

cours l2 bioinfo

Thomas Karaouzene

21 novembre 2017

Toujours sur la base de données Ensembl, téléchargez, au format FASTA la séquence ADNC du transcrit identifié au cours précédent.

Utilisez le logiciel en ligne ExPASy afin de déterminer la séquence en acides-aminés.

Le logiciel fournit 6 réponses : 5'3' Frame 1-3 et 3'5' Frame 1-3.

1. Question 1 : Selon vous, laquelle de ces séquences correspond à celle de la protéine SPINK2 ? Pourquoi ?

Vous cherchez désormais à séquencer l'exon 2 de ce transcrit.

2. Question 2 : Quel est l'identifiant de cet exon sur la base de données Ensembl (ENSExxxxx) ?
3. Question 3 : Quel est la taille de cet exon ?

Rendez-vous sur le logiciel en ligne Primer3web.

Collez dans la case prévue à cet effet la séquence de l'exon deux que vous entourerez de crochets pour indiquer qu'elle est votre cible (ex : [ATTC....GGCCGTA]). Collez ensuite, de part et d'autre de cette séquence la fin de l'intron 1 (\simeq 3,5 lignes de séquence) et le début de l'intron 2 (\simeq 3 lignes de séquence).

Cliquez ensuite sur le bouton **Pick Primers**

4. Question 4 : À votre avis, quel est l'intérêt d'avoir collé les séquences introniques flanquants l'exon 2 ?
5. Question 5 : Collez les séquences des Primers que vous avez obtenues. Quelle est leur température de fusion ?
6. Question 6 : Quelle est la taille, en nucléotides, de la région séquencée ?