Студент: Тимур Хабибуллин

Группа: 1

Дата: 5 мая 2022 г.

1. Задача про n коров в m стоилах

Считаем координаты стоил в массив и за $O(m \log(m))$ отсортируем его в порядке позрастания:

A:
$$x_1 < x_2 < ... < x_m$$

После это воспользуемся бинарным поиском по ответам: определим функцию (тест), которая будет по данному δx проверять, можно ли расставить коров по стойлам с минимальным расстоянием $\Delta_{min} \geqslant \delta x$. Для этого мы сразу проверяем, что количество стоил не меньше чем коров и если все хорошо, то заведем переменные

$$last_{cow} = x_1$$
, координата последней коровы

$$cows = n - 1$$
, сколько осталось коров

Первую корову мы сразу кладем в самое левое стойло, потому что тем самым мы оставляем справа от него наибольшее количество пустых стоил, в которые можно расставить остальных коров. После этого пока мы не дошли до конца массива или не пересчитали всех коров, проходимся по всем точкам x_i и на каждом шаге считаем расстояние $\operatorname{cur} = x_i - \operatorname{last_cow}$ и если $\operatorname{cur} \geqslant \delta x$, то помещаем в это стойло корову:

$${\tt last_cow} = x_i$$

$$cows -= 1$$

и двигаемся дальше. Т.е. мы ставим следующую корову в ближайшую позицию, удаленную от предыдущей не менее, чем на δx . В конце проверяем, смогли ли мы посадить всех коров и если да, то возращаем True. Этот тест работает за O(m), поскольку мы просто проходимся по массиву. С помощью этого теста и бин поиска ищем самое правое значение $\delta x \in [0, x_m - x_1 + 1]$, при котором тест еще дает True и возвращаем это δx . На бин поиск по ответам тратим $O(m \log(x_m - x_1)) = O(m \log(x_{max}))$ времени.

Вся программа работает за $T = O(m[\log(m) + \log(x_{max})])$

2. Задача про всевозможные суммы элементов двух массивов

- (a) Считаем оба массива и заведем новый массив размера n^2 , в который мы запишем всевозможные суммы $a_i + b_j$, i, j = 1...n. После этого отсортируем его за $O(n^2 \log(n^2) = O(n^2 \log(n))$ и выведем. При решении нам потребовалось $O(n^2)$ памяти.
- (b) Сначала сортируем оба массива по возрастанию за $O(n \log(n))$ времени, это не повлияет на итоговую асимптотику:

$$a: a_1 \leqslant a_2 \dots \leqslant a_n$$

$$b: b_1 \leqslant b_2 \dots \leqslant b_n$$

Создадим два массива - массив индексов inds[i] = 1, i = 1...n (здесь мы будем хранить индекс i сумм $a_i + b_j$), и массив sums, куда мы будем класть сами суммы $a_i + b_j$ по следующему правилу. В начале мы заполняем sums следующим образом:

$$sums[j] = a_1 + b_j, j = 1...n$$

После этого проходимся по этому массиву и за O(n) находим минимум и выводим его. Пусть он достигается в некотором $\operatorname{sums}[j]$. Тогда в этой ячейке массива после вывода минимума записываем a_2+b_j и в массиве индексов в j позиции увеличиваем значение на один:

$$inds[j] += 1$$

$$sums[j] = a_2 + b_i$$

Что здесь произошло? Если представить матрицу M_{ij} размера n*n, в которую мы вписываем суммы $a_i + b_j$, то изначально в sums мы вписали ее первую строку M_{1j} , j = 1...n. Так как

$$a_i + b_j \le a_{i+1} + b_j \le a_{i+2} + b_j \le \dots$$

(мы отсортировали массивы a b), то $a_2 + b_j$ есть значение, которое может быть выведено после $a_1 + b_j$. Мы не можем записать в $\operatorname{sums}[j]$ никакое другое значение из других столбиков M_{kl} , потому что в sums уже есть значения из l—го столбца, которые не больше и их надо вывести раньше.

После этого мы продолжаем находить минимумы, их извлекать и менять значения в inds, sums, пока не переберем все значения $a_i + b_j$, которых n^2 . В итоге получается асимптотика $O(n^3)$ и используемая память O(n).

- (c) Для того, чтобы получить асимптотику $O(n^2 \log(n)$ достаточно завести массив sums, записывать в него тройки (i,j,a_i+b_j) по тому же правилу, что и в предыдущем пункте, и использовать его как min-кучу. Тогда на каждом шаге при поиске минимума мы будет тратить $O(\log(n))$ времени и добавлять в кучу $(i+1,j,a_{i+1}+b_j)$. В результате получим необходимую асимптотику и линейный расход памяти.
- (d) empty
- 3. (а) Пусть у нас есть два отсортированных по возрастанию массивы $A:\{a_i\}, B:\{b_j\}, i, j=1...n,$ считаем все элементы различными. Обозначим C слитый из A и B массив. Заметим, что если $b_j:b_j< a_i$ ближайший слева, то a_i соответствует k=i+j номеру в C (k-порядковой статистике A и B). Это выполняется, потому что если слить массивы в один, то в промежутках между i элементами массива A находятся j элементов массива B. А если нет таких $b_i:b_i< a_i$, то a_i стоит на i месте в C.

Возьмем i=n//2 и найдем с помощью бин поиска ближайший слева b_j : $b_j < a_i$. Соответственно, если k=i+j, то мы нашли k-й элемент в C (k-порядковую статистику). Если k < i+j, то нуждый нам элемент находится левее в C; если k > i+j, то правее. Если выполняется первый вариант, тогда сузим отрезок индексов $i \in [1, n//2-1]$, если второй - $i \in [n//2+1, n]$. Затем будем аналогично искать на полученном промежутке - берем его середину, ищем ближайший слева b_j : $b_j < a_i$, сравниваем i+j и k, сужаем рассматриваемый промежуток i и тд. Если нам не повезет, мы дойдем до одного значения a_i . Здесь есть несколько крайних вариантов:

- i. k=i+j, все окей
- іі. $k \neq i + j$, обсудим ниже
- ііі. если значения b_j : $b_j < a_i$ просто нет. Это значит, что в начале C стоят одни элементы A и нужный нам элемент a_k

Обсудим второй вариант. Если так произошло, то это значит, что k-порядковая статистика находится в элементе массива B. в этом случае можно поменять ролями массивы A и B и аналогичной процедурой деления интервала $j \in [1,n]$ и нахождением ближайшего слева к b_j элемента a_i пройти по массиву B.

Корректность алгоритма объясняется тем, что на каждом шаге мы фактически сужаем область поиска нужного индекса i (если не повезет, то во втором проходе j) в два раза, что обеспечивает сходимость к нужной паре индексов.

Время работы $T = O(\log^2(n))$, потому что делаем $O(\log(n))$ шагов (деление отрезка пополам) и на каждом шаге алгоритма мы делаем бин поиск за $O(\log(n))$.

Что делать если есть повторяющиеся элементы

Если есть повторяющиеся элементы, можно на каждом шаге искать ближайшие слева b_j : $b_j \leqslant a_i$. Тогда в результате прогона получим два значения

(b) Будем считать, что элементы A и B различны. Для k-порядковой статистики должны выполняться условия:

$$i + j = k \tag{1}$$

$$b_j < a_i < b_{j+1}$$
, если k -статистика соответствует a_i (2)

$$a_i < b_i < a_{i+1}$$
, если k -статистика соответствует b_i (3)

Если выполнено (1) и (2) или (3), то нашли k-порядковую статистику. Хотим научиться отсекать лишние части массива

і. Пусть $a_i > b_j$, выполнено (1), но (2) не выполнено, т.е. $a_i > b_{j+1}$. Тогда если в лучшем случае $a_i < b_{j+2}$, порядковая статистика a_i равна

$$i + j + 1 > i + j = k$$
,

а значит для больших i порядковая статистика будет еще больше, поскольку $a_{i+1} > a_i > b_{j+1}$, а значит порядковая статистика i+j+2 > k. Поэтому надо искать k-порядковую статистику при $i \in [1, i-1]$.

Аналогично для элементов массива B: в лучшем случае:

$$a_{i-1} < b_j < a_i$$

и тогда номер порядковой статистики для $b_j: i+j-1 < k$. Т.е. надо искать k-порядковую статистику при $j \in [j+1,n]$

іі. Пусть $a_i < b_j$, выполнена связь (1), но (3) не выполняется. Тогда $b_j > a_{i+1}$ и аналогично в лучшем случае

$$a_{i+1} < b_j < a_{i+2}$$

и номер порядковой статистики для $b_j: i+j+1>k,$ т.е. надо смотреть $j\in [1,j-1].$ Аналогично в лучшем случае

$$b_{i-1} < a_i < b_i$$

и номер порядковой статистики для $a_i:\ i+j-1< k,$ т.е. надо смотреть $i\in [i+1,n]$

В результате имеем следующий алгоритм действий:

- і. Берем i = n//2, их связи 1 находим ј
- іі. Проверяем условия (2) и (3). Если одно из них выполнено нашли k-порядковую статистику, а если нет то:
- ііі. в зависимости от соотношения $a_i > b_j$ или $a_i < b_j$, сужаем область рассмотрения индексов как в описано в соответсвующем пункте

Время работы алгоритма $O(\log(n))$, поскольку на каждом шаге уменьшаем области рассматриваемых индексов в двое. Кроме того не надо искать подходящий элемент бинарным поиском, сейчас это делается за O(1).