

Tidjani
FOUSSENI S CISSE



07 69 68 48 61



Tidjanicisse48@gmail.com



Permis B

94 Rue Gabriel Péri 42100, St-Etienne

COMPÉTENCES

INFORMATIQUE

- **Programmation** : python, R, Bash, C#
- **Contrôle de version** : Github, Gitlab
- **Bases de données** : MySQL, XPath/XQuery (XML), SPARQL (RDF)
- **Web** : CSS, HTML, javascript
- **Edition** : Latex

BIO-INFORMATIQUE

- **Traitement des données** : RNASeq illumina, DNASeq Nanopore, ScRNAseq, ChipSeq, HiSeq, Protéomique quantitative ciblée par LC-MS/MS, Blast
- **Modélisation moléculaire** : Modélisation moléculaire, analyse structurale, bioinformatique, utilisation d'outils de persistance topologique.

BIOLOGIE - AGRONOMIE

- Sds - page, PCR
- Extraction, amplification et séquençage des acides nucléiques
- Conseils en protection des espèces en voie de disparition.
- Immunologie ELISA

LINGUISTIQUE

- Anglais niveau B1
- Français langue maternelle

CENTRES D'INTERET

- Football et encadrement de jeunes
- Aides dans les associations humanitaires

FORMATIONS

- **MASTER BIOINFORMATIQUE**
 - 2023 – 2025 | UCB Lyon 1
- **LICENCE BIOINFORMATIQUE**
 - 2022 – 2023 | Université de Nice
- **LICENCE SCIENCE DE LA VIE**
 - 2019 - 2022 | Université d'Orléans
- **LICENCE SCIENCES AGRONOMIQUES**
 - 2012 – 2015 | UP (Bénin)

EXPÉRIENCES PROFESSIONNELLES

Stage volontaire : Expression du rétrovirus endogène des ruminants (RER)

Janvier – Juillet 2025 | INRAE LBBE, (UCB Lyon 1), France

Stage M1 : analyse des données génomiques et transcriptomiques

- Avril – Juin 2024 | LBBE (UCB Lyon 1), France

Traitement et l'analyse avancée de données génomiques et transcriptomiques (RNASeq/Illumina et DNASeq/Nanopore), Etude des éléments transposables chez le virus (IIV6) via des techniques de bioinformatique, Visualisation des données génomiques avec IGV.

Projet 4 : Développement d'un dashbord et poster de visualisation des données.

Novembre 2024 | UCB Lyon, France

Projet 3 : Développement d'un pipeline d'identification de biomarqueurs protéomiques chez des espèces de poissons sauvages.

Septembre – Décembre 2024 | INRAE Lyon, France

Développement de pipeline automatisé pour identifier des protéines homologues avec BLAST, Construction des arbre phylogénétiques, Développement d'une application R shiny pour automatiser des analyses.

Projet 2 : Identification des proteines BCL2 par homologie persistance

- Janvier – Mars 2023 | LBBE (UCB Lyon 1), France

Application de techniques de modélisation 3D (AlphaFold2) et d'analyse topologique (Gudhi) ; Etude de la structure et la fonction des protéines

Projet 1 : Conception et creation d'une base de données pour un herbier virtuel

- Septembre - Décembre 2023

Conception et le développement d'une base de données