

## 제3강 (3장)

# 일원배치법

- 3.1 일원배치의 구조모형
- 3.2 분산분석
- 3.3 분산분석 후의 추정
- 3.4 반복수가 같지 않은 실험
- 3.5 랜덤모형

## | 제3강 일원배치법

### 3.1 일원배치의 구조모형

## 3.1 일원배치의 구조모형

가장 중요한 요인(인자)이 반응치에 어떤 영향을 미치는지 알고 싶다.

### 01 모수인자(고정인자)

- **관심의 대상**이 되는 반응온도가, 예를 들어 80℃, 100℃, 120℃로 **고정**된 인자
- 인자의 수준에 따라서 반응치의 모평균이 달라지는가?
- 반응치에 대한 **최적조건**은 무엇인가?

### 02 변량인자(랜덤인자)

- 선정된 반응온도, 예를 들어 80℃, 100℃, 120℃가 많은 반응온도 중 **일부**인 경우 반응온도는 변량인자이다.
- 온도(인자)의 특정한 수준은 기술적으로 의미를 가지지 못한다.
- 온도를 A라고 하는 경우 A의 분산  $\sigma^2_A$ 로 A의 효과를 파악한다.

## 3.1 일원배치의 구조모형

〈표 3-1〉 일원배치법의 구조모형

		실험의 반복	합계	평균
인자의 수준	$A_1$	$x_{11} \ x_{12} \ \cdots \ x_{1r}$	$T_{1.}$	$\bar{x}_{1.}$
	$A_2$	$x_{21} \ x_{22} \ \cdots \ x_{2r}$	$T_{2.}$	$\bar{x}_{2.}$
	$\vdots$	$\vdots$	$\vdots$	$\vdots$
	$A_a$	$x_{a1} \ x_{a2} \ \cdots \ x_{ar}$	$T_{a.}$	$\bar{x}_{a.}$
			$T$	$\bar{\bar{x}}$

## 3.1 일원배치의 구조모형

### 01 모형

$$x_{ij} = \mu_i + \epsilon_{ij} = \mu + \alpha_i + \epsilon_{ij}$$

- 모수모형의 경우  $\sum \alpha_i = 0$  이라고 가정함

#### 오차 $\epsilon_{ij}$ 에 대한 가정

- 정규성 : 오차의 분포는 정규분포를 따른다.
- 독립성 : 오차들은 서로 독립이다.
- 불편성 : 오차의 기대값은 0으로 치우침이 없다.
- 등분산성 : 오차의 분산은 인자의 수준과 실험의 반복에 관계없이 일정하다.

## | 제3강 일원배치법

### 3.2 분산분석

## 3.2 분산분석

### 02 귀무가설

$$H_0: \alpha_1 = \alpha_2 = \cdots = \alpha_a = 0$$

- 수준 효과 간 차이가 없다

### 03 대립가설

$$H_1: \alpha_i \text{ 모두 } 0 \text{인 것은 아니다.}$$

- 어떤 수준 효과 간 차이가 있다

## 3.2 분산분석

### 04 변동 및 자유도의 분해

$$\begin{array}{ccccc} x_{ij} - \bar{\bar{x}} & = & (\bar{x}_{i.} - \bar{\bar{x}}) & + & (x_{ij} - \bar{x}_{i.}) \\ \text{총 변동} & & \alpha_i \text{에 기인하는 변동} & & \text{잔차변동} \\ \sum_i \sum_j (x_{ij} - \bar{\bar{x}})^2 & = & \sum_i r(\bar{x}_{i.} - \bar{\bar{x}})^2 & + & \sum_i \sum_j (x_{ij} - \bar{x}_{i.})^2 \end{array}$$

$$SS_T = SS_A + SS_E$$

$$\text{자유도 : } ar - 1 = a - 1 + a(r - 1)$$



## 3.2 분산분석

### 05 변동의 간단한 표현

$$SS_T = \sum_i \sum_j x_{ij}^2 - CT, \quad CT = \frac{T^2}{ar}$$

$$SS_A = \sum_i \frac{T_{i.}^2}{r} - CT$$

$$SS_E = SS_T - SS_A$$

## 3.2 분산분석

〈표 3-3〉 분산분석표

요인	제곱합	자유도	평균제곱	$F_0$	$F(\alpha)$
$A$	$SS_A$	$a-1$	$MS_A$	$\frac{MS_A}{MS_E}$	$F(a-1, a(r-1); \alpha)$
$E$	$SS_E$	$a(r-1)$	$MS_E$		
$T$	$SS_T$	$ar-1$			

### 앞의 가설에 대한 검정방법

- 만약 검정통계량 ' $F_0 > F(a-1, a(r-1); \alpha)$ '이면  
유의수준  $\alpha$ 에서 귀무가설 기각
- 유의확률을 구하여 '유의확률  $p$  값 < 유의수준  $\alpha$ '이면  
대립가설 채택

## 3.2 분산분석

**예 3.1**    납품업체  $A_1, A_2, A_3, A_4$ 간 마모도에 유의한 차이가 있는가?

<표 3-4> 마모도 검사자료

		반 복				T <sub>i</sub>	
납품 업체	A <sub>1</sub>	1.93	2.38	2.20	2.25	8.76	2.19
	A <sub>2</sub>	2.55	2.72	2.75	2.70	10.72	2.68
	A <sub>3</sub>	2.40	2.68	2.32	2.28	9.68	2.42
	A <sub>4</sub>	2.33	2.38	2.28	2.25	9.24	2.31
						38.4	2.40

## 3.2 분산분석

풀이

《 분산분석표 》

요 인	제공합	자유도	평균제공	$F_0$	$F(0.01)$
$A$	0.5240	3	0.1747	8.78 **	5.95
$E$	0.2386	12	0.0199		
$T$	0.7626	15			

검정통계량  $F_0$ 의 값  $8.78 > F(3,12; 0.01) = 5.95$

➡ 귀무가설 기각

(어떤 납품업체들 간에는 직물 마모도 간 차이가 있다)

## 3.2 분산분석

### R 실습

```
a1 = c(1.93, 2.38, 2.20, 2.25)
```

```
a2 = c(2.55, 2.72, 2.75, 2.70)
```

```
a3 = c(2.40, 2.68, 2.32, 2.28)
```

```
a4 = c(2.33, 2.38, 2.28, 2.25)
```

```
wear = c(a1, a2, a3, a4)
```

```
group = c("a1", "a2", "a3", "a4")
```

```
group <- rep(group, c(4, 4, 4, 4))
```

```
wear.dat <- data.frame(group, wear)
```

```
tapply(wear, group, sum)
```

```
a1 a2 a3 a4
```

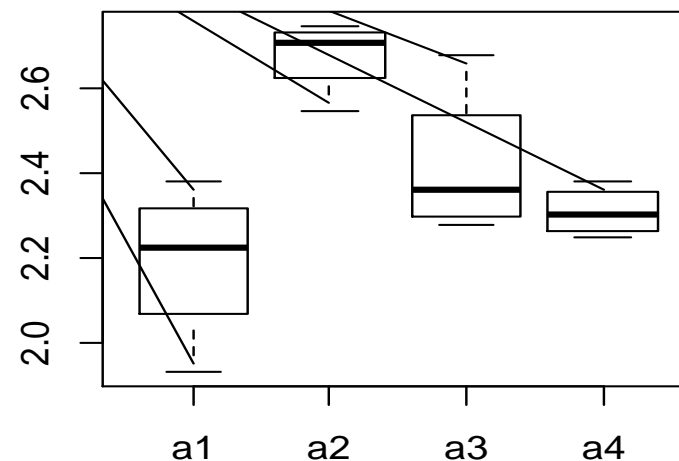
```
8.76 10.72 9.68 9.24
```

```
tapply(wear, group, mean)
```

```
a1 a2 a3 a4
```

```
2.19 2.68 2.42 2.31
```

```
boxplot(wear ~ group)
```



```
aov.out = aov(wear ~ group, data=wear.dat)
```

```
summary(aov.out)
```

	<i>Df</i>	<i>Sum Sq</i>	<i>Mean Sq</i>	<i>F value</i>	<i>Pr(&gt;F)</i>
<i>group</i>	3	0.5240	0.17467	8.785	0.00235 **
<i>Residuals</i>	12	0.2386	0.01988		

---

*Signif. codes: 0 '\*\*\*' 0.001 '\*\*' 0.01 '\*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1*

## | 제3강 일원배치법

### 3.3 분산분석 후의 추정

### 3.3 분산분석 후의 추정

#### ◆ 각 수준에서 모평균 $\mu_i$ 의 추정

일원배치법의 경우 각 수준에서  $\mu_i$  신뢰구간 :  $\bar{x}_i \pm t(\phi_E; \frac{\alpha}{2}) \sqrt{\frac{MS_E}{r}}$

**예 3.2** (예 3.1)의 식물마모도 예에서 각 수준에서의 식물마모도 모평균의 95% 신뢰구간을 구하라.

- 신뢰구간의 폭이  $t(12; 0.025) \sqrt{\frac{MS_E}{r}} = 2.179 \sqrt{\frac{0.0199}{4}} = 0.1537$  이므로 각각의 수준에서 식물 마모도의 모평균의 95% 신뢰구간은 다음과 같다.

$$\mu_1: 2.19 \pm 0.1537 = (2.0363, 2.3437)$$

$$\mu_2: 2.68 \pm 0.1537 = (2.5263, 2.8337)$$

$$\mu_3: 2.42 \pm 0.1537 = (2.2663, 2.5737)$$

$$\mu_4: 2.31 \pm 0.1537 = (2.1563, 2.4637)$$

### 3.3 분산분석 후의 추정

#### 최소유의차 검정

- 일원배치에서 두 수준  $A_i$  와  $A_j$  에서  
모평균의 차이인  $\mu_i - \mu_j$  의  $100(1 - \alpha)\%$  신뢰구간 :

$$(\bar{x}_{i.} - \bar{x}_{j.}) \pm t(\phi_E; \frac{\alpha}{2}) \sqrt{MS_E \frac{2}{r}}$$

$t(\phi_E; \frac{\alpha}{2}) \sqrt{MS_E \frac{2}{r}}$  를 **최소유의차**(least significant difference, LSD)라고 부름



## | 제3강 일원배치법

### 3.4 반복수가 같지 않은 실험

## 3.4 반복수가 같지 않은 실험

### ◆ 모형

$$x_{ij} = \mu + \alpha_i + \varepsilon_{ij}$$
$$i = 1, \dots, a \quad j = 1, \dots, r_i$$

$$SS_A = \sum_i \frac{T_{i.}^2}{r_i} - CT$$

<표 3-5> 반복수와 같지 않은 일원배치법의 분산분석표

요 인	제 곱 합	자 유 도	평 균 제 곱	$F_0$	$F(\alpha)$
$A$	$SS_A$	$a-1$	$MS_A$	$\frac{MS_A}{MS_E}$	$F(a-1, N-a; \alpha)$
$E$	$SS_E$	$N-a$	$MS_E$		
$T$	$SS_T$	$N-1$			

$A_i$  수준에서의 모평균  $\mu_i$  의 95% 신뢰구간 :  $\bar{x}_{i.} \pm t(\phi_E; 0.025) \sqrt{\frac{MS_E}{r_i}}$

## 3.4 반복수가 같지 않은 실험

예 3.2 다음 4종류의 식단에 따른 식이요법이 혈액응고시간에 영향을 주는가?

<표 3-6> 혈액응고시간 자료

실험의 반복							
인 자 의 수 준	$A_1$	62	60	63	59	61	
	$A_2$	63	67	71	64	65	66
	$A_3$	68	66	71	67	68	68
	$A_4$	56	62	60	61	63	64



실험의 반복							합계	평균	
인 자 의 수 준	$A_1$	-3	-5	-2	-6	-4	-20	-4	
	$A_2$	-2	2	6	-1	0	1	6	1
	$A_3$	3	1	6	2	3	3	18	3
	$A_4$	-9	-3	-5	-4	-2	-1	-24	-4

자료변환

$$y_{ij} = x_{ij} - 65$$

## 3.4 반복수가 같지 않은 실험

### 풀이 가설의 설정

$$H_0: \alpha_1 = \alpha_2 = \alpha_3 = \alpha_4 = 0$$

(식이요법에 따라 혈액응고 시간에 차이가 없다)

$H_1: \alpha_i$  가 모두 0인 것은 아니다.

(식이요법에 따라 혈액응고 시간이 모두 같은 것은 아니다)

## 3.4 반복수가 같지 않은 실험

### 풀이(계속) 제공합의 계산

$$CT = \frac{T^2}{N} = \frac{(-20)^2}{23} = 17.3913$$

$$SS_T = \sum_i \sum_j x_{ij}^2 - CT = (-3)^2 + (-5)^2 + \cdots + (-1)^2 - 17.3913 \\ = 322.6087$$

$$SS_A = \sum_i \frac{T_i^2}{r_i} - CT = \left[ \frac{(-20)^2}{5} + \frac{6^2}{6} + \frac{18^2}{6} + \frac{(-24)^2}{6} \right] - 17.3913 \\ = 218.6087$$

$$SS_E = SS_T - SS_A = 322.6087 - 218.6087 = 104$$

## 3.4 반복수가 같지 않은 실험

풀이(계속) 자유도의 계산

$$\phi_T = N - 1 = 22$$

$$\phi_A = a - 1 = 3$$

$$\phi_E = \phi_T - \phi_A = 19$$

### 3.4 반복수가 같지 않은 실험

#### 풀이(계속)

<분산분석표>

요 인	제공합	자유도	평균제공	$F_0$	$F(0.01)$
$A$	218.6087	3	72.8696	13.31**	5.01
$E$	104.0000	19	5.4737		
$T$	322.6087	22			

- 검정통계량  $F_0$ 의 값  $13.31 > F(3,19; 0.01) = 5.01$

➡ 귀무가설 기각

(식이요법에 따라 혈액응고 시간이 다 똑같은 것은 아니다)

추후분석 필요!

### 3.4 반복수가 같지 않은 실험

$$A_i \text{ 수준에서의 모평균 } \mu_i \text{ 의 95\% 신뢰구간 : } \bar{x}_{i.} \pm t(\phi_E; 0.025) \sqrt{\frac{MS_E}{r_i}}$$

$r_1=5, r_2=r_3=r_4=6, t(19; 0.025) = 2.0930$ 이고  $MS_E=5.4737$ 을 대입하면

- $\mu_1$ 의 95% 신뢰구간 :  $61 \pm 2.093 \cdot \sqrt{\frac{5.4737}{5}} \leftrightarrow 61 \pm 2.1899 = (58.811, 63.189)$
- $\mu_2$ 의 95% 신뢰구간 :  $66 \pm 2.093 \cdot \sqrt{\frac{5.4737}{6}} \leftrightarrow 66 \pm 1.9991 = (64.001, 67.999)$
- $\mu_3$ 의 95% 신뢰구간 :  $68 \pm 1.9991 = (66.001, 69.999)$
- $\mu_4$ 의 95% 신뢰구간 :  $61 \pm 1.9991 = (59.001, 62.999)$

➡  $\mu_1$ 과  $\mu_2$ 는 겹치지 않음,  $\mu_2$ 과  $\mu_3$ 는 겹침, ...



## | 제3강 일원배치법

### 3.5 랜덤모형

## 3.5 랜덤모형

### 랜덤모형

실험일, 원료로트, 블록, 원자재의 배치(*batch*)등과 같이 요인(인자)의 수준이 고정되지 않고 랜덤하게 뽑아 시험하는 랜덤요인의 구조모형

$$x_{ij} = \mu + \alpha_i + \varepsilon_{ij} \quad \dots\dots\dots (3.25)$$

$\alpha_i \sim N(0, \sigma^2_A)$ 이고, 서로 독립

$\varepsilon_i \sim N(0, \sigma^2_E)$ 이고, 서로 독립

$\alpha_i$ 와  $\varepsilon_{ij}$  : 서로 독립

## 3.5 랜덤모형

### 랜덤모형

\* 가설  $H_0 : \sigma^2_A = 0$  (랜덤요인이 동질적이다)  
 $H_1 : \sigma^2_A > 0$  (랜덤요인이 이질적이다)

$$\begin{aligned} * \text{Var}(x_{ij}) &= \text{Var}(\alpha_i) + \text{Var}(\varepsilon_{ij}) \\ &= \sigma^2_A + \sigma^2_E \dots\dots\dots (3.31) \end{aligned}$$

## 3.5 랜덤모형

랜덤모형

기여율

$$\varrho = \frac{\sigma^2_A}{\sigma^2_A + \sigma^2_E} \times 100\%$$

$$E(MS_A) = \sigma^2_E + r\sigma^2_A$$

$$E(MS_E) = \sigma^2_E$$



$$\hat{\sigma}_E^2 = MS_E$$

$$\hat{\sigma}_A^2 = \frac{1}{r}(MS_A - MS_E)$$

총분산의 추정치  $\hat{Var}(x_{ij}) = \hat{\sigma}_A^2 + \hat{\sigma}_E^2$

기여율  $\varrho$ 의 추정치 :  $\hat{\varrho} = \frac{\hat{\sigma}_A^2}{\hat{Var}(x_{ij})} \times 100\%$

## 3.5 랜덤모형

**예 3.5** 수백 개의 배치(batch)에서 5개의 배치를 랜덤하게 선택하고, 선택된 배치에서 3개의 시료를 채취한 후 정제하여 순도를 측정하였다. 배치(batch) 간 차이가 있는가?

<표 3-8> 배치자료에 의한 화학약품의 순도

batch	1	74	76	75
	2	68	71	72
	3	75	77	77
	4	72	74	73
	5	79	81	79



					$T_i$
batch	1	-1	1	0	0
	2	-7	-4	-3	-14
	3	0	2	2	4
	4	-3	-1	-2	-6
	5	4	6	4	14

자료변환

$$y_{ij} = x_{ij} - 75$$

## 3.5 랜덤모형

풀이 가설의 설정

$H_0: \sigma^2_A = 0$  (배치 간에 산포가 존재하지 않는다)

$H_1: \sigma^2_A > 0$  (배치 간에 산포가 존재한다)

## 3.5 랜덤모형

풀이(계속) 제곱합의 계산

$$CT = \frac{(-2)^2}{15} = 0.27$$

$$SS_T = \sum_i \sum_j y_{ij}^2 - CT = (-1)^2 + 1^2 + \dots + 4^2 - 0.27 = 165.73$$

$$SS_A = \sum_i \frac{T_i^2}{r} - CT = \frac{1}{3}[0^2 + (-14)^2 + 4^2 + (-6)^2 + 14^2] - 0.27 \\ = 147.74$$

$$SS_E = SS_T - SS_A = 165.73 - 147.74 = 17.99$$

## 3.5 랜덤모형

풀이(계속) 자유도의 계산

$$\phi_T = ar - 1 = 15 - 1 = 14$$

$$\phi_A = a - 1 = 5 - 1 = 4$$

$$\phi_E = \phi_T - \phi_A = 10$$



## 3.5 랜덤모형

### 풀이(계속)

<분산분석표>

요 인	제공합	자유도	평균제공	$F_0$	$F(0.01)$
$A$	147.74	4	36.94	20.52**	5.99
$E$	17.99	10	1.80		
$T$	165.73	14			

검정통계량  $F_0$ 의 값  $20.52 \gg F(4,10; 0.01) = 5.91$

➡ 귀무가설 기각

(배치간의 산포가 존재하여 배치가 동질적이지 않음)

## 3.5 랜덤모형

풀이(계속) 기여율 추정치 계산

$$\hat{\sigma}_E^2 = MS_E = 1.80$$

$$\hat{\sigma}_A^2 = \frac{1}{3}(MS_A - s_E^2) = \frac{1}{3}(36.94 - 1.80) = 11.71$$

$$\widehat{Var}(x_{ij}) = \hat{\sigma}_A^2 + \hat{\sigma}_E^2 = 11.71 + 1.80 = 13.51$$

$$\hat{\rho} = \frac{\hat{\sigma}_A^2}{\widehat{Var}(x_{ij})} \times 100\% = \frac{11.71}{13.51} \times 100\% = 86.7\%$$

➡ 데이터의 총 분산 중에서 86.7%는 순수하게  
배치간의 산포 탓으로 설명할 수 있음  
(13.3%만이 배치 내의 오차의 산포에 기인함)

## 3.5 랜덤모형

### R 실습

```
b1 <- c(74, 76, 75)
```

```
b2 <- c(68, 71, 72)
```

```
b3 <- c(75, 77, 77)
```

```
b4 <- c(72, 74, 73)
```

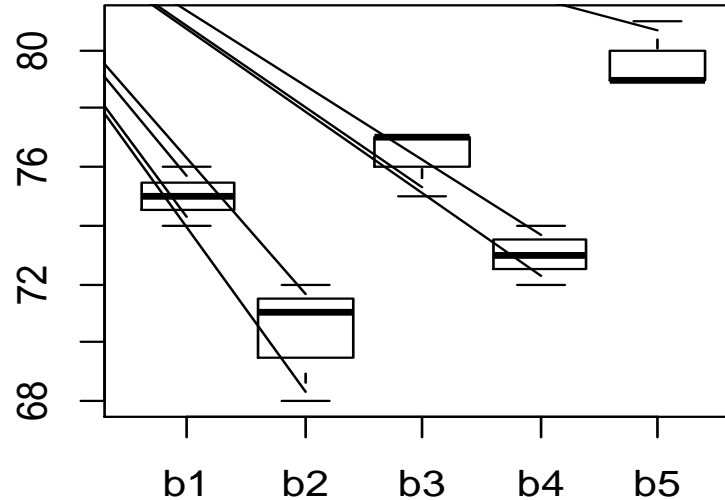
```
b5 <- c(79, 81, 79)
```

```
y <- c(b1, b2, b3, b4, b5)
```

```
x <- c("b1", "b2", "b3", "b4",  
"b5")
```

```
x <- rep(x, c(3, 3, 3, 3, 3))
```

```
boxplot(y ~ x)
```



```
anova <- aov(y ~ x)
```

```
summary(anova)
```

	<i>Df</i>	<i>Sum Sq</i>	<i>Mean Sq</i>	<i>F value</i>	<i>Pr(&gt;F)</i>
<i>x</i>	4	147.7	36.93	20.52	8.25e-05 ***
<i>Residuals</i>	10	18.0	1.80		

---

*Signif. codes: 0 '\*\*\*' 0.001 '\*\*' 0.01 '\*' 0.05 '.' 0.1*

다음시간 안내

제4강 (4장)

## 이원배치법