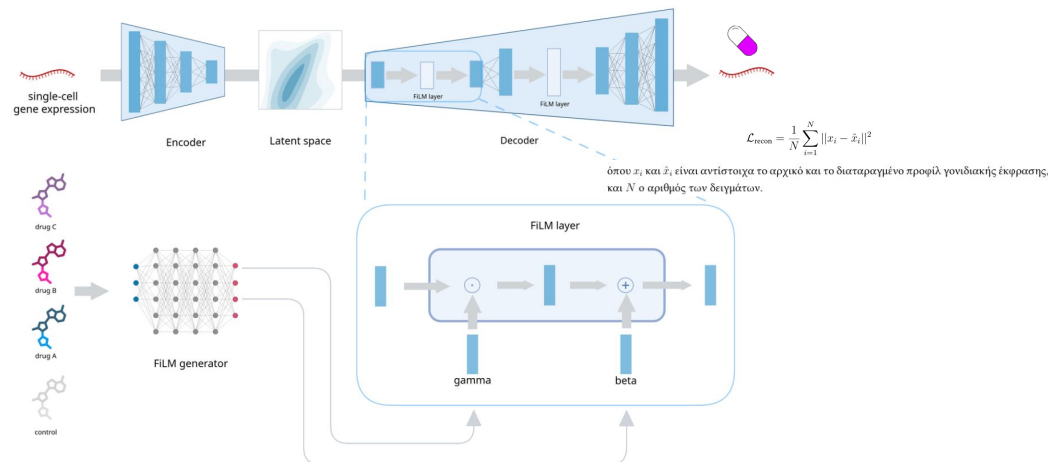
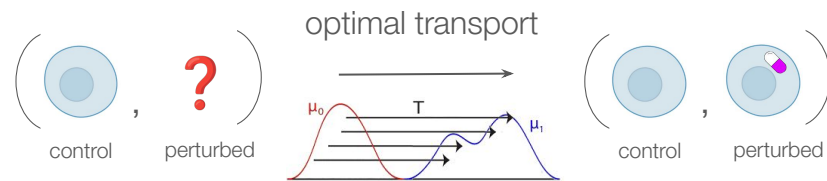
# Variational autoencoder (MTVAe)

$$\mathcal{L}_{\text{VAE}} = -\mathbb{E}_{q_\phi(z|x)}[\log p_\theta(x|z)] + D_{\text{KL}}(q_\phi(z|x) \parallel p(z))$$

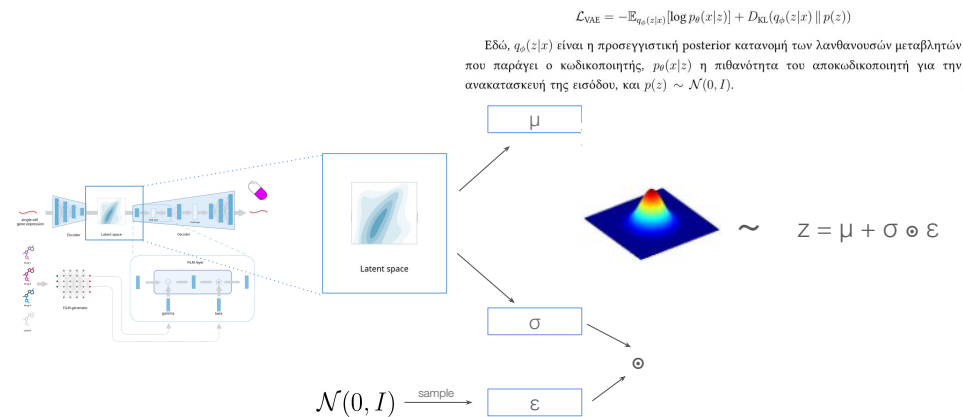
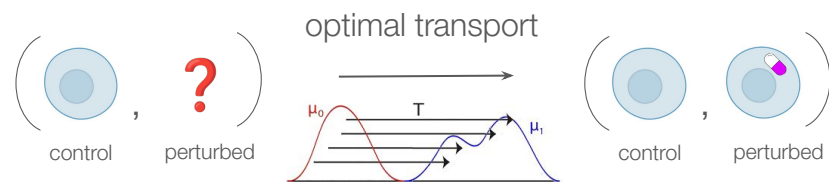
Εδώ,  $q_\phi(z|x)$  είναι η προσεγγιστική posterior κατανομή των λανθανουσών μεταβλητών που παράγει ο κωδικοποιητής,  $p_\theta(x|z)$  η πιθανότητα του αποκωδικοποιητή για την ανακατασκευή της εισόδου, και  $p(z) \sim \mathcal{N}(0, I)$ . Το μοντέλο αυτό ονομάζεται MTVAe, και



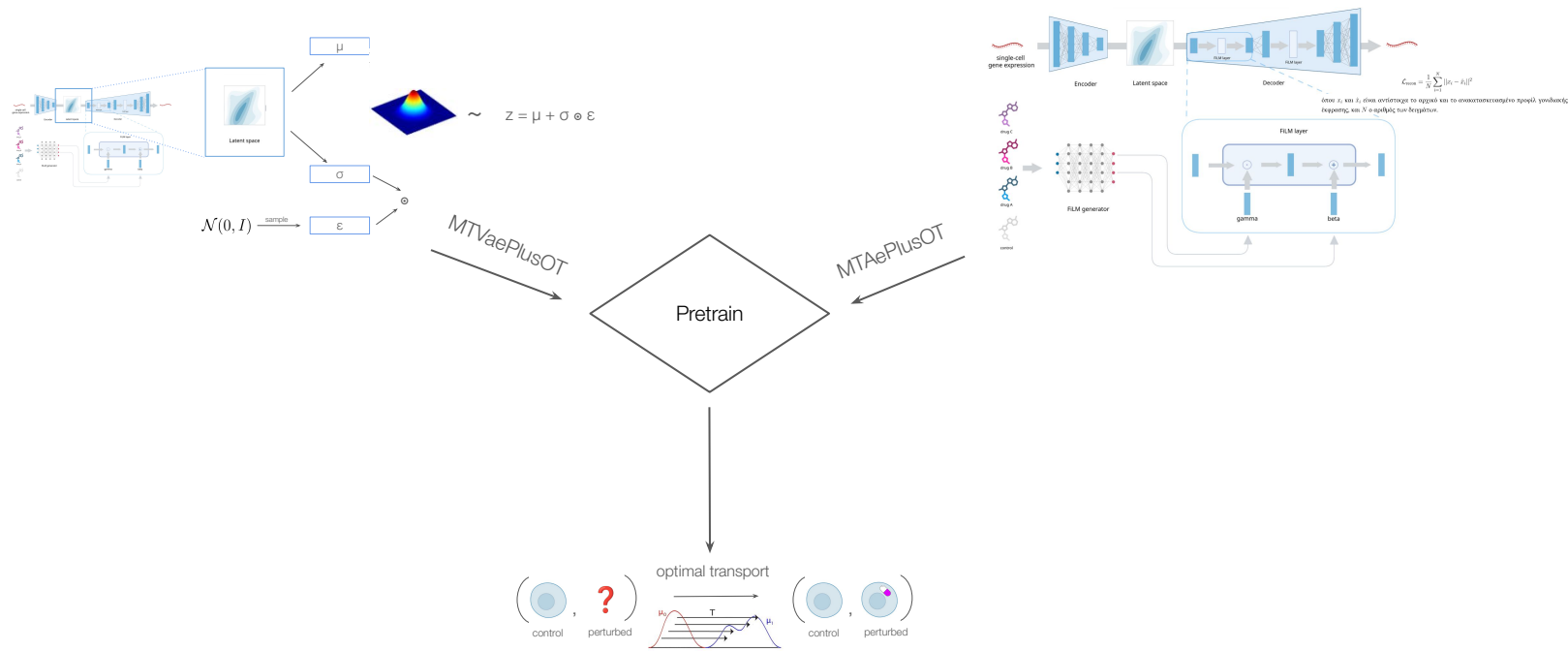
# Optimal transport (MTAeOT)



# Optimal transport (MTVaeOT)

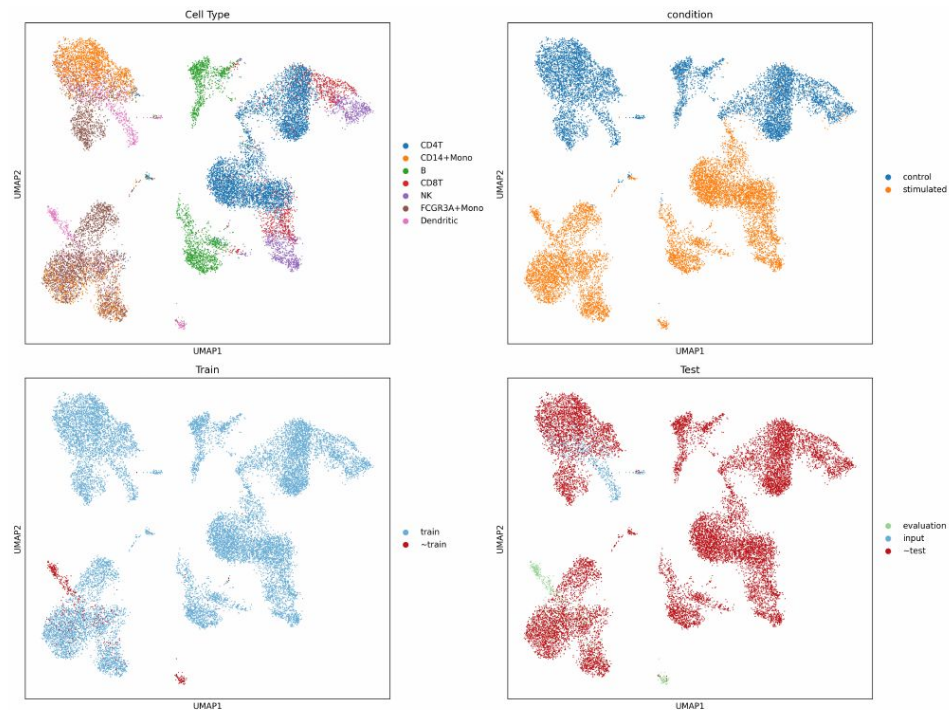


# Optimal transport (MTVaePlusOT, MTAEPlusOT)

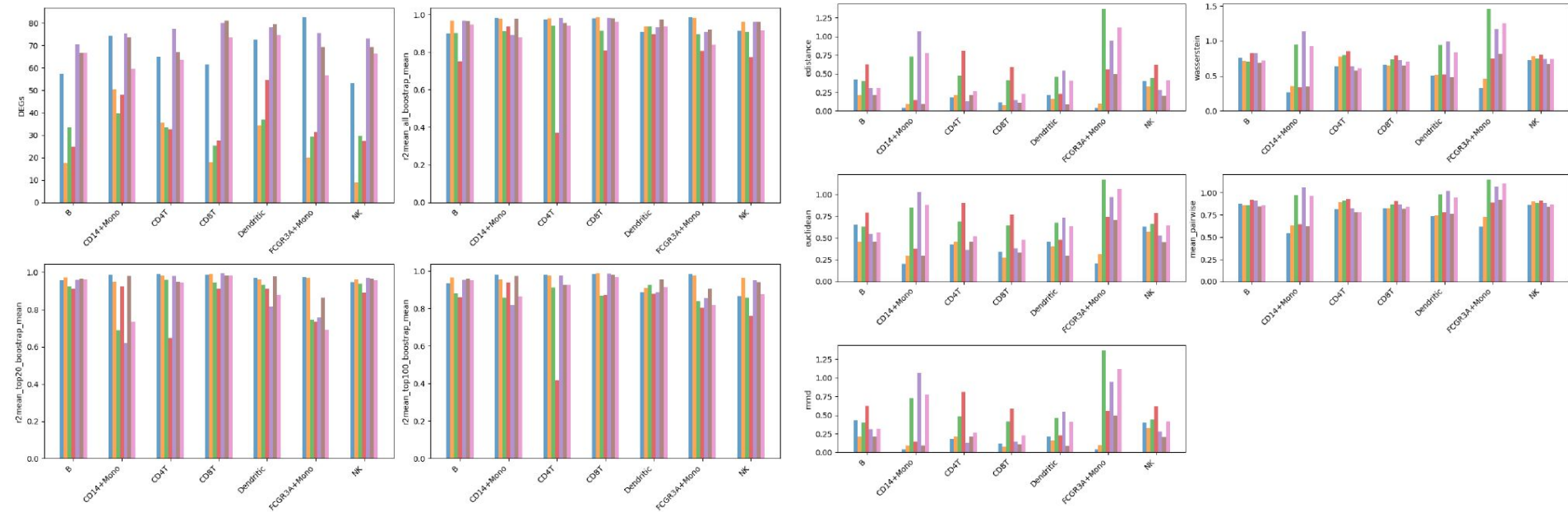




# Αποτελέσματα - Μονής διαταραχής



# Αποτελέσματα - Μονής διαταραχής



## Αποτελέσματα - Μονής διαταραχής

model	DEGs	$R^2_{\text{HVG}}$	$R^2_{\text{HVG20}}$	$R^2_{\text{HVG100}}$	Euc	Was	E-dist	MPD	MMD
MTAe	<b>75.714</b>	0.946	0.871	0.917	0.488	0.892	0.651	0.949	0.488
MTAeAdv	72.381	0.961	0.955	0.948	0.202	0.604	0.429	0.800	0.202
MTAeAdvG	65.905	0.917	0.878	0.901	0.504	0.828	0.681	0.909	0.504
MTAeOT	41.190	0.657	0.668	0.648	0.811	0.947	0.883	0.963	0.811
MTAePlusOT	37.190	0.670	0.674	0.657	0.810	0.951	0.880	0.966	0.810
MTVae	69.095	0.942	0.954	0.928	0.261	0.621	0.499	0.800	0.261
MTVaeOT	39.571	0.669	0.678	0.663	0.813	0.955	0.883	0.966	0.813
MTVaePlusOT	30.619	0.661	0.670	0.655	0.821	0.958	0.888	0.968	0.821
scButterfly	60.727	0.891	0.914	0.889	0.271	<b>0.601</b>	0.469	<b>0.779</b>	0.271
scGen	32.143	0.910	0.872	0.870	0.627	0.909	0.765	0.946	0.627
scPreGAN	35.750	0.771	0.857	0.799	0.499	0.690	0.682	0.851	0.499
vidrSingle	25.536	<b>0.970</b>	<b>0.971</b>	<b>0.961</b>	<b>0.182</b>	0.606	<b>0.408</b>	0.797	<b>0.182</b>

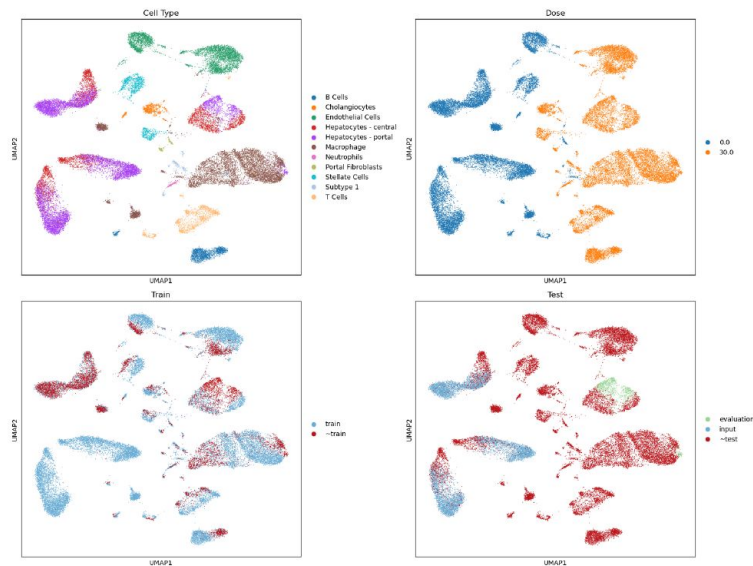
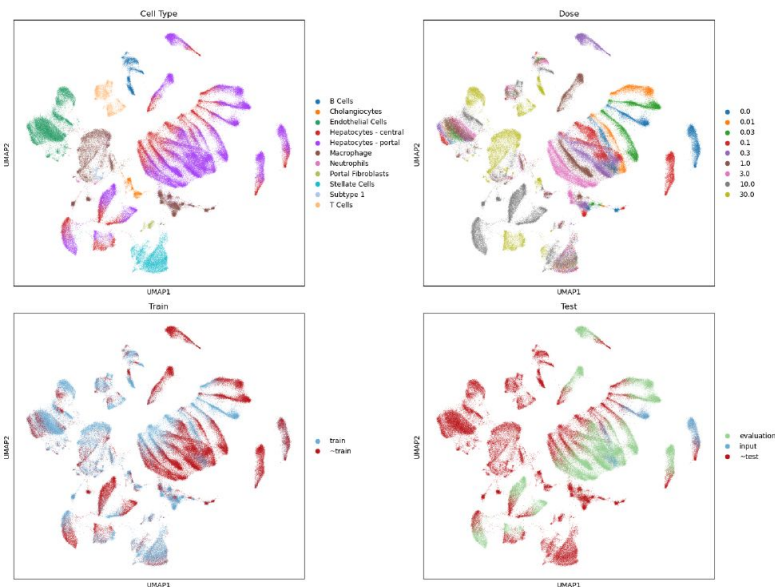
Πίνακας 1: Μέσοι όροι σε όλους τους τύπους κυττάρων (Kang et al. [16])

## Αποτελέσματα - Μονής διαταραχής

model	DEGs	$R^2_{\text{HVG}}$	$R^2_{\text{HVG20}}$	$R^2_{\text{HVG100}}$	Euc	Was	E-dist	MPD	MMD
MTAe	75.714	0.946	0.871	0.917	0.488	0.892	0.651	0.949	0.488
MTAeAdv	72.381	0.961	0.955	0.948	0.202	0.604	0.429	0.800	0.202
MTAeAdvG	65.905	0.917	0.878	0.901	0.504	0.828	0.681	0.909	0.504
MTAeOT	41.190	0.657	0.668	0.648	0.811	0.947	0.883	0.963	0.811
MTAePlusOT	37.190	0.670	0.674	0.657	0.810	0.951	0.880	0.966	0.810
MTVae	69.095	0.942	0.954	0.928	0.261	0.621	0.499	0.800	0.261
MTVaeOT	39.571	0.669	0.678	0.663	0.813	0.955	0.883	0.966	0.813
MTVaePlusOT	30.619	0.661	0.670	0.655	0.821	0.958	0.888	0.968	0.821
scButterfly	60.727	0.891	0.914	0.889	0.271	0.601	0.469	0.779	0.271
scGen	32.143	0.910	0.872	0.870	0.627	0.909	0.765	0.946	0.627
scPreGAN	35.750	0.771	0.857	0.799	0.499	0.690	0.682	0.851	0.499
vidrSingle	25.536	0.970	0.971	0.961	0.182	0.606	0.408	0.797	0.182

Πίνακας 1: Μέσοι όροι σε όλους τους τύπους κυττάρων (Kang et al. [16])

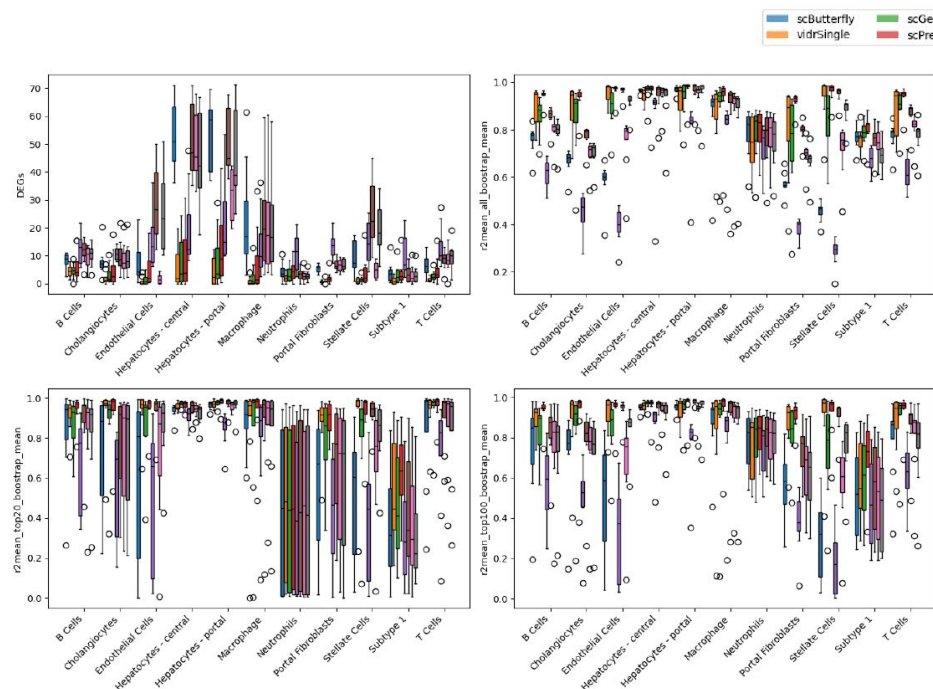
# Αποτελέσματα - Πολλαπλών διαταραχών



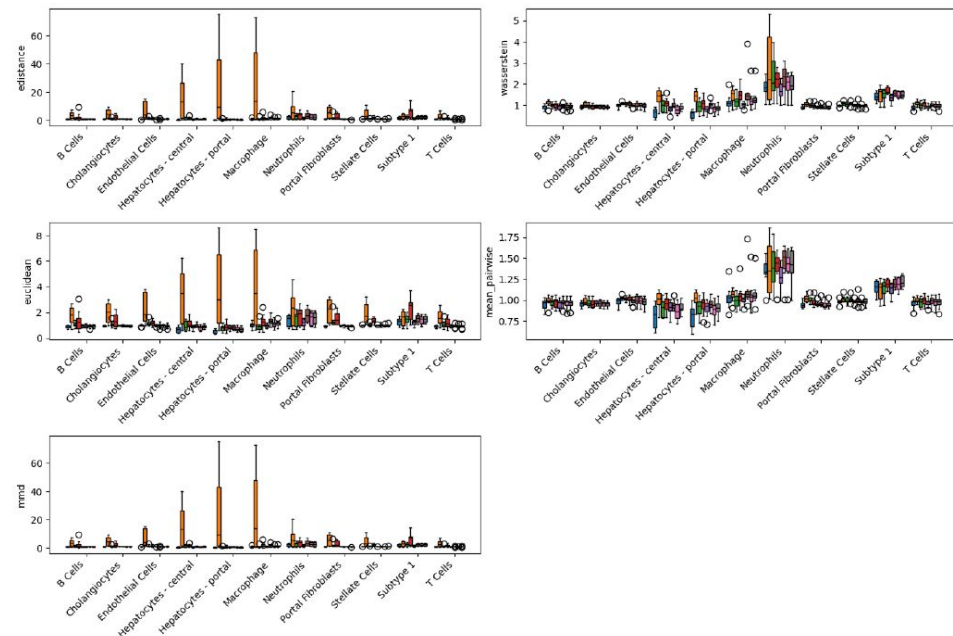
Σχήμα 17: Απεικόνιση UMAP του διαχωρισμού των δεδομένων για όλες τις δόσολογίες (Nault et al. [26,27])

Σχήμα 18: Απεικόνιση UMAP του διαχωρισμού των δεδομένων για τη δόσολογία  $30\mu\text{g/kg}$  (Nault et al. [26,27])

# Αποτελέσματα - Πολλαπλών διαταραχών



Σχήμα 13: Βασικές μετρικές ανά τύπο κυττάρου (Nault et al. [26,27])



Σχήμα 14: Μετρικές απόστασης ανά τύπο κυττάρου (Nault et al. [26,27])

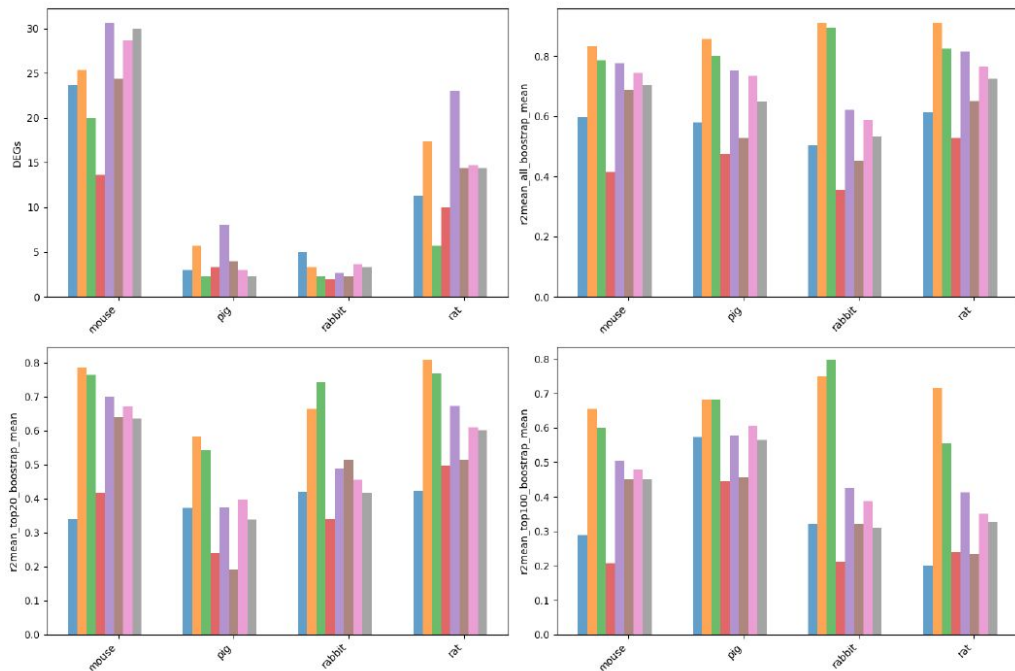


## Αποτελέσματα - Πολλαπλών διαταραχών

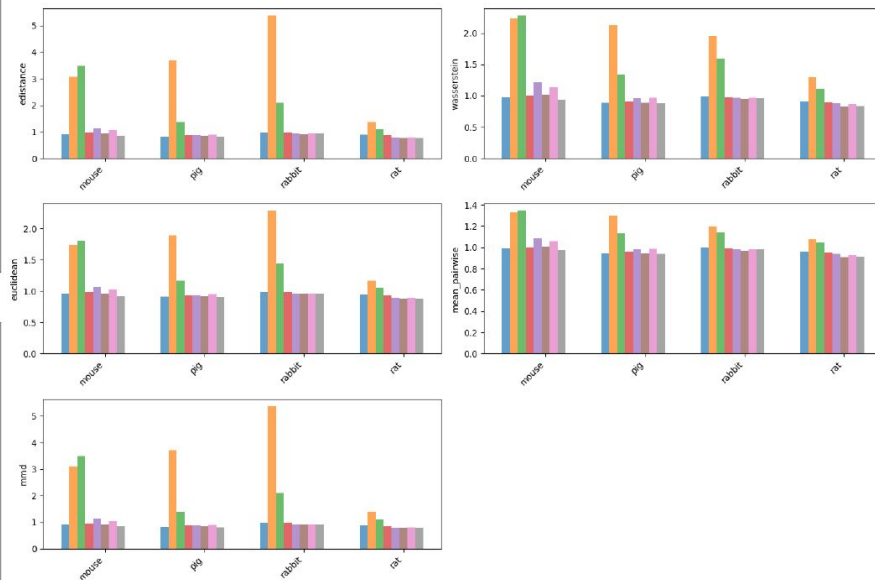
model	DEGs	$R^2_{\text{HVG}}$	$R^2_{\text{HVG20}}$	$R^2_{\text{HVG100}}$	Euc	Was	E-dist	MPD	MMD
MTAe	<b>20.341</b>	0.862	0.792	0.833	1.386	1.217	1.116	1.050	1.386
MTAeAdv	13.716	0.792	0.725	0.743	1.128	1.091	1.011	1.017	1.128
MTAeAdvG	18.307	0.808	0.736	0.764	1.164	1.107	1.030	1.029	1.164
MTAeOT	8.652	0.608	0.642	0.590	0.925	1.006	0.951	0.998	0.925
MTAePlusOT	8.519	0.613	0.644	0.596	<b>0.917</b>	<b>1.004</b>	0.948	0.996	0.917
MTVae	18.981	0.808	0.724	0.753	1.124	1.100	1.005	1.016	1.124
MTVaeOT	8.163	0.614	0.642	0.593	0.929	1.009	0.952	0.998	0.929
MTVaePlusOT	8.701	0.615	0.645	0.597	0.919	1.006	0.948	0.997	<b>0.919</b>
scButterfly	<b>16.818</b>	0.740	0.694	0.696	0.984	1.014	<b>0.944</b>	<b>0.990</b>	0.984
scGen	6.288	<b>0.915</b>	<b>0.863</b>	<b>0.897</b>	2.408	1.229	1.387	1.041	2.408
scPreGAN	14.511	0.599	0.596	0.562	0.972	1.019	0.969	1.000	0.972
vidrMult	2.352	0.870	0.837	0.852	9.295	1.358	2.425	1.054	9.295
vidrSingle	<b>3.795</b>	0.855	0.797	0.824	1.431	1.174	1.118	1.025	1.431

Πίνακας 2: Μέσοι όροι σε όλους τους τύπους κυττάρων Nault et al. [26, 27]

# Αποτελέσματα - Μεταξύ διαφορετικών ειδών



Σχήμα 19: Βασικές μετρικές ανά είδος (Hagai et al. [9])



Σχήμα 20: Μετρικές απόστασης ανά είδος (Hagai et al. [9])



## Αποτελέσματα - Μεταξύ διαφορετικών ειδών

model	DEGs	$R^2_{\text{HVG}}$	$R^2_{\text{HVG}20}$	$R^2_{\text{HVG}100}$	Euc	Was	E-dist	MPD	MMD
MTAe	<b>16.083</b>	0.740	0.559	0.481	0.930	1.008	0.962	0.995	0.930
MTAeAdv	11.250	0.579	0.465	0.365	0.865	0.919	0.929	0.957	0.865
MTAeAdvG	12.500	0.708	0.533	0.456	0.921	0.985	0.958	0.987	0.921
MTAeOT	7.500	0.483	0.432	0.304	0.899	0.932	0.948	0.966	0.899
MTAePlusOT	8.000	0.480	0.436	0.309	0.876	0.913	0.936	0.956	0.876
MTVae	12.500	0.652	0.498	0.413	<b>0.840</b>	<b>0.903</b>	<b>0.916</b>	<b>0.951</b>	<b>0.840</b>
MTVaeOT	7.417	0.479	0.423	0.302	0.895	0.929	0.946	0.964	0.895
MTVaePlusOT	7.833	0.473	0.431	0.301	0.883	0.919	0.940	0.959	0.883
scButterfly	<b>10.750</b>	0.574	0.389	0.346	0.899	0.942	0.948	0.971	0.899
scGen	7.583	0.826	0.705	0.658	2.014	1.576	1.367	1.165	2.014
scPreGAN	7.250	0.443	0.374	0.276	0.914	0.945	0.955	0.973	0.914
vidrSingle	<b>12.917</b>	<b>0.878</b>	<b>0.711</b>	<b>0.701</b>	3.386	1.905	1.769	1.225	3.386

Πίνακας 3: Μέσοι όροι σε όλους τους τύπους κυττάρων Hagel et al. [9]

## Συμπεράσματα

- Πλεονέκτημα κλιμάκωσης (scalability)
- Χαμηλή πολυπλοκότητα (space complexity)
- Καλύτερη απόδοση σε σύγκριση με μεθόδους αιχμής

## Κατεύθυνση μελλοντικής έρευνας

- Πρόβλεψη σε άγνωστες διαταραχές
- Εξερεύνηση της συμβολής της κάθε εργασίας στη συνολική απόδοση
- Προοπτική για θεωρητικό υπόβαθρο επίλυσης διάφορων εργασιών στην μοντελοποίηση διαταραχών

“Biology is 90% experimental και 10% computational”

source: Steve Quake, 2025, 03:40 <https://erictopol.substack.com/p/the-holy-grail-of-biology>