* ITG 🡪 Biomedische tak (Genomics, Proteomics, Metagenomics)
* Metagenomics voor diagnoses
* Voornamelijk bacterieel (Salmonella(bloodstream))
* SMARDx (SBO project)
  + Meta\*omics voor diagnose op bloed
  + Transcriptomics
    - Minder stabiel dan DNA
    - M-RNA
    - Kan wel vlot bevroren worden (goed voor bloed, bvb niet voor omgeving/stoelgang)
    - Bacterieel RNA in pool van human RNA
      * kan gemakkelijk onderscheiden worden bvb poly-A staart
    - Minder polutie door omgeving
    - Higher resolution afhankelijk van referentie databank
    - Weinig info over resistentie
      * Je detecteert enkel genen die ‘aan staan’, ABR genen gaan niet aanstaan zonder pressure
      * Patronen zoeken die gelinkt zijn aan resistentiefenotype
  + 16S rRNA
    - geconserveerde stukken als primer voor PCR (universeel, maar ook species-gebonden)
    - alle bacterien hebben het, maar kan verschillen
    - niet bruikbaar voor unipept
    - ABR (antibioticaresistentie?)
* Benchmark
  + Reads van genomen
  + Real life data
  + Simulatieexperiment (zie paper Roach et al.)
  + Nu ook met transcriptomics data dus
  + 2 fastq files 🡪 paired end reads