

DDBJ塩基配列登録システム

全体の流れ

<http://ddbj.nig.ac.jp/submission/> にアクセス
"Create new submission"をクリックしてスタート



Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Email: mishima@nig.ac.jp Disclose on DDBJ flat file.

Name: Hanako Mishima

Country: Japan

Fax: 81 - 55-981-649 Disclose on DDBJ flat file.

Phone: 81 - 55-981-6857 Ext.(内線) () Disclose on DDBJ flat file.

Institution: National Institute of Genetics

Department: DNA Data Bank of Japan

URL: http://www.ddbj.nig.ac.jp

Zip code: 411-8540

State (Prefecture): Shizuoka

City: Mishima

Address (Street): 1111 Yata

An email will be sent to your email address when you click 'Next'.

Last modified: August 17, 2012

1. Contact person を入力
メール受信、メール内リンクを開く



Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Hold your data until specific date. Click calendar (カレンダーをクリックすると6か月後の日付がハイライトされます)
 Or Release immediately

Last modified: August 17, 2012

2. Hold date を指定



Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > **3. Submitter** > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

登録者 (Submitter(s))を入力します

登録者とは

contact personに加え、研究責任者や論文著者から加えるなど2名以上をsubmitterにを含めることを推奨します
We recommend you to add more submitters, such as principal investigator, either one(s) of reference authors, and so on, in addition to the contact person.

下記の例に示した書式で入力してください Please enter submitter(s) in accordance with the form of the examples below.
Examples; Mishima,H.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

Submitter
(contact person)
Email

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 17, 2012

3. Submitter を入力



Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > **4. Reference** > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Primary citation (main paper for the sequence of the entry)

Please choose 'Unpublished'
when you are planning or preparing for a manuscript,
when a manuscript is being submitted for publication,
or if you have not decided whether you would submit the paper or not.

In case of 'Unpublished', please enter the appropriate title and authors.

Status Unpublished In press Published
Year

Reference Title
Mishima,H.
Shizuka,T.
Hamamatsu,S.

Other Reference

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 27, 2012

4. Reference を入力





5. 塩基配列を入力

TPAの場合にはAssembly Informationを入力



DDBJ Nucleotide Sequence Submission

[1. Contact person](#) >> [2. Hold date](#) >> [3. Submitter](#) >> [4. Reference](#) >> [5. Sequence](#) >> [6. Template](#) >> [7. Annotation](#) >> [8. Finish](#)

Submission ID: 5045715055d698dd9f001178 Entry counts: 2

Please select one that matches to the annotation of the sequence:

We have templates for some typical submissions as shown below.

You can proceed with them if you wish.

Sequences from isolated bacteria or archaea

- 16S rRNA sequence
- single protein-coding sequence (CDS)
- region cannot be described by any other feature key, use of misc_feature

Environmental sample (bacteria)

- 16S rRNA sequence
- single protein-coding sequence (CDS)
- region cannot be described by any other feature key, use of misc_feature

Sequences from eukaryotic species

- single protein-coding sequence (CDS), not an organelle
- single protein-coding sequence (CDS), organelle
- mitochondrial D-loop

Sequences from viruses

- single protein-coding sequence (CDS), Influenza A virus
- single protein-coding sequence (CDS), other viruses

other

- >>> No, I cannot find my kind of annotation in the list above.

[Input annotation](#) [Upload annotation file](#)

[Site Policy](#) | [Privacy](#) | © DNA Data Bank of Japan

Last modified: August 31, 2014

6.アノテーション入力用テンプレートを選択
アノテーションをuploadするか、直接入力
するかを選択



7. アノテーションをuploadまたは画面上で入力

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish [HELP]

Submission ID: 5052aa755d6981a5001559 Entry counts: 10

	source	target	rRNA	protein	Other
	[Edit Column]	[Edit Column]	[Edit Column]	[Edit Column]	information
ENT01	1472	genomic DNA	<1..1472	16S ribosomal RNA	
ENT02	1113	genomic DNA	<1..1113	16S ribosomal RNA	
ENT03	503	genomic DNA	<1..503	16S ribosomal RNA	
ENT04	585	genomic DNA	<1..585	16S ribosomal RNA	
ENT05	1466	genomic DNA	<1..1466	16S ribosomal RNA	
ENT06	1477	genomic DNA	<1..1477	16S ribosomal RNA	
ENT07	505	genomic DNA	<1..505	16S ribosomal RNA	
ENT08	1483	genomic DNA	<1..1483	16S ribosomal RNA	
ENT09	503	genomic DNA	<1..503	16S ribosomal RNA	
ENT10	503	genomic DNA	<1..503	16S ribosomal RNA	

Annotation

Confirm Next

Last modified: September 12, 2012

Level Message

Line 24 error Invalid value "[35.13 N 138.91 R]" for "[lat_lon] qualifier, it must be modified following "[d.dddd]N/[d.dddd]W[E]."

Line 29 error Invalid value "[Japan-Shizuoka]" for [country] qualifier, it must be modified following "[http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/mf-e.html#country]".

1: COMMONSUBMITTER contact: kaiseki_kousuke

2: ab_name Kousuke, T

3: ab_name Kousuke, T

4: email tkousuke@nig.ac.jp

5: phone 81-555-112-1234

6: fax 81-55-981-6838

7: institute National Institute of Genetics

8: department DDBJ center, DDBJ

9: country Japan

10: state Shizuoka

11: city Mishima

12: street 1111 Yata

13: zip 305-0056

14: REFERENCE title New submission tool

15: ab_name Kousuke, T

16: ab_name Mishima, I

17: status Unpublished

18: year 2012

19: DATE hold_date 20130114

20: ENT01 source 1..1472 organism Bacillus sp. HMI

21: ml_type genomic DNA

22: strain HMI

23: country Japan Shizuoka

24: lat_lon 35.13 N 138.91 R

25: rRNA <1..1472 product 16S ribosomal RNA

26: ENT02 source 1..1113 organism Bacillus sp. HMI

27: ml_type genomic DNA

28: strain HMI

Submit to DDBJ

Contact person

Submit

Last modified: September 12, 2012

エラーがなくなるまでアノテーションチェック、修正を繰り返す

8. 完了 登録完了のメール受信

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish [HELP]

Submission completed!

The nucleotide data are now transferred to DDBJ.

You will soon have a confirmation email from sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp.

If you do not receive any response from DDBJ in 5 working days, please send an email to sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp and let us know the browser's URL of this submission.

You can download the submission files from the links below.

- Download fasta File
- Download Ann File
- Download Transcription File

Thank you.
DDBJ
sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp

Last modified: September 12, 2012

スタート画面

<http://ddbj.nig.ac.jp/submission/> にアクセス

DDBJ submission portal

Nucleotide

Submission of small-scale nucleotide sequence data with annotation. In case of project data, please use BioProject, MSS, and DRA.

[Create new submission](#)

BioProject

You must obtain BioProject ID and/or locus_tag prefix, before the submission of project data, such as WGS, complete genome, transcriptome project data, DRA, and DTA. The BioProject database collects information about a higher order organization of research projects and its corresponding data. Using BioProject ID make it possible to obtain the same project from various nucleotide sequence databases.

Mass Submission System (MSS)

Please use mass submission system for the submission of following data. WGS, WGS scaffold(s), complete bacterial/eukaryotic genome, HTG, CON, GSS, EST, TSA, and other data includes huge number of sequences.

DDBJ Sequence Read Archive (DRA)

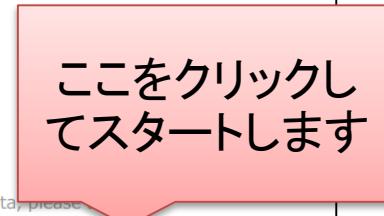
For repository of output data generated by next-generation sequencing machines including Roche 454 GS System®, Illumina Genome Analyzer®, Applied Biosystems SOLiD® System, and others.

DDBJ Trace Archive (DTA)

For repository of DNA sequence chromatograms (traces) obtained from Sanger method-based sequencing system, such as ABI 31xx®, ABI 35xx®, ABI 37xx® etc.

[Site Policy](#) | [Privacy](#) | © DNA Data Bank of Japan

Last modified: August 17, 2012



ここをクリックしてスタートします

1. Contact person

コンタクトパーソンは連絡の窓口となる方で登録者の中の1人を指定します

DDBJからの問い合わせに対する窓口となる方の電子メールアドレスを入力してください

8. Finish

コンタクトパーソンの氏名を **full name** で入力します

の電子メールアドレスを入力してください。
person, who can make contact with DDBJ.

Email: mishima@nig.ac.jp

Name: Hanako Mishima

Country: Japan

Fax: 81 - 55-981-649

FAX番号を入力します

国名をリストから選択します
同時に、fax、phoneの国番号が自動取得されます

FAXを利用できない場合にはチェックを加えてください

Fax: Faxが利用できない場合はチェックを加えてください
Please check it, if you do not have any fax machine.

Phone: 81 - 55-981-6853 Ext.(内線) ()

電話番号を入力します(連絡に内線番号が必要な場合は内線番号も入力してください)

Institution: National Institute of Genetics

所属機関名を入力します

Department: DNA Data Bank of Japan

所属部署名を入力します(任意)

URL: http://www.ddbj.nig.ac.jp

URLを入力します(任意)

Zip code: 411-8540

郵便番号を入力します

State (Prefecture): Shizuoka

都道府県名を入力します(任意)

City: Mishima

Address (Street): 1111 Yata

市町村名を入力します

An email will be sent to your email address when you click 'Next'.

Next

市町村名以降の住所を入力します

入力が済んだらNextをクリックします。
入力したメールアドレス宛てにメールが自動送信されます。

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan

登録開始メールについて

コンタクトパーソンメールアドレス宛に登録開始用のリンクを含むメールが自動的に送信されます

Subject: DDBJ: Starting the sub
To: mishima@nig.ac.jp

National Institute of Genetics
Dear Hanako Mishima

Thank you for using DDBJ.

This email contains a link for proceeding of your nucleotide data submission.

Please click the link below, then, you can continue your registration.

http://ddbji.nig.ac.jp/submission/submissions/5036c6ee55d698c0ad000324/mail_confirmation?token=47444d24e2106dd81a323f6ed559b715ec8cbbab

If you are not related person of the submission, please discard the email .

Note : You must activate your new submission within 1 hour. If you failed to activate, please try again from the "Contact person" page.

Note : You can not reply to this mail.

If you encounter trouble while using this submission system, please send an email to sakura-admin@ddbji.nig.ac.jp and let us know the browser's URL of your submission.

Thank you,
DNA Data Bank of Japan

メール本文内でリンクがかかっている場合はここをクリックすればブラウザが開きます。
リンクがかかっていない場合は、ここをコピーしてブラウザのURL欄に張り付け、リターンキーを押します。

2. Hold date

公開日(Hold date)をカレンダーから選択するか、即公開を選択します。

プログレスバー

Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Hold your data until specific date.

Click calendar (カレンダーをクリックすると6か月)
Or Release immediately

カレンダーアイコンをクリックし、表示されるカレンダーから公開希望日を指定してください

または、即公開希望の場合はここにチェックを加えてください

Next

入力が済んだらNextをクリックします

February 2013

Mo	Tu	We	Th	Fr	Sa	Su
1	2	3				
4	5	6	7	8	9	10
11	12	13	14	15	16	17
18	19	20	21	22	23	24
25	26	27	28			

Done

Site Policy | Privacy

id: August 17, 2012

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザーを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

- カレンダーでは、6か月後の日付が自動的にハイライトされています
- 年末・年始はDDBJが公開作業を停止するため選択できません
- 選択できる日付は最大3年後までです

カレンダーの操作説明



3. Submitter

Submitter(登録者)名を入力します

Nucleotide sequence data submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

登録者(Submitter(s))を入力します

登録者は

contact personに加え、研究責任者や論文著者から加えるなど2名以上を登録できます。
We recommend you to add more submitters, such as principal investigator, in addition to contact person.

下記の例に示すように、複数の登録者を記載する場合は、各登録者の情報欄に、例のように「[姓] [名]」の形式で登録してください。

Contact person の 氏名が自動変換され初期値として入力されます。修正が必要な場合は適宜変更してください。

Submitter (contact person) Mishima,H.
Email tkosuge@nig.ac.jp

Add

Addで登録者を追加できます
DDBJでは複数の登録者の指定をお願いしております
入力した順序通りに フラットファイル 上に表示されます

論文等の著者名に準ずる形式で、氏名の略記を記載してください。
形式: last name[comma]first name の頭文字[period]middle name の頭文字[period]
例:
Miyashita,Y.
Robertson,G.R.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

複数の登録者を記載するようお願いいたします。

Next

Last modified: August 17, 2012

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することができます。

複数の登録者を指定することに関するお願ひ

登録データの修正・更新を行える権利は登録者のみが有しております。登録者が1名のみの場合、将来、修正が必要になった際に私どもから登録者本人への連絡がとれない場面に遭遇することもございます。1名の登録者のみでの登録も可能ですが、複数の登録者を記載いただけるよう推奨しております。たとえば、実作業者と研究指導者(責任者)、論文著者から登録者に加えるなど、2名以上の登録者記載に関しましてご協力をお願いいたします。

登録者を追加するには

まず、"Add"をクリックします

Submitter
(contact person) Mishima, H.

Email misima@nig.ac.jp

Submitter Shizuoka, T.

(Email, Optional) shizouka@nig.ac.jp

Add

Addをクリックすると現れる入力欄に登録者とメールアドレスを入力してください

登録者の順番を変えるには 登録者を削除するには

Submitter (contact person)	Mishima,H.	順番入れ替え 下に移動
Email	tkosuge@nig.ac.jp	
Submitter (Email, Optional)	Shizuoka,T.	
	shizouka@nig.ac.jp	
Submitter (Email, Optional)	Hamamatsu,N.	
	hamamatsu@nig.ac.jp	
Add		削除

The diagram illustrates a user interface for managing a list of contacts. It shows five entries in a table. The first entry has a green downward arrow pointing to its right, indicating the 'Move Down' action. The second entry has two green arrows (one up, one down) and a trash can icon to its right, indicating the 'Delete' action. The third entry has a green upward arrow and a trash can icon to its right, indicating the 'Move Up' action. The fourth and fifth entries have no visible controls to their right.

4. Reference

Reference情報を入力します

配列に関する主論文(Primary citation)を第一referenceに入力してください

Nucleotide sequence data submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » 7. Annotation » 8. Finish

Primary citation (main paper for the sequence of the entry)

Please choose 'Unpublished'
when you are planning or preparing for a manuscript,
when a manuscript is being submitted for publication,
or If you have not decided whether you would submit the paper or not.

In case of 'Unpublished', please enter the appropriate title and authors.

Status Unpublished In press Published

Year 2012

Reference Title Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase expressed in human liver

Authors
Mishima,H.
Shizuoka,T.
Hamamatsu,S.
[Add authors](#)

Other Reference [Add](#)

Next

デフォルトで Unpublished が選択されています
論文準備中の場合、論文投稿後、論文を作成する予定がない場合はUnpublished を選択します

論文が受理されているときは In press、
論文がすでに公開されているなら Published を選びます

Unpublished、In press、Published の選択に応じて入力欄
が切り替わります

Referenceを追加する場合にクリックします

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 27, 2012

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することができます。

Unpublished の場合

Nucleotide sequence data submission
1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Primary citation (main paper for the sequence of the entry)
Please choose 'Unpublished'
when you are planning or preparing for a manuscript,
when a manuscript is being submitted for publication,
or If you have not decided whether you would submit the paper or not

In case of 'Unpublished', please enter the appropriate title and authors.

Status Unpublished In press Published
Year 2012

Reference Title Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase expressed in human liver
Authors Mishima,H.
Shizuoka,T.
Hamamatsu,S.
[Add authors](#)

Other Reference
[Add](#)

[Site Policy](#) | [Privacy](#) | © DNA Data Bank of Japan Last modified: August 27, 2012

論文タイトルを入力します。
論文を準備されない場合も、塩基配列
情報に応じてた適切なタイトルを記載し
てください。

論文の著者名を各欄に1名ずつ入力してください。
Add authorsで入力欄を追加できます。
X をクリックすると入力欄を消せます。

Next

入力が済んだらNext
をクリックします

論文等の著者名に準ずる形式で、氏名の略記を記載してください。

形式: last name[comma]first name の頭文字[period]middle name の頭文字[period]

例:

Miyashita,Y.

Robertson,G.R.

Mishima-Tokai,H.

Kim,C.S.

Wang,Y.Q.

In press 選択時

Yearを入力します

In press選択時、ジャーナルの略称(ISO abbreviation)を入力してください。この入力欄にはジャーナル名の入力補助機能がついています

論文タイトルを入力します

論文の著者名を各欄に1名ずつ入力してください。
Add authorsで入力欄を追加できます
Xをクリックすると入力欄を消せます

論文等の著者名に準ずる形式で、氏名の略記を記載してください。
形式: last name[comma]first name の頭文字[period]middle name の頭文字[period]
例:
Miyashita,Y.
Robertson,G.R.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

Status	<input type="radio"/> Unpublished <input checked="" type="radio"/> In press <input type="radio"/> Published
Year	2012
Journal Name	J Cancer
Reference Title	Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase expressed in human liver
Authors	Mishima,H. Shizuoka,T. Hamamatsu,S. Add authors
Other Reference	Add

Published 選択時

Yearを入力します

In press選択時、ジャーナルの略称(ISO abbreviation)を入力してください。ジャーナル名の入力補完機能がついています

論文タイトルを入力します

Volume、Page、を入力します
DOIが分かる場合は入力してください

論文の著者名を各欄に1名ずつ入力してください
Add authorsで入力欄を追加できます
Xをクリックすると入力欄を消せます

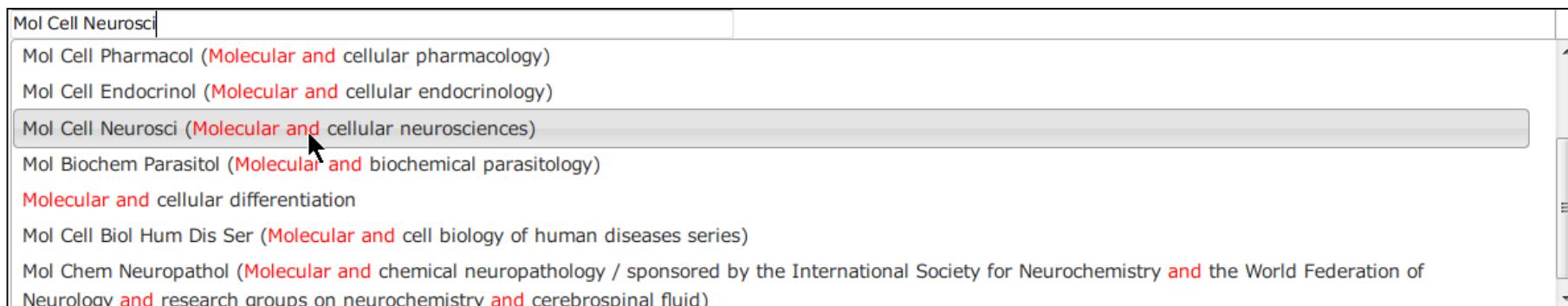
論文等の著者名に準ずる形式で、氏名の略記を記載してください。
形式: last name[comma]first name の頭文字[period]middle name の頭文字[period]
例:
Miyashita,Y.
Robertson,G.R.
Mishima-Tokai,H.
Kim,C.S.
Wang,Y.Q.

Status	<input type="radio"/> Unpublished <input checked="" type="radio"/> In press <input type="radio"/> Published
Year	2012
Journal Name	J Cancer
Reference Title	Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase expressed in human liver
Volume	65
Page (start - end)	3350 - 3357
DOI (Digital Object Identifier, Optional)	10.1234/Jcan.1234567
Authors	Mishima,H. Shizuoka,T. Hamamatsu,S. Add authors
Other Reference	Add

Journal入力欄におけるJournal名の入力補助機能

ジャーナル名は ISO Abbreviation を入力してください。

Journal Name欄にfull nameを入力いただく途中でジャーナル名の候補リストが表示されます。リストから選択することでISO Abbreviationに自動変換されます。



The screenshot shows a search interface with a text input field containing "Mol Cell Neurosci". Below the input field is a dropdown menu listing several journal names, each followed by its ISO Abbreviation in parentheses. The list includes:

- Mol Cell Pharmacol (Molecular and cellular pharmacology)
- Mol Cell Endocrinol (Molecular and cellular endocrinology)
- Mol Cell Neurosci (Molecular and cellular neurosciences) - This item is highlighted with a gray background and has a black arrow pointing to its left.
- Mol Biochem Parasitol (Molecular and biochemical parasitology)
- Molecular and cellular differentiation
- Mol Cell Biol Hum Dis Ser (Molecular and cell biology of human diseases series)
- Mol Chem Neuropathol (Molecular and chemical neuropathology / sponsored by the International Society for Neurochemistry and the World Federation of Neurology and research groups on neurochemistry and cerebrospinal fluid)

入力補助辞書は、[NLM Catalog](#) を使用しております。
ISO Abbreviationについては、[NLM Catalog](#) で検索することができます。

例: Journal of biological chemistry の検索

NLM Catalogのページにアクセスします

検索したいジャーナル名[journal] を検索窓に入力し、Searchをクリックします



Results: 2

[The journal of biological chemistry](#)

1. American Society for Biochemistry and Molecular Biology.

ISSN: 1067-8816 (Electronic) ; 0021-9258 (Linking)

San Francisco, CA : Lightbinders, Inc., c1992-

NLM ID: 9887312 [Serial]

[The Journal of biological chemistry](#)

2. American Society of Biological Chemists.; Ameri
Research.

NLM Title Abbreviation: J Biol Chem

ISSN: 0021-9258 (Print) ; 1083-351X (Electronic) ; 0021-9258 (Linking)

Baltimore, MD : American Society for Biochemistry and Molecular Biology

Currently indexed for MEDLINE

NLM ID: 2985121R [Serial]

候補が表示されます
検索結果から、該当する方を
クリックします

gs.; Rockefeller Institute for Medical

The Journal of biological chemistry

Author(s): American Society of Biological Chemists.

American Society of Biological Chemists., Proceedings.

Rockefeller Institute for Medical Research.

NLM Title Abbreviation: J Biol Chem

ISO Abbreviation: J. Biol. Chem.

Title(s): The Journal of biological

ISO Abbreviation はこれです

Publication Start Year: 1905

Frequency: Weekly, 1994-

Country of Publication: United States

Publisher: Baltimore [etc.]

Latest Publisher: Baltimore, MD : American Society for Biochemistry and Molecular Biology

Description: v. ill., ports.

Language: English

ISSN: 0021-9258 (Print)

1083-351X (Electronic)

0021-9258 (Linking)

5.Sequence

塩基配列を入力します
TPAの場合にはアセンブリ情報も入力します

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザーを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

入力可能な塩基配列について

Multi-FASTA形式の塩基配列をペースト(またはアップロード)可能です。

Entry name (エントリーネーム)は、24文字までの半角・英数記号(ただしスペース、"、?、¥、バックスラッシュを含まない)を用いて設定してください。

Entry name にはそれぞれ異なる名称を付けてください。

同じ Entry name が使用されている場合はエラーとなるため Entry name の修正が必要になります。

各エントリーの区切りに//を含んでいてもいなくても、問題ありません(例1、例2)。

本システムでは // 無しの塩基配列を入力した場合、各エントリーの区切りとして // が自動的に挿入されます。

塩基配列は、a, c, g, t, m, r, w, s, y, k, v, h, d, b, or n のいずれかで構成される必要があります。

塩基配列中のスペース、数字は自動的に削除されます。

塗基配列中の大文字は自動的に小文字に変換されます

例 1

>CLN01
ggacaggctccgcaggagccaggccgggagcaggtggtaagacagaccgttaggtgg
aagaggcttcggggagccggagaactggccagccccacaggtgcaggctgcctgtc
tgcgttcagtctggcgaaacctgaggaaaaaaagagagagaggctcaaggaaagagagga
tgaggcaggagaatcgttgaaccccgggaggccggagggttgcagtgagccggagattacggc
ccacactccacgcctgggcacagacgttgagactccatctcaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
>CLN02

GENUZ

例 2

>CLN01

ggacaggctccgcagggcaggccgggagcagggttgtgaagacagacctgttagtgg
aagaggctccggggagccggagaactggccagaccccacaggctcaggctccctgtc
tgcgttcagtctggcgaaacctgaggaaaaagagagagagaggctcaaggaagagagga
tgaggcaggagaatcgttgaaccccgaggccggaggttgcagtgagccgagattacggc
accgcactccagcgtggcgacagactgagactccatctaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa

11

>CLN02
ctcacacagatgctgcgcacaccagtggtaacaatgccgttgcctccttcaggct
gaaggcctgagggtgcgcctcggttcagtgaagaggccaaaaagagagagaggctaaagga
tgcgttcagtcgtggcgaagcctgaggaaaaagagagagagaggctcaaggaaagagagaga
tagtcatccataaaatttgaacacaccctgcgtgcctagacaagtgtcttttgtaaga
gctgtactctgagatgtctaaataaacccctttctcaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
//

TPA 塩基配列の入力画面

TPAにおける Assembly Information の書式

入力例

	TPA_SPAN	PRIMARY_IDENTIFIER	PRIMARY_SPAN	COMPLEMENT
FA01	1-552	ZZ000001.1	54872-55422	
	553-705	ZZ000002.5	1-153	
BM123	1-438	ZZ000010.1	1-438	
	377-695	ZZ000011.1	1-320	c
	411-790	ZZ000021.12	1-398	
	790-1191	ZZ000022.0	1-401	

A diagram illustrating the input example with red callout boxes and arrows pointing to specific fields in the table:

- Entry Name:** Points to the first column.
- TPA 配列上の location を記載:** Points to the second column.
- プライマリーエントリのアクセション番号をバージョン番号とともにに入力する。** Points to the third column.
- プライマリーエントリの領域を入力する。** Points to the fourth column.
- c**: Points to the fifth column, which contains the value "c".
- 相補鎖に対応する場合のみ c を記載**: Points to the fifth column, explaining the meaning of the value "c".

<入力例の意味>

Entry name FA01 において；

TPA塩基配列 1-552 の領域は ZZ000001.1 の 54872-55422 に対応

TPA塩基配列 553-705 の領域は ZZ000002.5 の 1-153 に対応

Entry name BM123 において

TPA塩基配列 1-438 の領域は ZZ000010.1 の 1-438 に対応

TPA塩基配列 377-695 の領域は ZZ000011.1 の 1-320 の相補鎖側に対応

TPA塩基配列 411-790 の領域は ZZ000021.12 の 1-398 に対応

TPA塩基配列 790-1191 の領域は ZZ000022.0 の 1-401 に対応

いずれも TPA とプライマリーエントリの配列アラインメントに関する規則に従います

Assembly Information 入力規則

- 第1行目は

[tab or space]TPA_SPAN[tab or space]PRIMARY_IDENTIFIER[tab or space]PRIMARY_SPAN[tab or space]COMPLEMENT
である必要があります

- 空行は指定しないでください

- Entry name は第1列に記載します、Entry name のある行でエントリーごとのAssembly情報が区切られることになります。

- TPA_SPAN

書式: X..Y もしくは、X-Y (X, Yは数字、X<Y であることが必要)
TPA 配列上の領域を記載します。

例: 100..2000

例: 3400-4000

- PRIMARY_IDENTIFIER

書式: accession number.version

引用するプライマリエンtriesのアクセション番号をバージョン番号とともにに入力します。未公開のアクセション番号の場合バージョン番号を 0 にしてください。

例: AB123456.1

例: AB987654.0

- PRIMARY_SPAN

書式: X..Y もしくは、X-Y (X, Yは数字、X<Y であることが必要)

プライマリエンtriesからの引用領域を入力します。抜き出した領域が TPA_SPANの領域と対応している必要があります。

例: 1..3345

例: 900-1235

- COMPLEMENT

書式: 空欄もしくは c

プライマリエンtriesから相補鎖領域を引用する場合にのみ c を指定します。

6. Template

① 配列を決定した生物のtaxonomic divisionをリストから選んでください。オルガネラ由来の場合は、名称に‘organelle’が含まれるものを選択していただくとsource フィーチャー配下に /organelle が自動的に加えられます。source フィーチャー配下に記載可能なクオリファイアは、選択された taxonomic division により異なります。

適切な taxonomic division が見つからない場合は、“Plant/Fungi (eukaryotes other than animals)”を選択してください。Plant/Fungi では殆どのクオリファイアが使用可能なためです。

(リンク: taxonomic divisionsについて
<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/locus-j.html#division>)

② 利用可能なannotation templateが下に表示されます。適切なtemplateを選択し、“Input annotation”をクリックしてください。

上記リストに該当する項目がない場合に“other”を選択します。この場合、テーブル形式のアノテーション入力は利用できません。

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

Please select one that matches to the annotation of the sequence.

We have templates for some typical submissions as shown below.
You can proceed with them if you wish.

Bacteria (including both eubacteria & archaea)

②

- protein-coding sequence (CDS), single CDS
- protein-coding sequence (CDS), multi-CDS (until 3 CDSs)
- intergenic spacer (IGS)
- internal transcribed spacer (ITS)
- ribosomal RNA for 16S rRNA
- ribosomal RNA, other
- transfer RNA (tRNA)
- non-coding RNA (ncRNA)
- cannot be described any other feature keys (use of misc_feature)
- other

Input annotation **Upload annotation file**

① Taxonomic division

- Bacteria (including both eubacteria & archaea)
- Environmental Sample
- Human
- Human organelle
- Invertebrate
- Invertebrate organelle
- Mammal (other than primates & rodents)
- Mammalian (other than primates & rodents) organelle
- Phage
- Plant/Fungi (eukaryotes other than animals)
- Plant/Fungi (eukaryotes other than animals) organelle
- Primate (other than human)
- Primate (other than human) organelle
- Rodent
- Rodent organelle
- Synthetic sequence
- Virus
- Vertebrate (other than mammals)
- Vertebrate (other than mammals) organelle

選択後、“Input annotation”をクリックすると“7. Annotation”ページに遷移します。

このページにおいてテンプレートを変更した場合、7.Annotationで入力した内容は失われます。

7.Annotation

表形式アノテーション入力画面では4種類の入力方法が存在します

Editアイコンをクリック(推奨)

セルをダブルクリック

Qualifierの編集アイコンをクリック

Edit Columnをクリック

submission ID

1. [] 2. [] 3. Submitter 4. Reference 5. Sequence 6. Document 7. Annotation 8. Finish [HELP]

Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

source [Select Qualifier] rRNA [Select Qualifier] Other information

	length(bp)	/organism [Edit Column]	/mol_type [Edit Column]	/strain [Edit Column]	Location [Edit Column]	/product [Edit Column]
ENT01 [Edit]	1472				<1..>1472	16S ribosomal RNA
ENT02 [Edit]					<1..>131	
ENT03 [Edit]					<1..>585	
ENT04 [Edit]					<1..>585	
ENT05 [Edit]	1466		genomic DNA		<1..>1466	16S ribosomal RNA
ENT06 [Edit]	1477				<1..>1477	16S ribosomal RNA
	585				<1..>585	16S ribosomal RNA
					<1..>1483	16S ribosomal RNA
					<1..>585	16S ribosomal RNA
					<1..>585	16S ribosomal RNA
					<1..>585	16S ribosomal RNA

Qualiferを選択します

登録件数

Editクリックで、各エントリーごとの編集が可能です

Qualifier編集アイコンのクリックで列ごとの編集が行えます

各セルをダブルクリックし、入力・編集が可能です

塩基配列入力時に指定したEntry nameが表示されます

Link:

- ◆ Feature key の定義
 - ◆ Qualifier key の定義
 - ◆ Organism qualifier に記載する生物名
 - ◆ CDS feature について

Confirm **Next**

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザーを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

例 16S rRNAアノテーションの入力

DDBJ Nucleotide Sequence Submission
1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference
7. Annotation > 8. Finish [HELP]

Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source ? Select Qualifier	length(bp)	/organism ? Edit Column	/mol_type ? Edit Column	/strain ? Edit Column	Location Edit Column	/product ? Edit Column	Other information
ENT01 Edit		1472		genomic DNA				S ribosomal RNA
ENT02 Edit		1313		genomic DNA				S ribosomal RNA
ENT03 Edit		585		genomic DNA				S ribosomal RNA
ENT04 Edit				genomic DNA		<1..>585		
ENT05 Edit				genomic DNA		<1..>1466		
ENT06 Edit				genomic DNA		<1..>1477		
ENT07 Edit		585				<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT08 Edit		1483				<1..>1483	16S ribosomal RNA	
ENT09 Edit				genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT10 Edit						<1..>585	16S ribosomal RNA	

1. クリックして、必要な qualifierを追加しておきます。

必須feature、qualifierが初期値として選択されています。

追加情報がある場合に自由記載が可能です。

2. Editアイコンをクリックします。

クリックするとアノテーションをチェックが始まります。

rRNA featureの location、プロダクト名が初期値として記載されます。

アノテーションチェックで問題がなくならない限り、クリック不可能になっています。

Link:
◆ [Feature key の定義](#)
◆ [Qualifier key の定義](#)
◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
◆ [CDS feature について](#)

Confirm Next

last modified: September 12, 2012

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することができます。

Qualifierを追加するにはSelect Qualifierアイコンをクリックします

The screenshot shows the 'source' tab in BioEdit. On the left, there's a list of 'Optional Qualifiers' with checkboxes next to them. A red arrow points from the explanatory text above to the 'isolated' checkbox. On the right, there are three callout boxes: a pink one at the top explaining how to add qualifiers, a pink one below it explaining deletion, and a blue one in the center explaining the variation in selectable qualifiers based on the template. At the bottom right, there are 'Cancel' and 'Save' buttons, with 'Save' being circled in red.

追加したいqualifier横のチェックボックスにチェックを加えて、Save をクリックすると、qualifierを追加できます。

qualifierを消す場合は、チェックを外します。値が入力されたqualifierの消去を行う場合"確認ダイアログ"が出現しますので、"OK"をクリックすると消去できます。

アノテーションに必須なqualifierは消去不可能です

templateの種類により、選択可能なqualifierは異なります。

Link:

- [7.Annotation](#)
- Templateでotherを選択した際のアノテーション入力
- Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

"Edit"クリック時の編集画面

ENT01 Edit	1472		genomic DNA		<1..>1472	16S ribosomal
ENT02 Edit	1313		genomic DNA		<1..>1313	16S ribosomal
ENT03 Edit						
ENT04 Edit						
ENT05 Edit						
ENT06 Edit						
ENT07 Edit						
ENT08 Edit						
ENT09 Edit						
ENT10 Edit						

ENT01

source

/organism Category: Select only for virus, environmental sample, etc.

Scientific name:

Try NCBI tax search

/mol_type genomic DNA

/strain

rRNA

Location <1..>1472

/product 16S ribosomal RNA

生物名を学名で入力します

strainを入力します

rRNAのlocationが配列全長として自動的に設定されます。必要に応じて修正します。

16S rRNAのテンプレート選択しているので、プロダクト名は初めから入力済みになっており修正不可能です。

Cancel Save

Link:

[7.Annotation](#)

[Templateでotherを選択した際のアノテーション入力](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation](#)

[Organism nameを入力するには](#)

入力後、Saveをクリックします

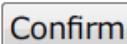
1件目入力完了時

Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source 				rRNA 		Other information
	length(bp)	/organism 	/mol_type 	/strain 	Location 	/product 	
ENT01 	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 	1313		genomic DNA		<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 			genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 			genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 			genomic DNA		<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 			genomic DNA		<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 	585		genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT08 	1483		genomic DNA		<1..>1483	16S ribosomal RNA	
ENT09 	585		genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT10 	585		genomic DNA		<1..>585	16S ribosomal RNA	

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザーを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することができます。

annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う

Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10							
	source <small>?</small> Select Qualifier				rRNA <small>?</small> Select Qualifier		Other information
	length(bp)	/organism <small>?</small> Edit Column	/mol_type <small>?</small> Edit Column	/strain <small>?</small> Edit Column	Location Edit Column	/product <small>?</small> Edit Column	
ENT01 Edit	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 Edit	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 Edit	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 Edit	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 Edit	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 Edit	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 Edit	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7			
ENT08 Edit	1483	Bacillus sp. HM8	genomic DNA	HM8			
		HM9	genomic DNA	HM9			
		HM10	genomic DNA	HM10			

annotation入力後、Confirmをクリックします。

チェック後、次のステップに進める場合のみ、"Next"がクリック可能になります。
アノテーションチェックで問題がある場合はクリックできません。

[Confirm](#) [Next](#)

Link:

["Confirm"クリック後: Error無し](#)

["Confirm"クリック後: Warningがあるが次に進める場合](#)

["Confirm"クリック後: Errorがある場合](#)

[CDSの翻訳エラーとその説明ページへのリンク](#)

[プログレスバーについて](#)

[Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザーを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することができます。

Templateでotherを選択した際のアノテーション入力

The screenshot shows the DDBJ Nucleotide Sequence Submission interface. At the top, there's a navigation bar with links to '2. Hold date', '3. Submitter', '4. Reference', and '5. Se...'. Below the navigation, it says 'Entry counts: 2'. The main area displays two entries, ENT01 and ENT02. Each entry has fields for 'source' (with a 'Select Qualifier' button), 'length' (2878 for ENT01, 1409 for ENT02), 'genetic code', '/organism', and '/mol_type'. There are also 'Edit' and 'Comment' buttons. A 'Comment' button is highlighted with a callout box explaining it allows free-form text input. Another callout points to the 'Select Qualifier' button on both entries, explaining it adds qualifiers. A third callout points to the 'Edit' button on ENT01, explaining individual entry editing. A fourth callout points to the 'Add feature' button at the bottom right, explaining how to add features. A fifth callout points to the 'Confirm' and 'Next' buttons at the bottom right, explaining the submission process. A large blue callout at the top right states: '表形式の入力ではなく、必要なフィーチャー、クオリファイアを自身で選択する必要があります。' (This is not a form-based input; you must select the required features and qualifiers yourself.)

"Edit"クリックで、エントリーごとの編集が行えます。

"Comment"クリックで、必要に応じ、追加情報を自由記載で入力することができます。

"Select Qualifier"クリックで、qualifierを追加できます。

クオリファイアを直接クリックすることでも入力ウインドウが開いて編集可能になります。

全エントリーに対して、クリックしたクオリファイア値の編集が行えます。

クリックするとアノテーションチェックが始まります。

表形式の入力ではなく、必要なフィーチャー、クオリファイアを自身で選択する必要があります。

クリックすると、sourceフィーチャーに選択されたクオリファイアが次のエントリー以降にコピーされます。

featureを追加するには、Add featureをクリックします。フィーチャーリストからマウスで選択、クリックすると追加可能です。

アノテーションチェックで問題がなくならない限り、クリック不可能になっています。

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザーを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することができます。

TemplateでOtherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation

3. Editをクリックして source featureを入力します

1. "Select Qualifier"で、qualifierを選択します。
この例では、
country
isolate
organelle
を追加しました。

2. 次のエントリー以降に、sourceで選択したqualifierを
コピーしたい場合には、このアイコンをクリックします。
なお、qualifierの値はコピーされません。

Link:

[Qualifierを追加するには](#)
["Edit"クリック時の編集画面](#)

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することができます。

Ent01

source

Category: /organism Select only for virus, environmental sample, etc.

Scientific name: Dugesia japonica Try NCBI tax search

/mol_type genomic DNA

/country Japan:Shizuoka

/isolate Dj-01

/organelle mitochondrion

genetic code 9

Cancel Save

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 7. Annotation > 8. Finish

Submission ID: 5062d65f55d69844ff000a14 Entry counts: 2

Ent01

source

length=17799
genetic code=9
/organism=Dugesia japonica
/mol_type=genomic DNA
/country=Japan:Shizuoka
/isolate=Dj-01
/organelle=mitochondrion

Ent02

source

length=5867
genetic code=
/organism=
/mol_type=
/country=
/isolate=
/organelle=

Add feature

4. ここでクリックし、追加したい featureをリストから選択します。

5. feature配下に追加するqualifierを選択します。

CDS
location=1..17799
/codon_start=1

Add feature

attenuator
C_region
CAAT_signal
CDS
centromere
D-loop
D_segment
enhancer
exon
gap
GC_signal
iDNA
intron
J_segment
LTR
mat_peptide
misc_binding
misc_difference
misc_feature

Confirm Next

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan

Last modified: September 26, 2012

6. locationを修正します。クリックすると入力ウィンドウが現れるので、値を入力します。

7. qualifier値を編集します。
qualifierをクリックすると入力ウィンドウが現れるので、値を入力します。

CDS featureでは/codon_start=1 が初期値として表示されています。必要により、値の修正を行います。

↓

location=<1..1158

/codon_start=1

/gene=cytb

/product=cytochrome b

Add feature

8. 続いて、featureを追加します。

Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック

Link:

Confirm後Error無しの場合

Confirm後Warningがあるが次に進める場合

Confirm後Errorがある場合

[CDSの翻訳エラーとその説明ページへのリンク](#)

プログレスバーについて

Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます

タブ区切りテキストファイルからアノテーションをアップロードするには

①配列を決定した生物のtaxonomic divisionをリストから選んでください。オルガネラ由来の場合は、名称に‘organelle’が含まれるものを選択してください。
source フィーチャー配下に記載可能なクオリファイアは、選択された taxonomic division により異なります。適切な taxonomic division が見つからない場合は、“Plant/Fungi (eukaryotes other than animals)”を選択してください。Plant/Fungi では殆どのクオリファイアが使用可能なためです。
(リンク: taxonomic divisionsについて
<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/locus-j.html#division>)

②アノテーションをタブ区切りテキストファイルを使ってアップロードする場合は“other”を選択します。

① Taxonomic division

Please select one that matches to the annotation of the sequence.

We have templates for some typical submissions as shown below.
You can proceed with them if you wish.

Bacteria (including both eubacteria & archaea)

- protein-coding sequence (CDS), single CDS
- protein-coding sequence (CDS), multi-CDS (until 3 CDSs)
- intergenic spacer (IGS)
- internal transcribed spacer (ITS)
- ribosomal RNA for 16S rRNA
- ribosomal RNA, other
- transfer RNA (tRNA)
- non-coding RNA (ncRNA)
- cannot be described any other feature keys (use of misc_feature)
- other

Input annotation Upload annotation file

②

選択後、“Upload annotation file”をクリックします

このページにおいてテンプレートを変更した場合、7.Annotationで入力した内容は失われます。

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » **7. Annotation** » 8. Finish

Submission ID: 5045715055d698dd9f001178 Entry counts: 2

File upload

|

Site Policy | Privacy Policy Data Bank of Japan Last modified: August 31, 2012

annotation file を指定します

"Upload & Confirm" をクリックして annotation file のチェックを行います。

Upload 可能な annotation file について

- ✓ annotation file の例に関しては、[サンプルアノテーションファイル](#)ページをご覧ください。
- ✓ annotation file には、アノテーション部のみを含めてください。
- ✓ WGS、CON、AGP、EST、GSS、STS、HTG、HTC、TSA ファイルのuploadには対応していません。
これらの登録については、[大量登録システム\(MSS\)](#)をご利用ください。
- ✓ 1. Contact person、2. Hold date、3. Submitter、4. Reference に記載された内容は、COMMON 情報として upload された annotation file の先頭に加えられます。
- ✓ COMMON がannotation file内に記載されていた場合は、1. Contact person、2. Hold date、3. Submitter、4. Reference に記載された内容に置き換わります。
- ✓ TPA 登録においては、PRIMARY_CONTIG を annotation file に含めないでください。5. Sequence 中の Assembly Information の入力内容が自動的に変換され、annotation file の各エントリーに挿入されます。

Link:

- ◆ [Feature key の定義](#)
- ◆ [Qualifier key の定義](#)
- ◆ [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- ◆ [CDS feature について](#)

Uploadするannotation fileの例

この部分は不要、
annotation file に含まれてい
た場合は、
1. Contact person
2. Hold date
3. Submitter
4. Reference
の入力内容に置き換わりま
す。

COMMON	SUBMITTER		contact	Hanako Mishima
			ab_name	Mishima,H.
			ab_name	Yamada,T.
			ab_name	Park,C.S.
			ab_name	Liu,G.Q.
			email	mishima@ddbj.nig.ac.jp
			phone	81-55-981-6853
			fax	81-55-981-6849
			institute	National Institute of Genetics
			department	DNA Data Bank of Japan
			country	Japan
			state	Shizuoka
			city	Mishima
			street	Yata 1111
			zip	411-8540
REFERENCE			ab_name	Mishima,H.
			ab_name	Yamada,T.
			ab_name	Park,C.S.
			ab_name	Liu,G.Q.
			title	Aquaporin genes
			year	2012
			status	Unpublished
DATE			hold_date	20131130
ENT01	source	1..2878	organism	Homo sapiens
			isolate	FA01
			mol_type	mRNA
			tissue_type	liver
	CDS	217..1104	gene	AQP9
			product	aquaporin 9
	3'UTR	1105..2878		
ENT02	polyA_signal	2857..2862		
	polyA_site	2878		
	source	1..1409	organism	Shigella flexneri
			strain	BM123
			mol_type	genomic DNA
	CDS	<1..1051	gene	APQZ
			product	aquaporin Z
			transl_table	11
			codon_start	2

Biological featureが記載
されたこの領域、つまり、各
エントリーのアノテーショ
ンのみを upload してくだ
さい

annotation file の Upload & Confirm後 Errorが無い場合

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Edit Annotation is Confirmed. You can go to the Next step

Submission ID: 5062d65f55d69844ff000a14 Entry counts: 60

File upload

```
1: COMMONSUBMITTER contact Hanako Mishima
2:           ab_name Mishima,H.
3:           email mishima@nig.ac.jp
4:           url http://www.ddbj.nig.ac.jp
5:           phone 81-55-981-6849
6:           fax 81-55-981-6838
7:           institute National Institute of Genetics
8:           department DDBJ center, DDBJ
9:           country Japan
10:          state Shizuoka
11:          city Mishima
12:          street 1111 Yata
13:          zip 411-8540
14: REFERENCE title New submission tool
15:           ab_name Kosuge,T.
16:           status Unpublished
17:           year 2012
18: DATE       hold_date 20130326
```

アノテーションのチェックが行われた後、画面下にアノテーションファイルが表示されます。

COMMONの領域は、1.Contact person～4.Referenceページで入力した内容に置き換えられます。

エラーが無い場合は "[Next](#)" がクリック可能になります。

Warningがある場合でも、"[Next](#)" がクリック可能になりますが、必要に応じて修正を行ってください。

Link:

[Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます](#)

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

annotation file の Upload & Confirm 後 Error/Warningが生じた場合

修正したannotation fileを指定し、"Upload & Confirm" を繰り返します。Errorがなくなるまで繰り返します。

Errorがなくなると"Next"がクリック可能になります。Warningが生じた場合でも入力内容に問題がなければ、"Next"をクリックしてください。

Line番号のクリックでError対象行にジャンプします。

Error/Warning内容が表示されます。

Errorの説明ページが開きます。

画面下部にDDBJ登録形式のannotation fileが表示されます。
エラー対象は赤色で表示されます。

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザーを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することが可能です。

The screenshot shows the 'Annotation' step of a submission process. A green callout points to the 'Upload & Confirm' button, indicating it should be clicked repeatedly until errors are resolved. Another green callout points to the 'Next' button, which becomes enabled when errors are removed. A red callout highlights the line numbers 24 and 29 in the annotation file, with a note that clicking them allows jumping to the error lines. A pink callout shows the expanded view of line 24, revealing a red 'lat_lon' value '35.13 N 138.91 R' which is identified as an error. The bottom section displays the full DDBJ registration-formatted annotation file with the erroneous line highlighted in red.

```
Line: 24 error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d|d.dddd] N|S d|ddd W|E.
Line: 29 error Invalid value [Japan-Shizuoka] for [country] qualifier, it must be modified following [http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref6-e.html#country].
1: COMMONSUBMITTER contact Takehide Kosuge
2: ab_name Kosuge,T.
3: ab_name Kosugi,T.
9: country Japan
10: state Shizuoka
11: city Mishima
12: street 1111 Yata
13: zip 305-0856
14: REFERENCE title New submission tool
15: ab_name Kosuge,T.
16: ab_name Mishima,I.
17: status Unpublished
18: year 2012
19: DATE hold_date 20130314
20: ENTO1 source 1..1472 organism Bacillus sp. HM1
21: mol_type genomic DNA
22: strain HM1
23: country Japan: Shizuoka
24: lat_lon 35.13 N 138.91 R
25: rRNA <1..>1472 product 16S ribosomal RNA
26: ENTO2 source 1..1313 organism Bacillus sp. HM2
27: mol_type genomic DNA
28: strain HM2
29: country Japan-Shizuoka
30: lat_lon 35.13 N 138.91 E
31: rRNA <1..>1313 product 16S ribosomal RNA
```

Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます

これまでに入力してきた内容をテキストファイルで閲覧可能です。

必要に応じ、この欄に追加情報を自由に記載できます。

問題がなければ、どちらかの Submit to DDBJ をクリックします。
[8. Finish](#)画面に移動します。

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish

Submission ID: 5062d65f55d69844ff000a14 Entry counts: 60

Submission Files

- Download Fasta File
- Download Ann File
- Download Transaction File

Contact person

Email	tkosuge@nig.ac.jp
Name	Hanako Mishima
Country	Japan
Fax	55-981-6838
Phone	55-981-6849
Phone extension	
Institution	National Institute of Genetics
Department	DDBJ center, DDBJ
Zip code	411-8540
State (Prefecture)	Shizuoka
City	Mishima
Address (Street)	1111 Yata

Publication

Hold date	2013-03-26
-----------	------------

Submitters

Name	Mishima,H.
Email	tkosuge@nig.ac.jp

References

Status	Unpublished
Year	2012
Reference Title	New submission tool
Name	Kosuge,T.

Submission information

Site Policy | Privacy | © DNA Data Bank of Japan

Last modified: September 16, 2012

Submit to DDBJ

Link:

annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う
Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック
annotation file の Upload & Confirm後 Errorが無い場合

このページで入力を中断・再開するにはブラウザでブックマークするか、ページのURLを保存してください。ブラウザーを閉じた後でもブックマークしたURLを用いて、再開することができます。

8. Finish

このページの URL をブックマークしてください。一定期間閲覧が可能です。

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » 7. Annotation » 8. Finish [HELP]

Submission completed!

The nucleotide data are now transferred to DDBJ.

You will soon have a confirmation email from sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp.

If you do not receive any response from DDBJ in 5 working days, please send an email to sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp and let us know the browser's URL of this submission.

You can download the submission files from the link

- [Download fasta File](#)
- [Download Ann File](#)
- [Download Transaction File](#)

Thank you.
DDBJ
sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp

Site Policy | Privacy | Bank of Japan

DDBJに登録ファイルが転送されました。
この画面が出れば登録完了です。
同時に、登録完了のメールが自動送信されます。

入力した内容をDDBJ登録形式でダウンロードできますので、ファイルの保存を行ってください。同じファイルがDDBJサーバーに自動転送されますので、これらのファイルをDDBJにお送りいただく必要はございません。

Last modified: September 12, 2012

本システムにおいて問題が生じ場合は、ここのメールアドレス宛てに連絡を行ってください。

Link:

[Confirm](#)後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます

登録完了メールが送信されます

From: sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp
Subject: DDBJ: Web submission completed

Contact person : mishima@nig.ac.jp
Hanako Mishima
National Institute of Genetics
DDBJ center, DDBJ
1111 Yata
Mishima, Shizuoka, 411-8540
Japan

Thank you very much for choosing DDBJ for data submission.

We have received your data. We will soon check and annotate them on the basis of the manual and rules common to the DDBJ, EMBL-Bank, and GenBank.

If you do not hear from DDBJ after 5 working days after receiving this notice, please contact us at the following address indicating your Entry Name.

Email address: sakura-admin@ddbj.nig.ac.jp

Sincerely,

DNA Data Bank of Japan
DDBJ Center
National Institute of Genetics
Research Organization of Information
and Systems
Mishima, Shizuoka 411-8540, Japan
fax: +81-55-981-6849

[Hold-date]
2013-03-29

[Entry ID]
5065382e55d69849870005fe.entry01
5065382e55d69849870005fe.entry02

Link:

[8. Finish](#)

入力欄に関する説明

Qualifierの編集アイコンをクリック

organism

Category: ---

ENT01 Copy Scientific name: Bacillus sp. HM1 Try NCBI tax search

Category: ---

ENT02 Copy Scientific name: Try NCBI tax search

Category: ---

ENT03 Copy Scientific name: Try NCBI tax search

Category: ---

ENT04 Copy Scientific name: Try NCBI tax search

Category: ---

ENT05 Copy Scientific name: Try NCBI tax search

Category: ---

ENT06 Copy Scientific name: Try NCBI tax search

Category: ---

ENT07 Copy Scientific name: Try NCBI tax search

Link:
[7.Annotation](#)
Templateでotherを選択した際のアノテーション入力
Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation

クリックしたqualifierにおいて全エントリーに対しての編集が可能です。

Copy クリックで、そのエントリー以降に同じ値がコピーされます。
ただし、件数が多い場合やPCの環境により時間がかかる場合があります。

編集後"Save"をクリックします

Edit Column

テキストエリア上への一括pasteが可能

source - strain

ENT01	HM1
ENT02	HM2
ENT03	HM3
ENT04	HM4
ENT05	HM5
ENT06	HM6
ENT07	HM7
ENT08	HM8
ENT09	HM9
ENT10	HM10

Cancel Save

表の列ごとに、各入力欄の編集が可能です。

このテキストエリアに、直接入力するか、
エクセルやテキストエディタなどからcopy
& pasteしてください。
エンタリーの区切りには改行を用います。

編集後"Save"をクリックします

Link:

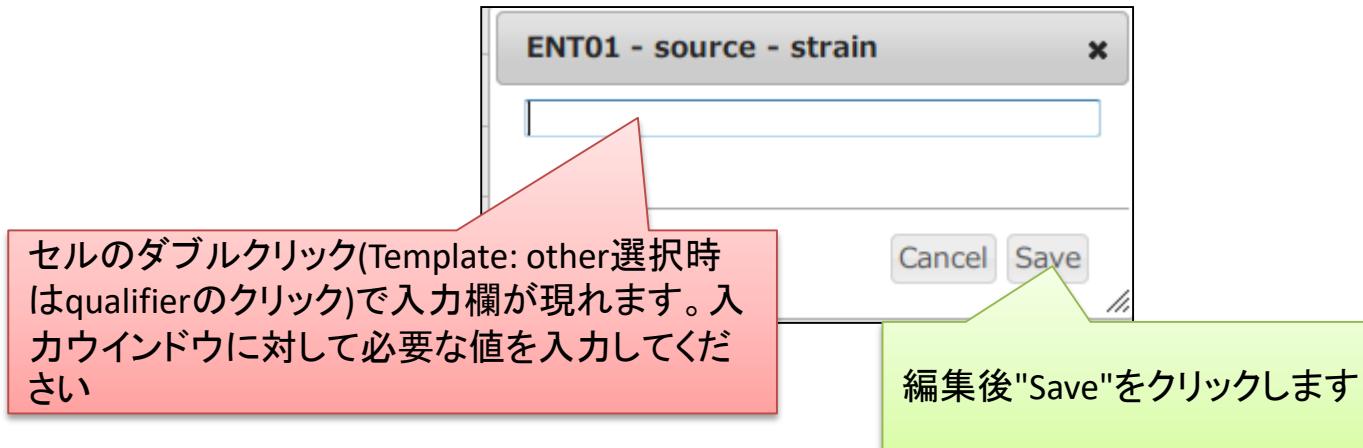
[7.Annotation](#)

[Templateでotherを選択した際のアノテーション入力](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation](#)

セルのダブルクリック

Template: other選択時qualifierをクリック



Link:

[7.Annotation](#)

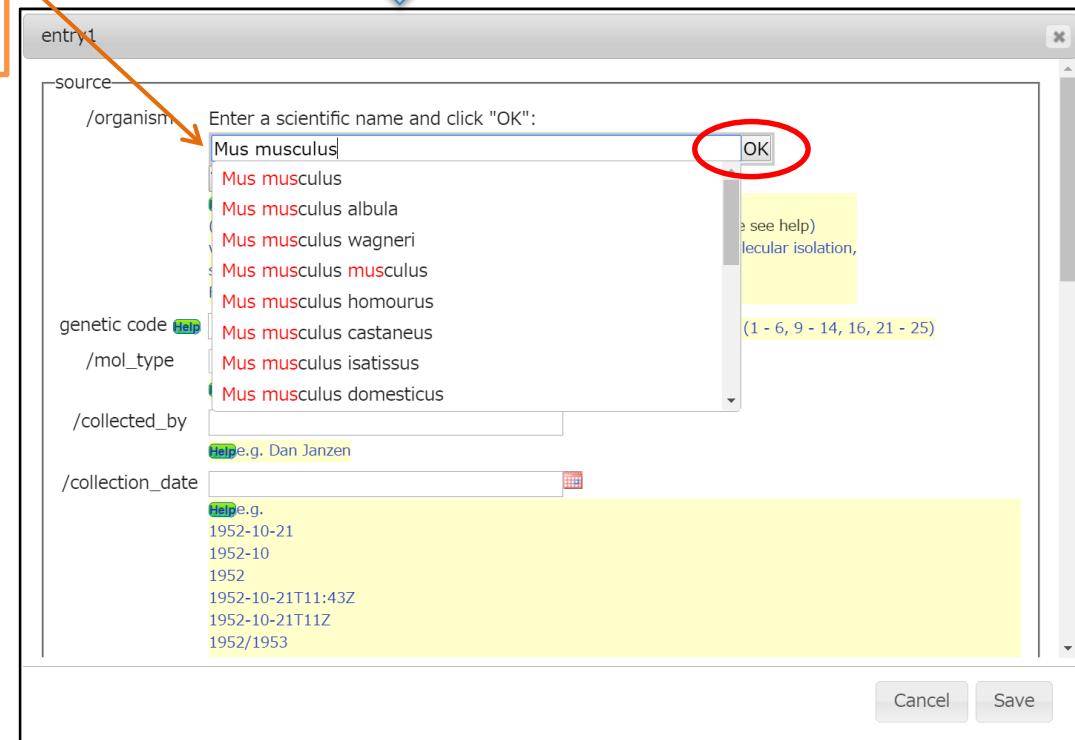
[Templateでotherを選択した際のアノテーション入力](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例 ミトコンドリアゲノムのannotation](#)

organism name を入力するには

ここに学名を入力します。学名をタイプしていくとGenBank taxonomy databaseからの候補が表示されるので選択後、OKをクリックします。

“Edit”をクリックします



taxonomy database にない organism を入力するには

入力したorganism nameがGenBank taxonomy database にない場合、OK クリック後”Category:”選択欄が表示されます。Category のリストから適切な内容を選択後、lineageやvalid publicationなどの情報を入力してください。

Link: <http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Organism nameがGenBank taxonomy database にある場合にはgenetic codeが自動入力されますが、ない場合には手動で入力する必要があります。

Genetic codeには整数値
(例 1 for universal、11 for Bacteria、2 for vertebrate mitochondrion、5 for invertebrate mitochondrion)を入力してください。

The screenshot shows the 'entry1' submission form. In the 'source' section, the 'organism' field contains 'Pseudomonas sp. SP100'. The 'Category:' dropdown menu is open, showing several options: 'The name is valid but not registered in taxonomy database', 'Species is not identified' (which is highlighted in blue), 'Pathogenic virus', 'Valid subspecies or variety not registered in taxonomy database', 'Proposing the name for the novel species', 'Obtained by direct molecular isolation from environmental sample', and 'Artificially constructed or synthesized sequence'. A yellow callout box provides instructions for uncultured organisms. At the bottom right, there are 'Cancel' and 'Save' buttons.

Category: The name is valid but not registered in taxonomy database taxonomy database に未登録だが学名が確立している場合

Example

Valid publication を入力します(必須)

PMID
PubMed IDで入力する際には、リストからPMIDを選択し、PubMed IDをテキストボックスに入力します

DOI
Digital object identifier (DOI)で入力する際には、リストからDOIを選択し、DOIの番号をテキストボックスに入力します

Accession number
過去に同じorganism由来の塩基配列を登録したことがあれば、リストからAccession numberを選択しアクセッション番号をボックスに記載してください

noID
文献・論文にPMIDまたはDOIが無いまたは不明な場合、リストで noID を選択タイトル、著者名、年、巻数、ページ、ジャーナル名を入力してください

/organism

Scientific name:
Eophileurus japonicus

Try NCBI tax search

Category: The name is valid but not registered in taxonomy database

Taxonomic lineage (mandatory):
Insecta; Dicondylia; Pterygota; Neoptera;
Endopterygota; Coleoptera; Polyphaga;
Scarabaeiformia; Scarabaeoidea;
Scarabaeidae; Dynastinae; Eophileurus

Valid publication (mandatory):
PMID
1234567890

Sampling, Sequencing process, and/or Identification of organism (optional):

Link:
<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Taxonomic lineageを入力してください。Lineageについては NCBI tax search を利用して検索できます(必須)

Organismに関する追加情報を入力してください (任意)

Category: Species is not identified

種同定不能な場合

/organism Scientific name:

Pseudomonas sp. DDBJ

[Try NCBI tax search](#)

Category: [?](#)

Taxonomic lineage (optional) [?](#):

Bacteria; Proteobacteria;
Gammaproteobacteria; Pseudomonadales;
Pseudomonadaceae; Pseudomonas

Taxonomic lineageを入力してください。Lineageについては NCBI tax search を利用して検索できます(任意)

Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Pathogenic virus

病原性ウイルス

/organism Scientific name:

Influenza A virus (A/duck/Thailand/dj10000/2013(H1N3))

Try NCBI tax search

Category: Pathogenic virus

Taxonomic lineage (optional)?:

Viruses; ssRNA viruses; ssRNA negative-strand viruses; Orthomyxoviridae; Influenzavirus A; Influenza A virus;

Taxonomic lineageを入力してください。Lineageについては NCBI tax search を利用して検索できます(任意)

Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Valid subspecies or variety not registered in taxonomy database

三名法で記載する場合

<p>/organism</p>	<p>Scientific name: Eophileurus chinensis shizuokaensis Try NCBI tax search</p>
<p>Valid publication を入力します (必須)</p> <p>PMID PubMed IDで入力する際には、リストからPMIDを選択し、PubMed IDをテキストボックスに入力します</p> <p>DOI Digital object identifier (DOI)で入力する際には、リストからDOIを選択し、DOIの番号をテキストボックスに入力します</p> <p>Accession number 過去に同じorganism由来の塩基配列を登録したことがあれば、リストからAccession numberを選択しアクセッション番号をボックスに記載してください</p> <p>noID 文献・論文にPMIDまたはDOIが無いまたは不明な場合、リストで noID を選択タイトル、著者名、年、巻数、ページ、ジャーナル名を入力してください</p>	<p>Category: Valid subspecies or variety not registered in taxonomy database ?</p> <p>Taxonomic lineage (mandatory) ?: Insecta; Dicondylia; Pterygota; Neoptera; Endopterygota; Coleoptera; Polyphaga; Scarabaeiformia; Scarabaeoidea; Scarabaeidae; Dynastinae; Eophileurus</p> <p>Taxonomic lineageを入力してください。Lineageについては NCBI tax search を利用して検索できます(必須)</p> <p>Valid publication (mandatory) ?: PMID 1234567890</p> <p>Sampling, Sequencing process, and/or Identification of organism (optional) ?: 亜種名に関する追加情報を入力してください (任意)</p>
	<p>Link: http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy</p>

Category: Proposing the name for the novel species

提唱準備中の新種

/organism

Scientific name:
 新種提唱の場合、/organismには仮の名称を入力します。新種がvalidになるまでのあいだは、仮名称で登録します。

Try NCBI tax search

Category: ?

Proposed name for the novel species (mandatory) ? :
 論文で提唱予定の新学名 (proposed name) を入力してください (必須)

Taxonomic lineage (mandatory) ? :
 Taxonomic lineageを入力してください。Lineageについては NCBI tax search を利用して検索できます(必須)

Sampling, Sequencing process, and/or Identification of organism (optional) ? :
 新種として提唱することなど、organismに関する追加情報を入力してください (任意)

Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Obtained by direct molecular isolation from environmental sample

環境サンプル

/organism Scientific name:

uncultured active sludge bacterium

OK

Try NCBI tax search

Category: Obtained by direct molecular isolation from environmental sample ?

Taxonomic lineage (mandatory) ?:

Bacteria; Firmicutes; Bacilli;
Bacillales; Bacillaceae; Bacillus;

Taxonomic lineageを入力してください。Lineageについては NCBI tax search を利用して検索できます(必須)

Sampling, Sequencing process, and/or Identification of organism (optional) ?:

DNA extracted from active sludge samples.

サンプルに関する情報を入力してください(任意)

Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Category: Artificially constructed or synthesized sequence

人工的に構築した配列

/organism Scientific name:

Cloning vector pDDBJ

Try NCBI tax search

Category: Artificially constructed or synthesized sequence ?

Expected usage and/or how the nucleotide sequence was constructed (optional) ?:

A new pUC-derived cloning vector

合成配列の情報を入力してください (任意)

Link:

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref8-j.html#deasy>

Error/Warning説明ページへのリンクについて

Error/Warningの説明は以下のURLをご覧いただけます

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html>

CDSのアミノ酸翻訳に関するエラー説明は以下のURLからご覧ください。

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC>

以下のリンクもご参照ください

- [Feature key の定義](#)
- [Qualifier key の定義](#)
- [Organism qualifier に記載する生物名](#)
- [CDS feature について](#)

CDSフィーチャーにおける翻訳エラーと説明ページへのリンク

翻訳エラーの内容により、リンク先の記載内容に基づき修正してください

Message	Link
[WARNING] 'codon_start' qualifier should be selected. The value is automatically set 1.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC22
[WARNING] 'transl_table' qualifier should be selected. The value is automatically set 1.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC23
[WARNING] Amino acid of 'transl_except' qualifier [#Value] is not [Met].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC24
[ERROR] Untranslatable codon [#Codon] is found in the sequence range.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC18
[ERROR] First codon [#Codon] is not a start codon.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC19
[ERROR] Final codon [#Codon] is not a stop codon.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC20
[ERROR] Stop codon '*' is found in the range.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC21
[ERROR] Description of Location [#location of CDS feature] is illegal.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC04
[ERROR] 'codon_start' qualifier is duplicated. The value is automatically set 1.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC05
[ERROR] 'codon_start' qualifier has invalid value [#Value].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC06
[ERROR] 'transl_table' qualifier is duplicated. The value is automatically set 1.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC07
[ERROR] 'transl_table' qualifier has invalid value [#Value].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC08
[ERROR] Amino acid abbreviation [#abbreviation] in 'transl_except' qualifier is illegal.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC09
[ERROR] 'transl_except' qualifier has invalid value [#Value].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC10
[ERROR] Location of 'transl_except' qualifier [#Value] is overlapped.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC11
[ERROR] Location of 'transl_except' qualifier [#Value] is invalid.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC12
[ERROR] Base range of 'transl_except' qualifier [#Value] is mismatched in reading frame.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC13
[ERROR] Amino acid of 'transl_except' qualifier [#Value] is not changed from conceptual translation.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC14
[ERROR] Amino acid of 'transl_except' qualifier [#Value] is not [TERM].	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC15
[ERROR] Stop codon is specified by 'transl_except' qualifier [#Value] in mid of CDS location.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC16
[ERROR] Entry [#Entry name] is NOT found in sequence entries.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC17
[FATAL] Proper 'Codon Table' is not found in 'src' folder.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC01
[FATAL] Proper 'Amino Table' is not found in 'src' folder.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC02
[FATAL] Unable to execute Translation.	http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/validator-j.html#TC03

“Confirm”クリック後: エラー無し

DDBJ Nucleotide Sequence Submission
1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish [HELP]

Edit Annotation is Confirmed. You can go to the Next step
Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source <small>?</small> <small>Select Qualifier</small>						
	length(bp)	/organism <small>?</small> <small>Edit Column</small>	/mol_type <small>?</small> <small>Edit Column</small>	/strain <small>?</small> <small>Edit Column</small>	location <small>?</small> <small>Edit Column</small>	/product <small>?</small> <small>Edit Column</small>	
ENT01 <small>Edit</small>	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 <small>Edit</small>	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 <small>Edit</small>	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 <small>Edit</small>	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 <small>Edit</small>	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 <small>Edit</small>	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 <small>Edit</small>	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7	<1..>585	16S ribosomal RNA	
	sp. HM8	genomic DNA	HM8	<1..>1483	16S ribosomal RNA		
	sp. HM9	genomic DNA	HM9	<1..>585	16S ribosomal RNA		
	sp. HM10	genomic DNA	HM10	<1..>585	16S ribosomal RNA		

画面下部にDDBJ登録形式のアノテーションファイルが表示されます。

Confirm Next

Link:
annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う
Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック
Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます

Next がクリック可能である内容が表示されます。

チェック後、次のステップに進める場合は、Nextがクリック可能になります。

エラー、警告メッセージはアノテーション入力領域の下に表示されます

Level	Message
Line: 24 error	Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d[d.dddd] N S d[dd.dddd] W E].
Line: 29 error	Invalid value [Japan-Shizuoka] for [country] qualifier, it must be modified following [http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref6-e.html#country].
COMMONSUBMITTER contact ab_name Kosuge, T.	
ab_name Kosuge, T.	
ac.jp 1234	
Institute of Genetics	

Line番号のクリックでエラー対象行にジャンプします。

エラー内容が表示されます。

エラーの説明へのリンクページが開きます。

画面下部にDDBJ登録形式のアノテーションファイルが表示されます。
エラー対象は赤色で表示されます。

修正を行う場合は画面をスクロールアップし、annotation入力領域においてエラーが生じたエンタリーの修正を行ってください。
エラー修正後、再度"Confirm"をクリックしてください。

```
8:      department DDBJ center, DDBJ
9:      country Japan
10:     state Shizuoka
11:     city Mishima
12:     street 1111 Yata
13:     zip 305-0856
14:     REFERENCE title New submission tool
15:     ab_name Kosuge, T.
16:     ab_name Mishima, I.
17:     status Unpublished
18:     year 2012
19:     DATE hold_date 20130314
20: ENT01 source 1..1472 organism Bacillus sp. HM1
21:     mol_type genomic DNA
22:     strain HM1
23:     country Japan: Shizuoka
24:     lat_lon 35.13 N 138.91 R
25: rRNA <1..>1472 product 16S ribosomal RN
26: ENT02 source 1..1313 organism Bacillus sp. HM2
27:     mol_type genomic DNA
28:     strain HM2
29:     country Japan-Shizuoka
30:     lat_lon 35.13 N 138.91 E
31: rRNA <1..>1313 product 16S ribosomal RN
```

Link:

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)
[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

“Confirm”クリック後：警告あるが次に進める場合

DDBJ Nucleotide Sequence Submission
 1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish [HELP]

Edit Annotation is Confirmed. You can go to the Next step
 Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source 						Other information
	length(bp)	/organism 	/mol_type 	/strain 	Location 	/product 	
ENT01 	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7	<1..>585	16S ribosomal RNA	
	Bacillus sp. HM8	genomic DNA	HM8	<1..>1483	16S ribosomal RNA		
	Bacillus sp. HM9	genomic DNA	HM9	<1..>585	16S ribosomal RNA		
	Bacillus sp. HM10	genomic DNA	HM10	<1..>585	16S ribosomal RNA		

この例では、submitterの名前に関するwarningが表示されています。

Level Message

Line: 3 warning The value format of [ab_name] [Kosugi, T.T.T.] is possibly wrong. 

1: COMMONSUBMITTER contact Takehide Kosuge
 2: ab_name Kosuge, T.
3: ab_name Kosugi, T.T.T.
 4: email tkosuge@nig.ac.jp
 5: phone 81-555-112-1234

Confirm Next

warningがあっても、次のステップに進める場合は、Nextがクリック可能になります。
 warningがでても、入力内容に問題がなければNextをクリックします。

Link:

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)
[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)
[Confirm後"Next"クリックで最終確認画面が表示されます](#)

“Confirm”クリック後： エラーがある場合

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person > 2. Hold date > 3. Submitter > 4. Reference > 5. Sequence > 6. Template > 7. Annotation > 8. Finish [HELP]

Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

	source 						rRNA 	Other information
	length(bp)	/organism 	/mol_type 	/strain 	/lat_lon 	Location 		
ENT01 	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	35.13 N 138.91 R	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	35.13 N 138.91 E	<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	35.13 N 138.91 E	<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	35.13 N 138.91 E	<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT08 	1483	Bacillus sp. HM8	genomic DNA	HM8	35.13 N 138.91 E	<1..>1483	16S ribosomal RNA	
ENT09 	585	Bacillus sp. HM9	genomic DNA	HM9	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT10 	585	Bacillus sp. HM10	genomic DNA	HM10	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	

エラーが表示されます。

エラーで問題がある場合は、Next がクリック可能になりません。

Level Message

Confirm Next

Line: 23 error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d[d.dddd] N|S d[dd.dddd] W|E]. 

1: COMMONSUBMITTER contact Takehide Kosuge

Link:

[Entry内にエラーがある場合](#)

[Submitter内にエラーがある場合](#)

[Reference内にエラーがある場合](#)

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)
[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

Entry 内にエラーがある場合の修正例

Level	Message
Line: 24	error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d[ddddd] N S d[dd.dddd] W E]. ?
Line: 29	error Invalid value [Japan-Shizuoka] for [country] qualifier, it must be modified following [http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/ref6-e.html#country]. ?
1: COMMONSUBMITTER	contact Takehide Kosuge
2:	ab_name Kosuge,T.
3:	ab_name Kosugi,T.
4:	email tkosuge@nig.ac.jp
5:	phone 81-555-112-1234
6:	fax 81-55-981-6838
7:	institute National Institute of Genetics
8:	department DDBJ center, DDBJ
9:	country Japan
10:	state Shizuoka
11:	city Mishima
12:	street 1111 Yata
13:	zip 305-0856
14: REFERENCE	title New submission tool
15:	ab_name Kosuge,T.
16:	ab_name Mishima,I.
17:	status Unpublished
18:	year 2012
19: DATE	hold_date 20130314
20: ENT01 source	1..1472 organism Bacillus sp. H
21:	mol_type genomic DNA
22:	strain HM1
23:	country Japan: Shizuoka
24:	lat_lon 35.13 N 138.91 R
25: rRNA	<1..>1472 product 16S ribosomal RNA
26: ENT02 source	1..1313 organism Bacillus sp. HM2
27:	mol_type genomic DNA
28:	strain HM2

この例では、エントリー名 ENT01の lat_lon を修正します

Link:

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

["Confirm"クリック後: エラーがある場合](#)

1. Contact person ➔

Submission ID: 5052eaeb55d6981a1500155b Entry counts: 10

Template ➔ 7. Annotation ➔ 8. Finish [HELP]

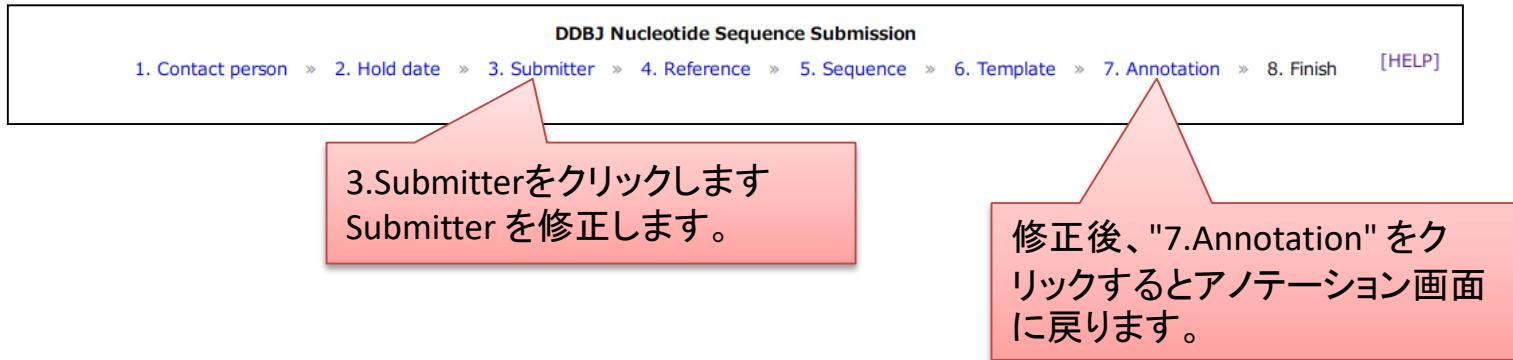
画面をスクロールアップし、アノテーション入力領域におけるエラー対象セルをダブルクリックして値を修正します。

	source  					rRNA  		Other information
	length(bp)	/organism  	/mol_type  	/strain  	/lat_lon  	Location 	/product  	
ENT01 	1472	Bacillus sp. HM1	genomic DNA	HM1	35.13 N 138.91 R	<1..>1472	16S ribosomal RNA	
ENT02 	1313	Bacillus sp. HM2	genomic DNA	HM2	35.13 N 138.91 E	<1..>1313	16S ribosomal RNA	
ENT03 	585	Bacillus sp. HM3	genomic DNA	HM3	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT04 	585	Bacillus sp. HM4	genomic DNA	HM4	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT05 	1466	Bacillus sp. HM5	genomic DNA	HM5	35.13 N 138.91 E	<1..>1466	16S ribosomal RNA	
ENT06 	1477	Bacillus sp. HM6	genomic DNA	HM6	35.13 N 138.91 E	<1..>1477	16S ribosomal RNA	
ENT07 	585	Bacillus sp. HM7	genomic DNA	HM7	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT08 	1483	Bacillus sp. HM8	genomic DNA	HM8	35.13 N 138.91 E	<1..>1483	16S ribosomal RNA	
ENT09 	585	Bacillus sp. HM9	genomic DNA	HM9	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	
ENT10 	585	Bacillus sp. HM10	genomic DNA	HM10	35.13 N 138.91 E	<1..>585	16S ribosomal RNA	

Level	Message
Line: 23 error Invalid value [35.13 N 138.91 R] for [lat_lon] qualifier, it must be modified following [d[d.dddd] N S d[dd.dddd] W E]. 	
1: COMMONSUBMITTER contact Takehide Kosuge	

Submitter内にエラーがある場合



画面上部のプログレスバーから"3.Submitter"をクリックする

3.Submitter画面に移動するのでSubmitterを修正後、"Next"をクリックする

画面上部のプログレスバーから、"7.Annotation" に戻る

Link:

[プログレスバーについて](#)

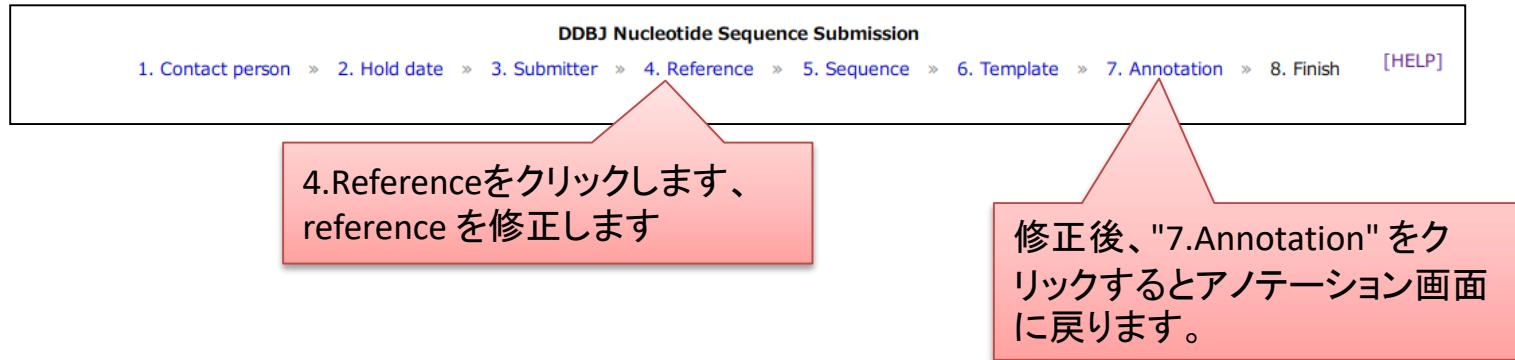
[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

[annotation file の Upload & Confirm後 Error/Warningが生じた場合](#)

["Confirm"クリック後： エラーがある場合](#)

Reference内にエラーがある場合



画面上部のプログレスバーから"4.Reference"をクリックする

4.Reference画面に移動するのでreferenceを修正後、"Next"をクリックする

画面上部のプログレスバーから、"7.Annotation" に戻る

Link:

[プログレスバーについて](#)

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

[annotation file の Upload & Confirm後 Error/Warningが生じた場合](#)

["Confirm"クリック後： エラーがある場合](#)

プログレスバーについて

DDBJ Nucleotide Sequence Submission

1. Contact person » 2. Hold date » 3. Submitter » 4. Reference » 5. Sequence » 6. Template » 7. Annotation » 8. Finish

- ✓ 各ページ名をクリックすることで、前のページに戻って閲覧・修正することができます。修正後は、各ページ下部にある"Next"をクリックしてください
- ✓ "5.Sequence"ページで塩基配列を差し替えた場合、入力した注釈が消去されます
- ✓ "6.Template"ページでテンプレートを修正した場合、入力した注釈が消滅します

Link:

[2.Hold date](#)

[Submitter内にエラーがある場合](#)

[Reference内にエラーがある場合](#)

[annotation入力後"Confirm"をクリックしてチェックを行う](#)

[Templateでotherを選択した際の入力例: Confirmをクリック](#)

[annotation file の Upload & Confirm後 Error/Warningが生じた場合](#)

["Confirm"クリック後: エラーがある場合](#)