13강 다변량 자료의 시각화 이해 2

정보통계학과 이태림 교수

- 1. 평행좌표플롯을 작성하고 해석할 수 있다.
- 2. 주성분 분석으로 차원을 축소할 수 있다.
- 3. 공간자료를 표현하고 해석할 수 있다.
- 4. 다변량 시각화의 R에 의한 표현

학습개요 (다변량 자료의 시각화 2)

평행좌표 플롯

Parallell coordinate plot



주성분분석

(principal component analysis)



공간자료 시각화 <u>(scatter plot matrix)</u>

- ▶ 평행좌표 플롯
- ▶ 평행좌표 조건부 플롯
- ▶ 끝잇기 알고리즘
- ▶ 주성분점수
- ▶ 차원축소

- ▶ 등고선도
- ▶ 전망도

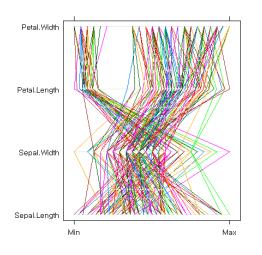
1. 평행좌표 플롯 시각화

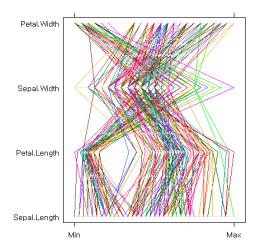
(Parallell coordinate plot)

▶ 평행좌표 플롯 (parallel coordinate plot):



변수들을 각기 평행선 상에 타점하여 점들을 연결하여 얻은 그래프





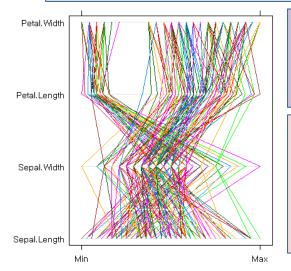
▶ 평행좌표 플롯 (parallel coordinate plot) R 코드:

```
library(lattice)
  data(iris)
  parallel(~iris[.1:4])
  parallel(\simiris[,c(1,3,2,4)])
  parallel(~iris[,1:4] | iris$Species)
  parallel(\simiris[,c(1,3,2,4)] | iris$Species)
```

▶ 평행좌표 플롯 (parallel coordinate plot)



Sepal_Length와 Sepal_Width의 연결선들은 서로 엇갈리는 방향으로 놓이는 경향을 보이는데 이런 패턴은 두 변수 간 음의 상관

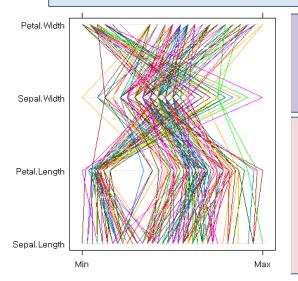


- I Sepal Width와
 Petal Length의 연결선들도
 서로 엇갈리는 음의 상관
- Petal_Length와 Petal_Width 의 연결선들은 나란한 경향 을 보이는데 이런 패턴은 두 변수간 양의 상관

▶ 평행좌표 플롯 (parallel coordinate plot)



Sepal,Length와 Petal,Length의 연결선들은 서로 평행한 방향으로 놓이는 경향을 보이는데 이런 패턴은 두 변수 간 양의 상관

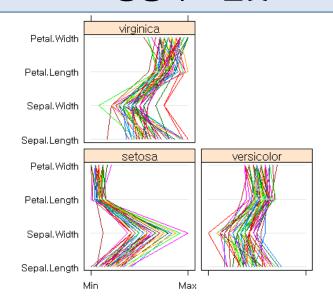


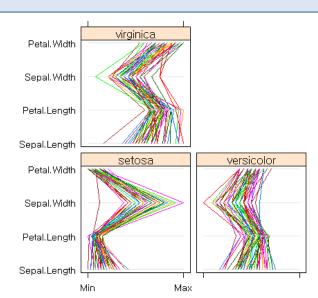
- I Sepal Width와
 Petal Width의 연결선들은
 서로 엇갈리는 음의 상관
- Petal_Length와
 Sepal_Width의 연결선들은
 엇갈린 경향을 보이는데
 이런 패턴은 두 변수간
 음의 상관

▶ 조건부 평행좌표 플롯 (conditioning parallel coordinate plot)



품종군별 Sepal Width, Sepal Width, Petal Width, Petal Length의 평행좌표 플롯





▶ 끝잇기 알고리즘(endlink) R 코드: Hurley(2004)

PCF

[0] 개 변수 간 상관계수 행렬을 산출하여 상관도가 큰 순서대로 변수 쌍을 나열한다. 예를 들어 6개() 변수 자료에서 다음 순서로 변수 쌍이 나열되었다고하자.

1-5, 4-6, 3-6, 2-6, 1-4, 1-2, 3-4, 4-5, 2-4, 1-6, 5-6, 1-3, 3-5, 2-5, 2-3,

▶ 끝잇기 알고리즘(endlink) R 코드: Hurley(2004)

PCP

[1] 가장 상관도가 높은 두 변수를 연결하여 묶는다. 나머지 변수들은 독자적 묶음으로 간주된다. 예에서, 변수 묶음은 1-5, 2, 3, 4, 6이 된다 (변수 묶음의 수는 5개).

[2] 변수 묶음이 1개가 될 때까지, 변수 묶음
양쪽 끝 간 상관도가 가장 큰 변수 묶음을 찾아
해당 끝을 연결한다. 예에서, 최우선 연결은 4-6
1-5, 4-6, 2, 3 이 된다.

▶ 끝잇기 알고리즘(endlink) R 코드: Hurley(2004)

PCP

다음의 우선 연결은 3-6 (or 6-3)이다. 따라서 변수 묶음은

이 된다.

▶ 끝잇기 알고리즘(endlink) R 코드: Hurley(2004)

PCP

3] 다음의 우선 연결은 3-6 (or 6-3)이다. 따라서 변수 묶음은 1-5, 4-6-3, 2

다음 우선 연결은 2-6이지만 6은 변수 묶음의 끝에 있지 않다. 따라서 부적합하다. 다음 우선 연결은 1-4이다. 따라서 변수 묶음은 5-1-4-6-3. 2

다음 우선 연결은 1-2이지만 1이 변수 묶음의 끝에 있지 않으므로 부적합. 이어지는 우선 연결 3-4, 4-5, 2-4, 1-6, 5-6, 1-3, 3-5도 마찬가지로 적합하지 않다.

▶ 끝잇기 알고리즘(endlink) R 코드: Hurley(2004)

PCP

다음 우선 연결 2-5는 적합하다. 이에 따라 변수 묶음은 2-5-1-4-6-3 이 된다 (or 3-6-4-1-5-2). 모든 변수들이 연결되었으므로 끝.

▶ 끝잇기 알고리즘(endlink) R 코드: Hurley(2004)

V					
4	PCP	Sepal.	Sepal.	Petal.	Petal.
		Length	Width	Length	Width
	Sepal.Length	1.00	-0.12	0.87	0.82
	Sepal.Width	-0.12	1.00	-0.43	-0.37
	Petal.Length	0.87	-0.43	1.00	0.96
	Petal.Width	0.82	-0.37	0.96	1.00

Petal_Length - Petal_Width

Sepal_Length - Petal_Length - Petal_Width

Sepal.Width - Sepal.Length - Petal.Length - Petal.Width

▶ 끝잇기 알고리즘(endlink) R 코드: Hurley(2004)

```
library(gclus)
round(cor(iris[,1:4]),2)
order <- order_endlink(cor(iris[,1:4]))
order
round(cor(iris[,order]),2)
parallel(~iris[,c(order)])
```

2. 차원축소에 의한 시각화

▶ 주성분분석(principal component analysis)

다변량 자료 분석의 근본 문제는 차원 수가 크다는 데서 비롯되므로 차원 수를 줄이기 위한 방법

▶사영(projection)

- □ p─차원 공간에 놓이는 표준화 변환 관측개체들을 1차원 공간으로 축소시키는 방법
- : p—차원 공간의 단위 벡터에 내려진 x_1 , x_2 …. x_n 의 그림자는 $(x_1^t u) u$,… $, (x_n^t u) u$

▶ 차원축소(dimension Reduction)

제곱크기(squared norm)의 보정 평균을 최대화함으로써 사영으로 인한 손실을 최소화

maximize
$$\sum_{i=1}^{n} (x_i^t u)^2/(n-1)$$
 with respect to (w.r.t.) u subject to $u^t u = 1$.
$$\sum_{i=1}^{n} x_i x_i^t/(n-1) \quad (=R), \quad \text{여기서 } R \in \text{ 상관해렬}$$
 $R u_1 = \lambda_1 u_1, \quad u_1^t u_1 = 1.$ $x_1^t u_1, \cdots, x_n^t u_1$ $(x_1^t u_1, x_1^t u_2), \cdots, (x_n^t u_1, x_n^t u_2)$

▶ 주성분 부하(principal component loadings)

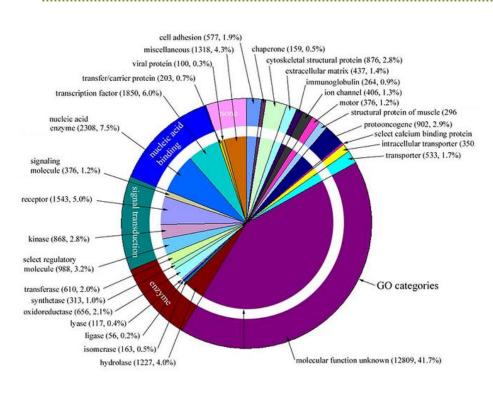
```
변수 1…..변수p 의 위치점 
1차원 공간 u_{11}, \cdots, u_{1p} 
2차원 공간 (u_{11}, u_{21}), \cdots, (u_{1p}, u_{2p})
```

▶ 주성분분석 R 함수

princomp(x, cor=T)

- 여기서 x는 다변량 자료행렬이고 cor=T이면 상관 행렬 분해(표준화 변환)를, cor=F이면 공분산행렬 분해(중심화 변환)를 지시
- 출력 객체(object)에 주성분 점수는 scores에, 주 성분 부하는 loadings에 남는다.

▶ 주성분 분석 예제(PCA) : 유럽 국가들의 종류별 단백질 섭취 자료를 분석



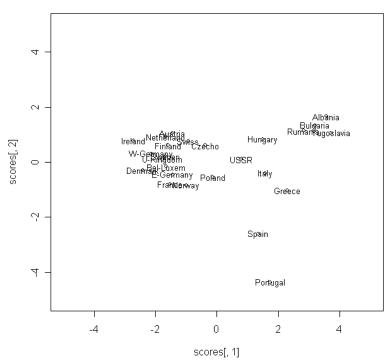
- Albania, Austria, …, Yugoslavia 등 25개(= n) 나라
- 변수: Beef, Chicken, Egg, Milk, Fish, Cereal, Potato, Bean, Fruit 등 9개(= p) 단백질 종류

▶ 주성분 분석 예제(PCA) : R 프로그램

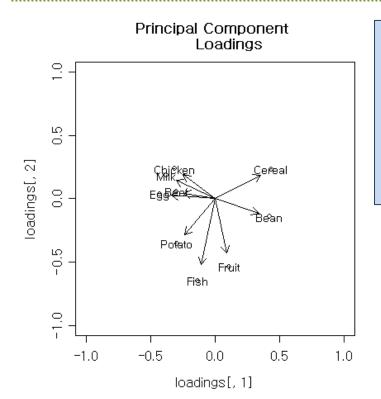
```
protein (- read_table("protein_txt", header=T)
           protein
pca (- princomp(protein[,2:10], cor=T)
pca
names(pca)
pca$loadings[.1:2]
pca$scores[.1:2]
attach(pca)
plot(scores[,2] ~ scores[,1], main = "Principal Component Space".
xlim=c(-5.5), ylim=c(-5.5)
text(y=scores[.2], x=scores[.1], label=protein$Country, cex=0.8)
x11()
plot(loadings[,2] \sim loadings[,1], main = "Principal Component"
Loadings", x = c(-1.1), y = c(-1.1)
text(y=loadings[,2], x=loadings[,1], label=colnames(protein[,2:10]),
                       cex=0.8)
for (i in 1:9) {arrows(0.0.0.8*loadings[i.1].0.8*loadings[i.2], length = 0.1)}
```

▶ 주성분 분석 출력결과 (principal component space)

Principal Component Space



▶ 주성분 분석 출력결과 (principal component loadingss)



- 아래 약간 오른쪽에 포르투갈과 스페인이 있는데 이들은 생선(fish), 콩(bean), 그리고 과일(fruit) 섭취로 특성화된다.
- 그리스와 이탈리아는 콩(bean) 섭취와 관 련이 깊다.

3. 공간자료의 표현

▶ 공간자료(special data)

$$\{(x_1, y_1, z_1), \cdots, (x_n, y_n, z_n)\}$$

- (x_i, y_i)는 2차원 평면상의 위치 좌표를 나타내고 z_i 는 그 위치점에서의 특성값
- 위치점 집합이 그리드(grid)로 표현되는 경우

$$\left\{\,\left(\,x_{\,j\,k}\,,y_{\,j\,k}\,\right)\,:\,x_{\,j\,k}\,=\,a_{1}\,+\,h_{1}\,j\,,\,y_{\,j\,k}\,=\,a_{2}\,+\,h_{2}\,k\,\right\}_{j\,\,=\,\,0,\,1,\,\cdots,\,n_{\,1},\,\,k\,\,=\,\,0,\,1,\,\cdots,\,n_{\,2}}$$

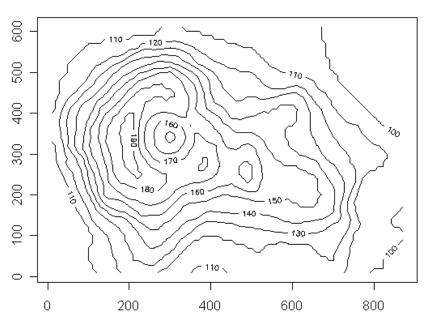
▶ 공간자료의 시각화 예제

Auckland의 Maunga Whau 화산의 87x61 그리드 상에서의 고도

```
x \( - 10*(1:87); y \( - 10*(1:61) \)
contour(x,y,volcano,main="Maunga Whau")
image(x,y,volcano,main="Maunga Whau")
filled.contour(x,y,volcano,main="Maunga Whau")
persp(x, y, volcano,phi=30,theta=30,scale=F,main="Maunga Whau")
```

▶ 공간자료의 시각화 예제 (출력결과)

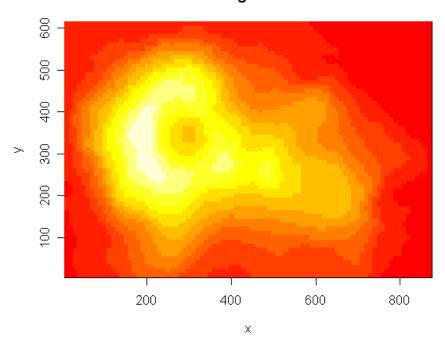
Maunga Whau



volcano 자료에 대한 등고선도

▶ 공간자료의 시각화 예제 (출력결과)

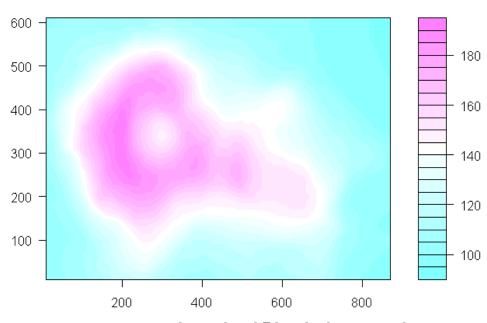
Maunga Whau



volcano 자료에 대한 이미지 그래프

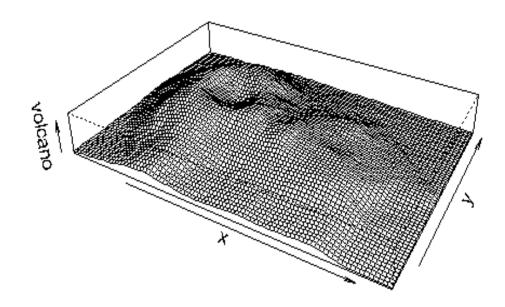
▶ 공간자료의 시각화 예제 (출력결과)

Maunga Whau



volcano 자료에 대한 칼라 등고선도

▶ 공간자료의 시각화 예제 (출력결과)



volcano 자료에 대한 전망도(perspective plot)

다음시간안내

웹을 이용한 동적·대화형 데이터 시각화 1