

# Министерство образования и науки Российской Федерации Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Московский государственный технический университет имени Н.Э. Баумана (национальный исследовательский университет)» (МГТУ им. Н.Э. Баумана)

# Методы машинного обучения

# Отчёт по лабораторной работе № 1

«Разведочный анализ данных. Исследование и визуализация данных.»

Выполнил: студент группы ИУ5 – 23M	Крутов Т.Ю.
Преподаватель:	Гапанюк Ю.Е.

```
import numpy as np
import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib as mpl
import matplotlib.pyplot as plt
%matplotlib inline
sns.set(style="ticks")

dataset = pd.read_csv('wine.csv', sep = ",")
```

dataset.head()

₽		Wine	Alcohol	Malic.acid	Ash	Acl	Mg	Phenols	Flavanoids	Nonflavanoid.phenc
	0	1	14.23	1.71	2.43	15.6	127	2.80	3.06	0.
	1	1	13.20	1.78	2.14	11.2	100	2.65	2.76	0.
	2	1	13.16	2.36	2.67	18.6	101	2.80	3.24	0.
	3	1	14.37	1.95	2.50	16.8	113	3.85	3.49	0.
	4	1	13.24	2.59	2.87	21.0	118	2.80	2.69	0.

dataset.shape

dataset.dtypes

```
    Wine

                              int64
    Alcohol
                            float64
    Malic.acid
                            float64
    Ash
                            float64
    Acl
                            float64
                              int64
    Mg
    Phenols
                            float64
                            float64
    Flavanoids
    Nonflavanoid.phenols
                            float64
    Proanth
                            float64
    Color.int
                            float64
    Hue
                            float64
    OD
                            float64
                              int64
    Proline
    dtype: object
```

```
for col in dataset.columns:
   temp_null_count = dataset[dataset[col].isnull()].shape[0]
   print('{} - {}'.format(col, temp_null_count))
```

C→

```
Wine - 0
Alcohol - 0
Malic.acid - 0
Ash - 0
Acl - 0
Mg - 0
Phenols - 0
Flavanoids - 0
Nonflavanoid.phenols - 0
Proanth - 0
Color.int - 0
Hue - 0
OD - 0
Proline - 0
```

### dataset.describe()

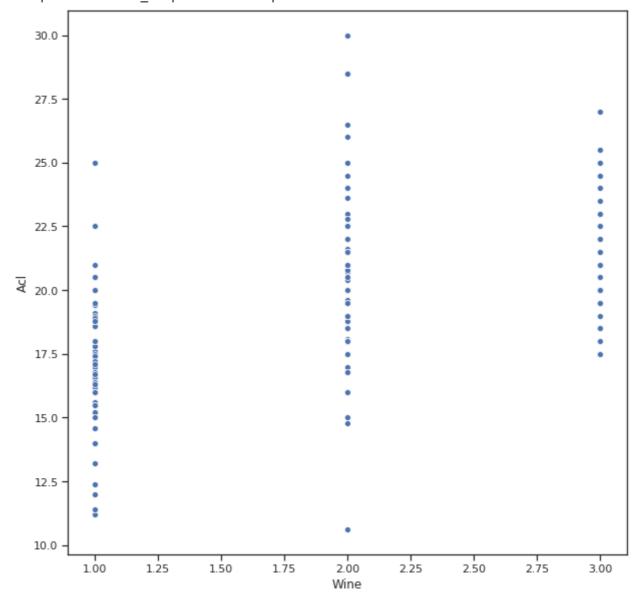
₽		Wine	Alcohol	Malic.acid	Ash	Acl	Mg	Pheno
	count	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.000000	178.0000
	mean	1.938202	13.000618	2.336348	2.366517	19.494944	99.741573	2.2951
	std	0.775035	0.811827	1.117146	0.274344	3.339564	14.282484	0.6258
	min	1.000000	11.030000	0.740000	1.360000	10.600000	70.000000	0.9800
	25%	1.000000	12.362500	1.602500	2.210000	17.200000	88.000000	1.7425
	50%	2.000000	13.050000	1.865000	2.360000	19.500000	98.000000	2.3550
	75%	3.000000	13.677500	3.082500	2.557500	21.500000	107.000000	2.8000
	max	3.000000	14.830000	5.800000	3.230000	30.000000	162.000000	3.8800

dataset['Acl'].unique()

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,10))
sns.scatterplot(ax=ax, x='Wine', y='Acl', data=dataset)
#не работает
```

C→

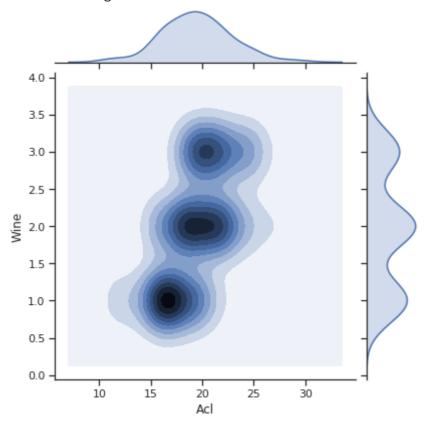
<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f2dde51b2b0>



sns.jointplot(x = 'Acl', y = 'Wine', data= dataset, kind = 'kde')

₽

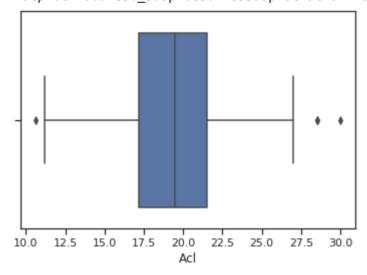
<seaborn.axisgrid.JointGrid at 0x7f60222ec320>



sns.jointplot(x = )

sns.boxplot(x=dataset['Acl'])

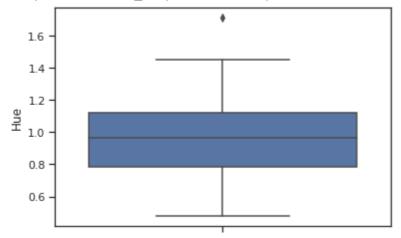
cmatplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f601ee44c50>



sns.boxplot(y=dataset['Hue'])

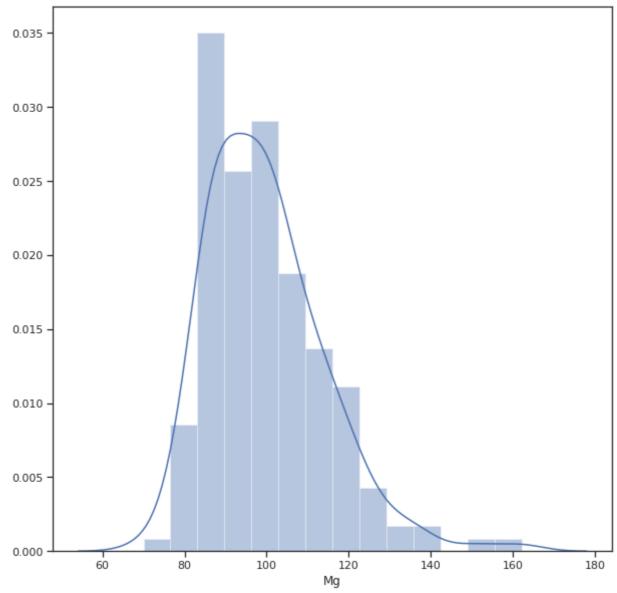
С⇒

<matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f601db71ef0>



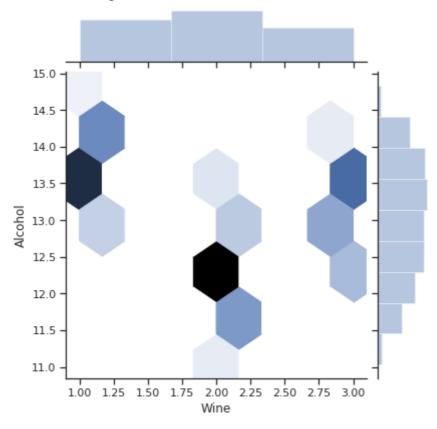
fig, ax = plt.subplots(figsize=(10,10))
sns.distplot(dataset['Mg'])

### <matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f2dda716320>



sns.jointplot(x='Wine', y='Alcohol', data=dataset, kind="hex")

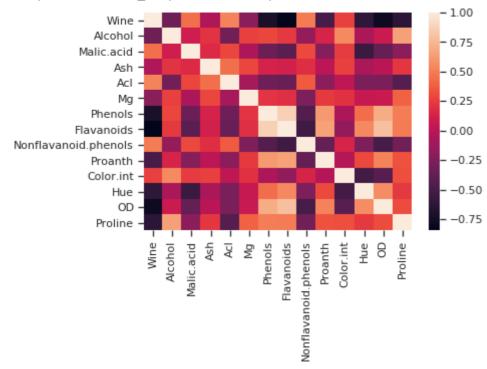
<seaborn.axisgrid.JointGrid at 0x7f2dda749748>



dataset.corr()

₽		Wine	Alcohol	Malic.acid	Ash	Acl	Mg
	Wine	1.000000	-0.328222	0.437776	-0.049643	0.517859	-0.209179
	Alcohol	-0.328222	1.000000	0.094397	0.211545	-0.310235	0.270798
	Malic.acid	0.437776	0.094397	1.000000	0.164045	0.288500	-0.054575
	Ash	-0.049643	0.211545	0.164045	1.000000	0.443367	0.286587
	Acl	0.517859	-0.310235	0.288500	0.443367	1.000000	-0.083333
	Mg	-0.209179	0.270798	-0.054575	0.286587	-0.083333	1.000000
	Phenols	-0.719163	0.289101	-0.335167	0.128980	-0.321113	0.214401
	Flavanoids	-0.847498	0.236815	-0.411007	0.115077	-0.351370	0.195784
	Nonflavanoid.phenols	0.489109	-0.155929	0.292977	0.186230	0.361922	-0.256294
	Proanth	-0.499130	0.136698	-0.220746	0.009652	-0.197327	0.236441
	Color.int	0.265668	0.546364	0.248985	0.258887	0.018732	0.199950
	Hue	-0.617369	-0.071747	-0.561296	-0.074667	-0.273955	0.055398
	OD	-0.788230	0.072343	-0.368710	0.003911	-0.276769	0.066004
	Proline	-0.633717	0.643720	-0.192011	0.223626	-0.440597	0.393351

### C <matplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f601e758b38>



sns.heatmap(dataset.corr(), annot=True, fmt='.1f')

## cmatplotlib.axes.\_subplots.AxesSubplot at 0x7f2dd8e5b978>

