Notes de cours R

Thibaut Marmey

October 19, 2018

Contents

T	Prog	grammation R
	1.1	Généralité
	1.2	Fonctions
	1.3	Manipulation de chaînes de caractères
	1.4	Gestion de données complexes
	1.5	Opérations sur des vecteurs
	1.6	Analyses statistiques sur des vecteurs
	1.7	Manipuler et comparer plusieurs vecteurs
	1.8	Corrélations et régression linéaire
	1.9	Gestion de données avec les facteurs
	1.10	Les matrices
		1.10.1 Les tableaux de données (dataframes)
1.	.1 (Généralité
	• lie	n internet : reprise cours OCR
	• lie	n internet : doc d'installation de R et Rstudio
	• Ut	ilisation de la documentation "aide" : $help()$ ou $help("nom\ de\ la\ fonction")$ ou pg
	• Do	ocumentation plus détaillée sur internet : $help.start()$
	• Int	teraction avec l'environnement R :
		- liste toutes les variables crées : $ls()$
		- liste des variables avec une succession de lettre particulière : $ls(pattern="mot")$
		- supprimer des variables : $rm(var)$
		- quitter le travail : $q()$ ou $quit()$

 \bullet Utiliser la fonction print() pour afficher les informations, textes sur la console

 \bullet Ecrire des commentaires avec "#"

• Enregistrer les variables que l'on veut : save(var1, var2, ..., file = "nameFile.extension").

Enregistrement de ces fichiers dans le répertoires associés $Tools/Global \ Options$, ici c'est Documents/Notes-de-cours/Cours R/Test

1.2 Fonctions

- Tester le type d'une variable :
 - is.character(var)
 - is.numeric(var)
 - is.logical(var)
- Spécifier le typage de la variable :
 - as.numeric(var)
 - as.logical(var)
 - as.character(var)
- Renvoyer l'entier inférieur : floor(nb)
- Renvoyer l'entier supérieur : ceiling(nb)
- Arrondir à l'entier le plus proche : round(nb)
- Racine carré : sqrt()
- Fonction trigo: cos(angleRad), sin, ...
- Fonction somme : sum(vect)
- Longueur vecteur : length(vect)

1.3 Manipulation de chaînes de caractères

- Saisir des données depuis le clavier : scan(). Pour valider l'input appuyer sur entrée, et un nouvel input appararaîtra. Pour arrêter la prise d'input appuyer directement sur entrée.
- Rentrer le nombre d'input avec l'appel de scan(nmax=n)
- La concaténation de texte et nombre avec paste(texte, nombres, ...)
- Combinaison de scan() et paste(): paste('Bonjour j'ai', scan(nmax=1), 'ans')
- \bullet Permet de compter le nombre de lettres présentes dans la chaîne de caractères : nchar("chaîne")
- Mettre les caractères en majuscules ou minuscules : toupper(), tolower()
- Extraire une sous chaîne de caractères avec point de départ et d'arrivée inclus : substr("chaine", start, stop). La chaîne de caractères commence à 1.

1.4 Gestion de données complexes

- Le vecteur : élément de base du langage, c'est une liste d'éléments étant tous du même type. Il possède 3 attributs :
 - son type des éléments
 - sa longueur
 - les noms associés aux différents éléments
 - Spécifier deux attributs : le type de ces éléments et la longueur du vecteur (nb d'éléments)
 - Les fonctions prennent toutes des vecteurs en paramètre. Elles renverrons le résultat sous la forme d'un vecteur de longueur (généralement) égale à la longueur du vecteur d'entrée.
 - Différentes méthodes pour créer un vecteur :
 - * la fonction vector(type, length) ex: vector("numeric", 10) crée un vecteur de 10 éléments tous égaux à 0. Les valeurs par défaut sont 0 (numeric), "" (character), FALSE (logical).
 - * les fonctions numeric(length), character(length), logical(length)
 - Générer des séries de nombres
 - * Suite d'un nombre à un autre : nb1:nb2
 - * Suite d'un nombre répété : rep(element, length)
 - * Séquence de nombres : seg(start, stop, step)
- Concaténer plusieurs vecteurs (ils doivent contenir les mêmes types de variables) : c(vect1, vect2, ...) (bonne méthode pour créer rapidement un vecteur avec des valeurs directement attribuées ex: c(70, 50, 10, 0, 5))
- Nommer les éléments du vecteur : names("nom1", "nom2", rep(NA,2), "nom3", ...) (ici permet de nommer des éléments et d'en laisser 2 sans nom)
- Indexation numériques : travailler seulement sur une sous partie d'un vecteur. Les éléments des vecteurs sont indéxés de 1 jusqu'au dernier.
 - Accéder à un élément du vecteur via son index : vect1/index/
 - Accéder à plusieurs éléments du vecteur :
 vect1[nb1:nb2], vect1[c(index1, index2, ...)] il est en fait possible d'utiliser toutes les fonctions de séquences ou listes de nombres comme index.
 - Utiliser des booléens pour sélectionner les éléments à récupérer :
 vect1[vect1 > 7] (on récupère ici tous les éléments de vect1 qui sont supérieur à 7).
 - Utiliser les noms des éléments : vect1/c("nom1", "nom2")/
- Modifier un élément du vecteur : vect1[index] = valeur (sachant que index peut être des fonctions telles que c(), nb1:nb2, etc...

1.5 Opérations sur des vecteurs

- Addition sur vecteur : vect1 = vect1 + 1 (+1 à tous les éléments)

 Dans ce cas là, R prend le plus grand vecteur pour y effectuer l'opération à partir du vecteur plus court.
 - vect1 = vect1 + c(nb1, nb2,...) (revoie d'un avertissement si le grand vecteur n'est pas un multiple du petit vecteur)
- Connaître la longueur d'un objet : length()
- Sélectionner seulement certains éléments :
 - Les premiers éléments : head(nb d'éléments)
 - Les derniers éléments : tail(nb d'éléments)
- Triez les vecteurs :
 - sort() renvoie un nouveau vecteur contenant les mêmes éléments mais triés dans l'ordre.

Dans l'ordre croissant : sort(vect1)

Dans l'ordre décroissant : sort(vect1, decreasing=True)

Dans le cas des caractères, la priorité est donnée aux majuscules, ainsi un "a" sera placé après un "Z". Pour contourner ce problème, utiliser les fonctions toupper() ou tolower().

- order() renvoie l'ordre des éléments via leur indice.
 > [1] 2 5 4 1 3 (ce résultat indique que l'élément d'index 2 est le plus petit, suivi de l'index 5, 4, 1 et 3)
- rank() renvoie le rang de l'élément au sein de la distribution. Par défaut le ties.method est average ce qui implique que si plusieurs éléments sont de même rang la fonction attribuera ainsi la moyenne de ses rangs.

1.6 Analyses statistiques sur des vecteurs

- Analyser la distribution d'un vecteur consiste à calculer diférentes valeur sur celui ci : la moyenne, la médiane ou la variance par exemple.
- Calculer la moyenne : mean(vect1)
- Calculer la médiane : median(vect1)La médiane permet de répartir deux parties en un même nombre d'élément. C'est en fait la valeur centrale de la distribution.
- En présence de valeurs NA dans la distribution, utiliser l'argument facultatif : na.rm = TRUE.
- Mesurer la dispersion d'une distribution :
 - les fonctions min() et max(). Utiliser na.rm si présence de NA.

 Les quantiles sont les valeurs permettant de séparer une distribution ordonnée de valeurs en q sous-distributions.

Généralement on calcule les quartiles c'est à dire on sépare la distribution en 4-quantiles.

Utiliser la fonction quantile (vect1)

- La fonction tout en un : summary(vect1) renvoie :
 - * la valeur min
 - * le premier quartile (25%)
 - * la médiane (ou second quartile (50%)
 - * la moyenne
 - * le troisième quartile (75%)
 - * la valeur max
- La variance mesure la dispersion par rapport à la moyenne. Elle prend une valeur grande si les éléments de la distribution sont généréralement éloignés de la moyenne ou une valeur petite si ces éléments sont au contraire resserrés près de la moyenne.

Calcul de la variance : var(vect1)Calcul de l'écart-type : sd(vect1)

1.7 Manipuler et comparer plusieurs vecteurs

- Faire l'union de deux deux ensembles : union(vect1, vect2)union(names(vect1), names(vect2)) (cette fonction retourne l'ensemble des éléments se trouvant dans au moins un de ces vecteurs)
- Faire l'intersection des ensmbles pour savoir quels sont les éléments présents dans les tous les vecteurs en argument : intersect(vect1, vect2)
- Isoler les éléments qui ne sont pas commun aux vecteurs placés en argument : setdiff(x, y) (renvoie les éléments de x qui ne sont pas dans y)

 Cette fonction est asymétrique c'est à dire que l'ordre des arguments modifie le résultat en sortie.
- L'opérateur %in% renvoie un vecteur d'éléments logiques de la même taille que le premier vecteur référencé à son appel : x %in% y Utilisation : vect1/names(vect1) %in% vect2/names(vect2)
- Ordonner les vecteurs de manière réciproque : certaines fonctions ont besoin de vecteurs qui sont ordonnées dans le même ordre.
 - Commencer par avoir un vecteur de nom obtenu par : commun = intersect(names(vect1), names(vect2))
 - Utiliser ce vecteur de nom commun pour récupérer dans le même ordre les éléments de vect1 et vect2

```
vect1-2 = vect1[commun]

vect2-2 = vect2[commun]
```

Ainsi les deux vecteurs *vect1-2* et *vect2-2* sont ordonnés de la même manière avec le même nombre d'éléments.

- Trier ses données. Lorsque l'on veut trier un des vecteurs, on veut garder la réciprocité de l'ordre des éléments avec l'autre vecteur. Pour cela on veut récupérer les indices des éléments qui sont triés.
 - Utiliser la fonction order(). Utiliser le même vecteur avec order : vect1-tri = vect1-2[order(vect1-2)] vect2-tri = vect2-2[order(vect1-2)]

On obtient alors deux vecteur dont les éléments sont classés et dans même ordre.

1.8 Corrélations et régression linéaire

- Calculer la corrélation entre deux variables revient à calculer l'intensité de leur liaison. Ce coefficient est compris entre -1 et 1. Plus le coefficient est proche de ces valeurs extrèmes, plus la liaison est forte. Si à l'inverse le coefficient est proche de 0, la liaison est faible ce qui veut aussi dire que les données sont linéairement indépendantes.
- Il est possible que ces données soient corrélées de manière non linéaire.
 - Un coefficient entre 0 et 1 indique que les deux séries de données évoluent dans le même sens.
 - Inversement, si le coefficient est compris entre -1 et 0.
- Calculer un **coefficient de corrélation linéaire** : cor(x,y) Attention : x et y doivent être de la même taille et contenir des éléments numériques Les deux données doivent être réciproques (premier élément de x correspond au premier élément de y et ainsi de suite)
- Calcul des coefficients de la régrétion linéaire y = a*x + b
 Utiliser la fonction : lm()
 Cette fonction prend comme premier argument une formule : formula = y x
 (étudier le comportement de y en fonction de x)
 Le premier nombre obtenu est b (Intersect), le second est a.
- Les tests statistiques ont pour but d'infirmer ou confirmer une hypothèse de départ aussi appelé hypothèse nulle (H0). L'hypothèse nulle consiste généralement à postuler une égalité entre les variables comparées.
- Le test statistique renverra une p-value, probabilité que la différence observée entre les deux obstervations soit due au hasard. Seuil pour que la différence observée n'est pas du au hasard : généralement 5%. Si la p-value est inférieure à 0.05, rejet de l'hypothèse nulle pour accepter hypothèse alternative : la différence entre les deux variables est significative.
- Test de corrélation : cor.text(vect1, vect2)
 - Lire les résultats de bas en haut
 - Calcul du coefficient de corélation cor
 - 95 percent confidence interval : intervalle de confiance de ce coefficient de corrélation.

- Calcul de la p-value
- On accepte ou non l'hypothèse nulle
- Test de médianes avec le test de Wilcoxon-Mann-Whitney : wilcox.test(vect1, vect2) Connaître s'il y a une différence significative en comparant les médianes puisque la médiane est une mesure qui est moins affectés par d'éventuelles valeurs abbérantes.

1.9 Gestion de données avec les facteurs

- Les facteurs permettent de stocker une série d'éléments comme les vecteurs mais possèdent leurs propres attributs et propriétés.
- Ils sont généralement utilisés pour stocker des variables qualitatives (valeur descriptive et non numérique)
- Ils peuvent stocker des éléments de types différents
- Ils possèdent un attribut dit *levels* : vecteur qui contient l'univers des données (l'ensemble des valeurs que peut prendre les éléments)
- Créer un facteur : factor() : fact1 = factor(c("A", "B", "A", "C"))Affichage : [1] A B A C, Levels : A B C (création automatique de l'attribut levels)
- Pour spécifier les valeurs de levels: factor(c(...), levels=c("A", "B", ..., "F"))
- Utilisation des facteurs (liste des manip identiques aux vecteurs) :
 - Nommer les éléments : names()
 - Obtenir la longueur du facteur : length(fact1)
 - Accéder ç un élément par l'index : fact1[index]
- Obtenir l'attribut levels d'un facteur : levels(fact1)
- Rajouter un élément dans levels : levels(fact1) = c(levels, "G")
- Pas possible de faire d'opérations arithmétiques sur les facteurs puisqu'ils contiennent des données de types qualitatives.
- Accéder à des éléments particuliers : head(), tail()
- Si le facteur ne possède que des valeurs numériques il est interessant de travailler sur un vecteur.

```
Convertir un facteur en vecteur : vect1 = as.vector(fact1)
```

- Convertir un vecteur en facteur : fact1 = as.factor(vect1)
- Attention à la convertion d'un facteur d'éléments numériques en vecteur en utilisant la fonction as.numeric().

En utilisant *as.numeric()* renvoie alors la version numérique de l'identifiant interne des éléments du facteur.

```
Utiliser: vect1 = as.numeric(as.character(fact1))
```

1.10 Les matrices

- Pour créer un matrice il faut que :
 - Les éléments soient du même type
 - Toutes les colonnes doivent avoir la même taille
 - Toutes les lignes doivent avoir la même taille
- Créer la matrice :

matrix(nrow=nr, ncol=nc, data=vect1, byrow=TRUE/FALSE)matrix(c(vect1, vect2), nrow=nr, ncol=nc, byrow=T) (pas besoin de spécifier data si c'est le premier argument, raccourcir TRUE en T)

- nrow: nombre de lignes
- ncol: nombre de colonnes
- data : vecteur des données de la matrice
- byrow: méthode de remplissage de la matrice par data
- Il est préférable que le nombre d'éléments dans data soit égal à la capacité de la matrice (nrow*ncol).
 - Si data possède moins d'éléments que la capacité de la matrice, les éléments sont répétés pour la compléter.
 - Si data possède plus d'éléments, les éléments en trop sont tronqués.
- Nommer les lignes : rownames(mat1)
- Nommer les colonnes : colnames(mat1)
- Indexation : mat1[l,c]Avec des noms : mat1["nom1", "nom2"]Attention, il ne faut pas avoir des noms identiques entre les lignes et les colonnes
- Sélection de plusieurs éléments : matrice(c(...), c(...)) matrice(a:b, c:d)matrice[sort(rownames(matrice))[1:3], colnames(matrice)[c(1,3)]]
- Sélectionner toutes les lignes : matrice[,y]Sélectionner toutes les colonnes : matrice[x,]Sélectionner toutes les lignes et colonnes : matrice[,]

1.10.1 Les tableaux de données (dataframes)

- Les tableaux de données (dataframes en anglais) ressemblent beaucoup aux matrices. Ils ont pour vocation initiale de stocker différentes variables pour différents individus ou observations d'une population ou expérience.
- Les éléments d'une ligne ou d'une colonne peuvent être de types différents.

```
age sexe observation
Raoul 21 M BSTR
Fred 22 M 18
Dominique 20 F 855
Didier 22 M PMF
Rachelle 21 F TRUE
```

- Créer des tableaux de données : data.frame(), les arguments :
 - autant de vecteurs que de colonnes (le remplissage des dataframes se fait en colonne).
 - (optionnel) row.names pour spécifier le nom des lignes
 - (optionnel) stringsAsFactors = TRUE/FASLE, compostement à utiliser avec les vecteurs contenant des chaînes de caractères
 - * TRUE: convertion auto de vecteurs en facteurs
 - * FALSE: ces vecteurs restent des vecteurs
- Autre déclaration : data.fram(taille=vect1, poids=vect2, ..., row.names = c("A", "B", ...))
- Comme les éléments d'une même colonne peuvent avoir des types différents il faudra parfois utiliser des facteurs et non des vecteurs pour spécifier le contenu d'une colonne.
- Accéder aux éléments des dataframe : mêmes méthodes que les matrices
- Méthodes spécifiques aux dataframes :
 - Extraire une colonne : dataframe\$colonne