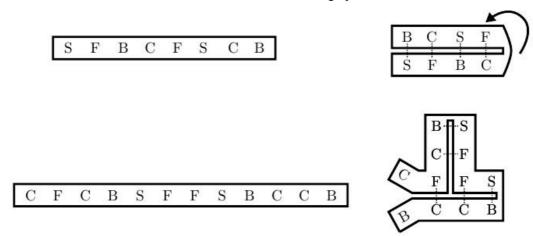
A. Ácido Ribonucléico Alienígena

Time limit: 2.492s Memory limit: 1536 MB

Foi descoberta uma espécie alienígena de ácido ribonucleico (popularmente conhecido como RNA). Os cientistas, por falta de ciratividade, batizaram a descoberta de *ácido ribonucleico alienígena* (RNAA). Similar ao RNA que conhecemos, o RNAA é uma fita composta de várias bases. As bases são B C F S e poem ligar-se em pares. Os únicos pares possíveis são entre as cases B e S e as bases C e F.

Enquanto está ativo, o RNAA dobra vários intervalos da fita sobre si mesma, realizando ligações entre suas bases. Os cientistas perceberam que

- quando um intervalo da fita de RNAA se dobra, todas as bases neste intervalo se ligam com suas bases correspondentes:
- cada base pode se ligar a apenas uma outra base:
- as dobras ocorrem de forma a maximizar o númeri de ligações feitas sobre fitas



Sua tarefa será, dada a desciração de uma tira de RNAA, determinar quantas ligações serão realizadas entre suas bases se a tira ficar ativa.

Entrada

A entrada é composta por diversos casos de teste. Cada caso de teste possui uma linha descrevendo a sequência de bases da fita de RNAA.

Saída

Para cada instância imprima uma linha contendo o número toral de ligações que ocorre quando a fita descrita é ativada

Restrições

- Uma fita de RNAA na entrada contém pelo menos 1 e nomáximo 300 bases.
- Não existem espaços entre cases de uma fita da entrada
- As bases são 'B', 'C', 'F' e 'S'.

Exemplos

Entrada:	
SBC FCC SFBC SFBC SFBCFSCB CFCBSFFSBCCB	
Saída:	
1 1 0 4 5	

Primeira fase da Maratona de Programação - 2011