

Визуализация структуры белка

Автор

Мазяр Алексей Николаевич, группа 21213

1. Название использованного ПО

[QuteMol](#)

2. Выбранная структура белка

[1J78](#)

3. Процесс работы

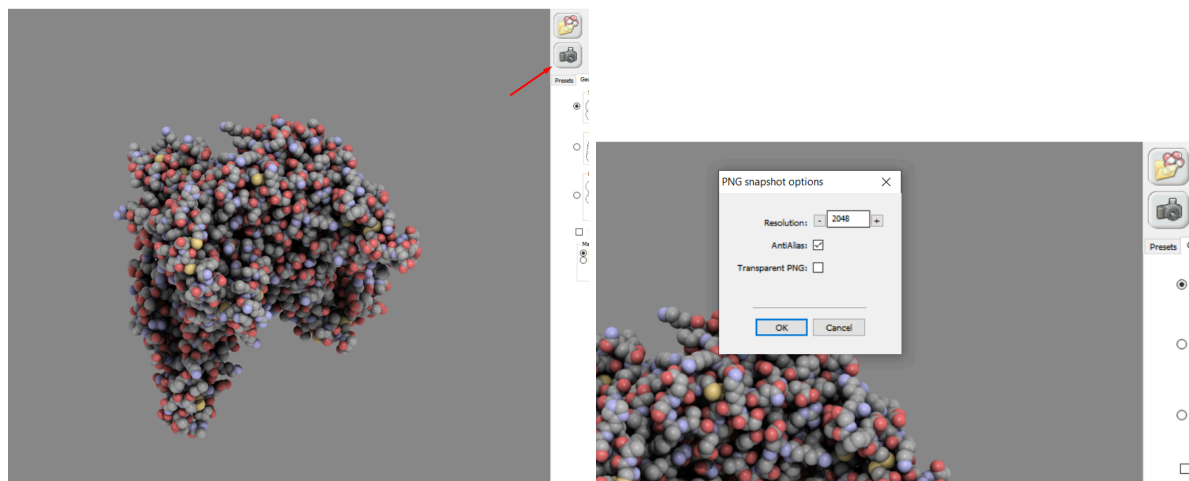
- Перенести мышью PDB файл на иконку программы QuteMol,
- выбрать нужный пресет по параметрам отрисовки,
- во вкладке geometry перебрать предлагаемые представления.

Необходимо отметить, что в QuteMol доступно лишь spacefill представление, точнее набор его разновидностей.

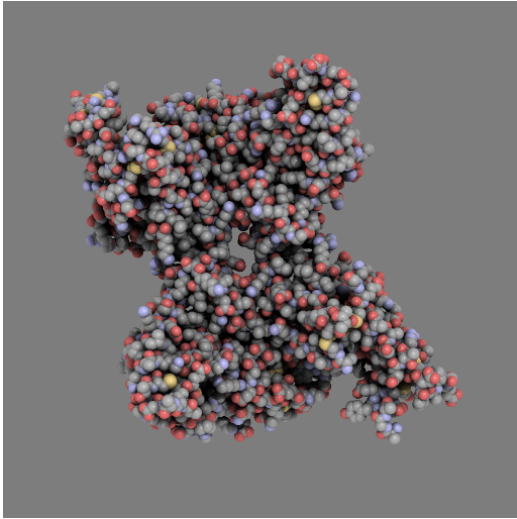
Также в QuteMol по умолчанию применяется раскраска цветовой моделью СРК и изменить это, используя интерфейс программы, невозможно.

4. Способ фиксации визуализации

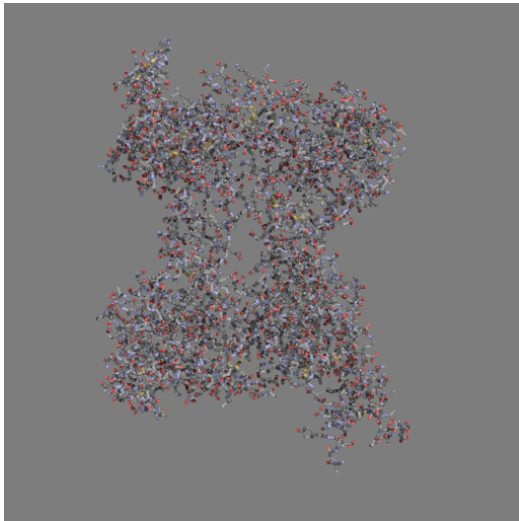
В ПО добавлена функция сохранения текущих изображений по нажатию кнопки. При этом можно выбрать разрешение картинки.



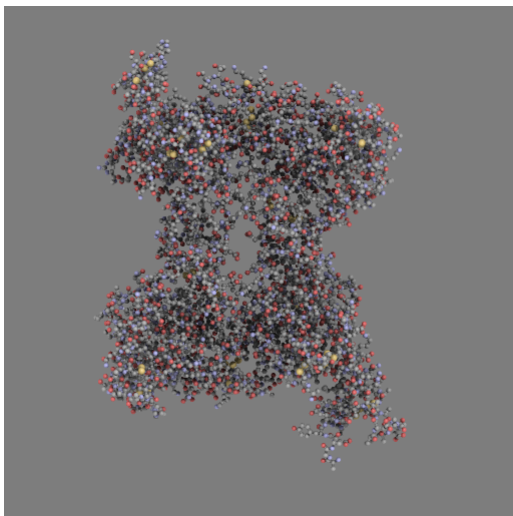
- Spacefill (классический)



- Spacefill-Licorice



- Spacefill-Balls'n'Sticks



- **Publish**

Пытаясь получить публикационное качество, я изменил направление основного источника света, зажав ПКМ, чтобы основная часть визуализированного белка была на свету. Также я повысил разрешение сохраняемого изображения.

