

고급 그래픽 기법(1)

이화여대 통계학과 이은경교수

목 차

- 1. 빅데이터 시각화란?
- 2. R을 이용한 빅데이터 시각화
- 3. R GUI 소개
- 4. gWidget을 이용한 R GUI 구현



1 빅데이터 시각화란?



빅데이터 시각화

- 빅데이터: 대량의 정형, 비정형의 자료
- 빅데이터 분석은 이러한 자료로 부터 정보를 추출하고 결과를 분석하는 기술뿐
 아니라 결과의 전달을 위해 필요한 기술들을 모두 포함
- 빅데이터로부터 유용한 정보를 추출하고 이를 시각화하여 알기 쉽게 정보를 전달하는 기술이 중요해짐
- Infovis, Infographics, data visualization, statistical graphics,
 visual analytics 등의 다양한 용어와 분야들이 생겨남
- 자료로부터 추출된 정보를 그림으로 표현하여 효과적으로 전달해야 함
- 복잡한 자료를 가능한 간결하고 명확하게 그림으로 표현해야 함
- 기존의 방법으로는 한계가 있음

2 R을 이용한 빅데이터 시각화



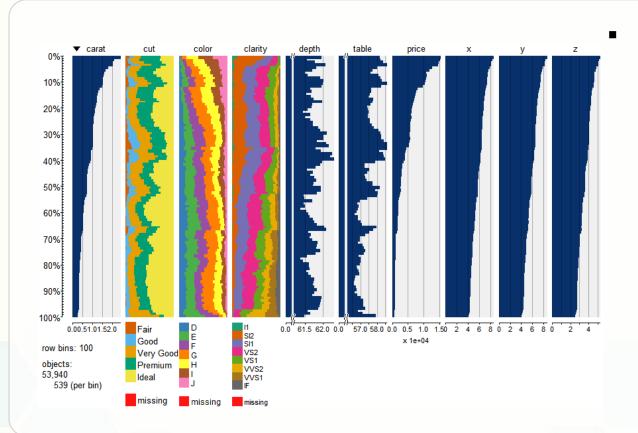
tabplot

- 대용량 자료를 특정 변수에 따라 범주화 한 후 각 범주에 따라 정리한 자료를 시각화하는 방법
- 하나의 열은 하나의 변수를 나타내며 각 행은 범주를 나타냄
- 연속변수: 각 범주의 평균을 막대그래프 형태로 나타냄
- 범주형 변수 : 누적막대그래프의 형태로 나타냄
- R의 기본 라이브러리가 아니므로 사용 전에 설치해야 함
- 범주형 변수와 연속변수를 함께 표현할 수 있음

diamonds 자료

- 53940개의 다이아몬드에 대한 자료
- ggplot2라이브러리에 내장
 - − carat : 무게− table : 가장 넓은 면의 폭
 - cut: 커팅 기술 (Fair/Good/Very Good/Premium/Ideal)
 - color: 원석의 색 (D/E/F/G/I/J)
 - clarity : 원석의 투명도(IF, VVS2,VVS1,VS2,VS1,SI2, SI1,I1)
 - price: 가격
 - x,y,z: 다이아몬드의 길이, 폭, 깊이
 - depth : 깊이의 비율 = 2*z/(x+y)

tabplot



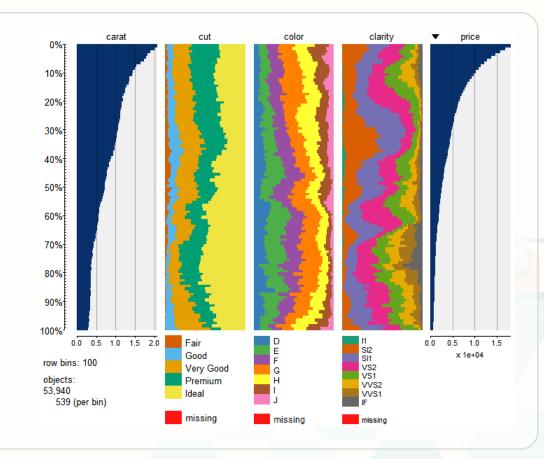
첫번째 변수(carat)을 기준으로 자료전체를 순서화하고 이 값을 기준으로 범주로 나누어 그린 그림

- > library(tabplot)
- > tableplot(diamonds)

tabplot

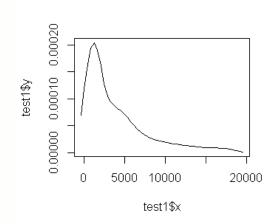
- Select 옵션을 이용하여 변수를 선택
- sortCol 옵션을 이용하여 정렬기준변수를 선택

- > tableplot(diamonds,
- + select=c(carat,cut,color,clarity,price),
- + sortCol=price)



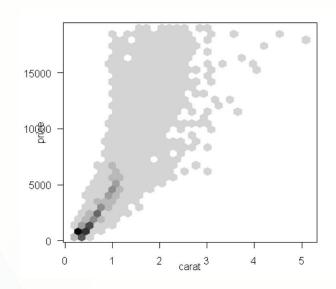
ash

- ash 라이브러리: averaged shifted histogram을 위하여 자료의 값을 범주화하고 범주 내의 분포함수 값을 계산해주는 함수를 제공
- bin1 : 자료를 범주화하기 위한 함수
- ash1: average shifted 방법을 이용하여 분포를 계산하는 함수
 - > library(ash)
 - > test1<-ash1(bin1(diamonds\$price,nbin=50),5)</pre>
 - [1] "ash estimate nonzero outside interval ab"
 - > plot(test1,type='l')



hexbin

2차원의 자료를 범주화하여 각 범주내의 관측수를 계산하는 함수 hexbin을
 제공

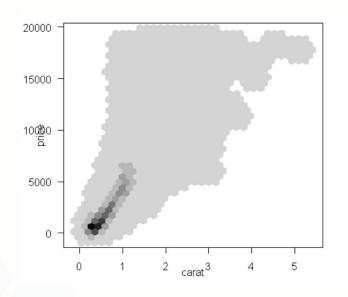


Counts

- > library(hexbin)
- > library("grid")
- > x <- diamonds\$carat
- > y <- diamonds\$price
- > bin <- hexbin(x,y)</pre>
- > plot(bin, xlab = "carat", ylab= "price")

hexbin

■ smooth.hexbin 함수: hexbin을 이용하여 범주화한 자료를 smoothing 기술을 이용하여 좀 더 부드러운 형태의 분포모양으로 바꿔주는 함수





- > smbin <- smooth.hexbin(bin)</pre>
- > plot(smbin, xlab = "carat", ylab = "price")

- 변수의 수가 늘어남에 따라 산점도 행렬의 크기는 점점 커지고 각 변수들 간의 관계를 살펴보기 힘들어짐
- 산점도 행렬로부터 각 산점도의 특징을 알아내기 위해 개발된 라이브러리
- 9가지 특성에 대한 값을 계산

− outlying : 특이점− skewed : 치우침

− clumpy : 자료의 뭉친 정도− sparse : 흩어짐

- striated : 줄무늬 - convex : 볼록한 정도

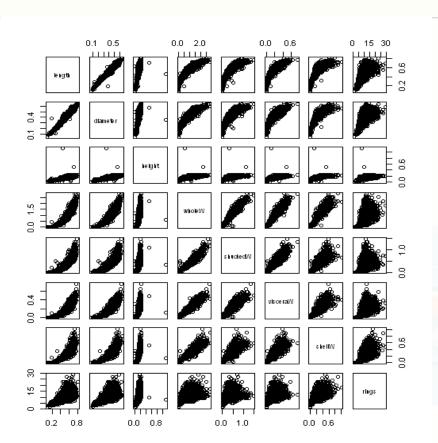
- skinny: 자료가 좁게 모여있는 정도

- stringy: 선을 이루고 있는 정도

- monotonic: 단조 증가/감소 여부

- abalone 자료의 산점도 행렬
- 28개의 산점도

> pairs(abalone[, -1])

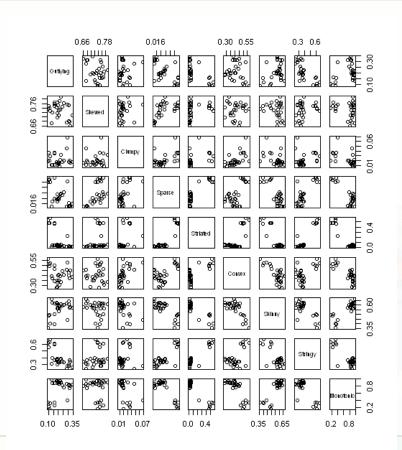


- Scagnostics 함수를 이용
- 9개 특성 *(산점도 수)의 행렬형태로 표시됨

```
> library(scagnostics)
> scag.abalone < - scagnostics(abalone[,-1])
> round(t(scag.abalone),2)
                    Outlying Skewed Clumpy Sparse Striated Convex Skinny Stringy Monotonic
length * diameter
                      0.13
                               0.67
                                       0.01
                                               0.02
                                                       0.02
                                                              0.40
                                                                      0.66
                                                                              0.31
                                                                                      0.97
length * height
                      0.31
                               0.75
                                       0.02
                                               0.02
                                                       0.01
                                                              0.43
                                                                      0.61
                                                                              0.28
                                                                                      0.85
                      0.28
diameter * height
                               0.67
                                       0.05
                                               0.02
                                                       0.01
                                                              0.46
                                                                      0.62
                                                                              0.24
                                                                                      0.87
length * wholeW
                      0.18
                               0.74
                                       0.02
                                               0.02
                                                       0.05
                                                              0.28
                                                                      0.63
                                                                              0.37
                                                                                      0.94
diameter * wholeW
                      0.19
                               0.77
                                       0.01
                                               0.02
                                                       0.04
                                                               0.33
                                                                      0.62
                                                                              0.37
                                                                                       0.94
shellW * rings
                       0.16
                               0.75
                                       0.04
                                               0.03
                                                       0.46
                                                               0.50
                                                                      0.39
                                                                              0.60
                                                                                       0.35
attr(,"class")
[1] "scagnostics"
```

 Scagnostics의 계산결과를 쉽게 파악하기 위하여 9가지 특성을 변수로, 각 변수 쌍의 산점도를 관측으로 하여 산점도 행렬을 그려볼 수 있음

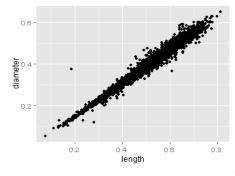
> pairs(t(scag.abalone))

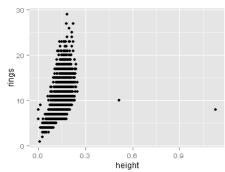


■ scagnosticsOutliers 함수: scagnostics 결과의 특이점을 찾아줌

- > Notnormal.plot <- scagnosticsOutliers(scag.abalone)
- Notnormal.plot[Notnormal.plot]length * diameter height * ringsTRUE TRUE
- > round(scag.abalone[, Notnormal.plot], 4)

	length * diameter	height * rings
Outlying	0.1339	0.2912
Skewed	0.6724	0.7568
Clumpy	0.0110	0.0685
Sparse	0.0151	0.0241
Striated	0.0186	0.2238
Convex	0.3959	0.5294
Skinny	0.6644	0.4386
Stringy	0.3112	0.2838
Monotonic	0.9748	0.3999





3 R GUI 소개



R 그래픽 사용자 인터페이스 (R GUI)

- R은 커맨드 라인 사용자 인터페이스를 기반으로 하여 R의 시행을 위해서는 명령어들을 입력해야 함
- R GUI를 위한 패키지들이 개발되어 있어 R에서도 GUI를 구현할 수 있음
- tcltk
 - 스크립트 언어인 Tcl과 Tk GUI tool kit을 R에서 사용할 수 있도록 개발된 라이브러리
 - 비교적 간단한 프로그래밍으로 GUI 구현이 가능
- RGtk2
 - GUI를 만들기 위한 툴킷 라이브러리인 Gimp tool kit(GTK)을 R에서 이용할 수 있도록 개발된 라이브러리

4 gWidget을 이용한 R GUI 구현



gWidgets

- gWidgets
 - tcltk, RGkt2 등의 GUI를 위한 R 라이브러리에 대하여 독립적인 GUI를 만들 수 있도록 하는 API를 제공하는 라이브러리.
 - R에서의 GUI 프로그래밍을 훨씬 간편하게 만들어줌
 - > library(gWidgets)
 - > options("guiToolkit"="RGtk2")

gcheckbox

■ 체크상자를 만들기 위한 함수

- > win.1 <- gwindow("Sample checkbox")</pre>
- > tmp<-gframe("Favorate color", cont=win.1)</pre>
- > checkbox.1<-gcheckbox("White", cont=tmp)</pre>
- > checkbox.2<-gcheckbox("Black", cont=tmp)</pre>
- > checkbox.3<-gcheckbox("Red", cont=tmp)</pre>
- > checkbox.4<-gcheckbox("Green", cont=tmp)</pre>
- > checkbox.5<-gcheckbox("Blue", cont=tmp)</pre>
- > checkbox.6<-gcheckbox("Pink", cont=tmp)</pre>
- > checkbox.7<-gcheckbox("Yellow", cont=tmp)</pre>



```
> svalue(checkbox.1);
[1] TRUE
> svalue(checkbox.2);
[1] FALSE
> svalue(checkbox.3);
[1] FALSE
> svalue(checkbox.4);
[1] FALSE
> svalue(checkbox.5);
[1] TRUE
> svalue(checkbox.6);
[1] FALSE
> svalue(checkbox.7);
[1] FALSE
```

gedit

■ 문자 입력을 위한 GUI를 만들기 위한 함수

- > win.2 <- gwindow("Sample text input console")</pre>
- > tmp<-gframe("Enter text",cont=win.2)</pre>
- > edit.sample<-gedit("",cont=tmp)</pre>



- > svalue(edit.sample)
- [1] "This is Test"

gmenu

■ GUI의 메뉴를 만들기 위한 함수

- > win.3 <- gwindow("Sample menu")</pre>
- > menu.list<-list()
- > menu.list\$AA\$handler = function(h,...) print("A")
- > menu.list\$BB\$handler = function(h,...) print("B")
- > menu.list\$CC\$C1\$handler = function(h,...) print("C1")
- > menu.sample < -gmenu(menu.list,cont=win.3)



gtext / gstatusbar

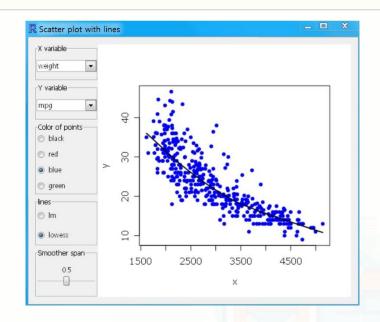
- gtext: 문자 입력 에디터를 만들기 위한 함수
- gstatusbar : GUI의 상태표시바를 만들기 위한 함수
 - > win.4 <- gwindow("Sample gtext and gstatusbar")</pre>
 - > #tmp<-gframe("Text Editor",cont=win.4)</pre>
 - > text.sample<-gtext("Type here!",cont=win.4)</pre>
 - > statusbar.sample < -gstatusbar("Typing here...",cont=win.4)
 - > svalue(statusbar.sample) < "Still typing..."

- > svalue(text.sample)
- [1] "Type here!₩nEnter your new article here!!"



예제: simpleXYplotGui

- X변수의 선택
- Y변수의 선택
- 점의 색 선택
 - black/red/blue/green
- 선의 형태 선택
 - Im/lowess
- lowess에서 smoother span 선택
 - 0 에서 1 사이의 실수
- XY 산점도



■ 기본 GUI 정의

```
> library(gWidgets)
> options("guiToolkit"="RGtk2")
> simpleXYplotGui<- function(sam.data) {
+
+ win <- gwindow("Scatter plot with lines")
+
+ gp <- ggroup(horizontal=FALSE, cont=win)
+
+ availVars <- colnames(sam.data)</pre>
```

■ X / Y 변수 선택

- 점의 색 선택
 - black/red/blue/green
- 선의 형태 선택
 - Im/lowess

```
+ tmp <- gframe("Color of points", container=gp, expand=TRUE)
+ colchoose <- gradio(c("black","red","blue","green"), cont=tmp,
+ handler =updatePlot)
+ tmp <- gframe("lines", container=gp, expand=TRUE)
+ linechoose <- gradio(c("lm","lowess"), cont=tmp,
+ handler =updatePlot)</pre>
```

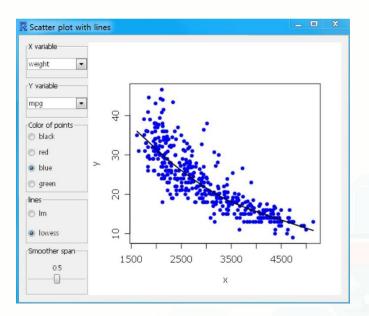
- lowess에서 smoother span 선택
 - 0 에서 1 사이의 실수
- 그래프를 위한 윈도우 설정

```
+ tmp <- gframe("lowess span", container=gp, expand=TRUE)
+ spanAdjust <- gslider(from=0,to=1,by=.01, value=0.5,
+ cont=tmp, expand=TRUE, handler =updatePlot)
+</pre>
```

■ updatePlot : GUI 입력값에 따라 XY 산점도를 새롭게 그리는 이벤트를 다루는 함수

■ simpleXYplotGui 실행

> simpleXYplotGui(autompg)





고급 그래픽기법(2)