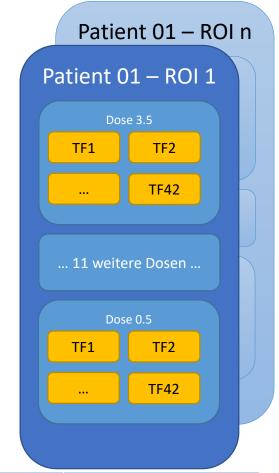
Ausgangslage





... 16 weitere Patienten ...
... 16 weitere Patienten ...



Dosenanzahl	Patientenanzahl
11	9
12	6
13	2
14	2
1	19 insgesamt

Alle Patienten haben die Dosen 3,0MBq - 0,5MBq in 0,25MBq Schritten:

11 versch. Dosen * 19 Patienten

Die Patienten mit 12,13,14 versch. Dosen haben zusätzlich entsprechend dann noch die Dosen 3,5MBq, 4,0MBq und 4,5MBq (werden ignoriert)

 $n \neq o \neq p \neq n$, aber n,o,p >=1

Slicethickness = 2,0313 – Pixelspacing = 2,8034 (gleich wie bei NemaPhantom)

One Voxelvolume = 0,01596cm³

ROI-Gruppen nach Größe

Name	Größenbereich [Voxelanzahl]	Patient.Maskennr (Patient.ROIs)	Anzahl
klein (Gruppe 1)	148 - 199 (Δ 51)	P3.5; P4.5; P6.5; P7.5; P11.6; P12.8; P14.5; P18.9; P19.7	9
mittel (Gruppe 2)	328 – 429 (Δ 101)	P7.7; P10.5; P12.6; P16.5; P19.6	5
groß (Gruppe 3)	532 – 641 (Δ 109)	P5.5; P18.5; P19.5	3
rießig (Gruppe 4)	852 – 2190 (Δ 1338)	P11.7; P12.5; P18.8	3

Weitere Datensatzinfo:

Alle Patienten haben die Masken 1-4

Maske 1 ist die VergleichsROI in der Leber

Maske 2 auch in der Leber (ist noch zu klären, scheint aber auch einfach eine kleine VergleichsROI zu sein)

Maske 3 und 4 sind Schichtmasken (zweidimensional und sehr klein – sind nicht wichtig) Ab Maske 5 – X wird krankhaftes Gewebe segmentiert

Zuordnung

Name vereinfacht	Name in Studie
P1	01
P2	03
Р3	06
P4	09
P5	10
P6	13
P7	14
P8	17
P9	18
P10	19
P11	20
P12	21
P13	22
P14	24
P15	25
P16	26
P17	27
P18	28
P19	29