

Referências

- ALEXANDER, H. J. et al. Parallel evolution and vicariance in the guppy (*Poecilia reticulata*) over multiple spatial and temporal scales. *Evolution*, v. 60, p. 2352–2369, 2006. Citado na página 33.
- ARAÚJO, M. S. et al. Body size and allometric shape variation in the molly *Poecilia vivipara* along a gradient of salinity and predation. *BMC Evol. Biol.*, v. 14, n. 1, p. 1–11, 2014. Citado na página 93.
- AVISE, J. C. *Phylogeography: the history and formation of species*. USA: Harvard University Press, 2000. Citado 3 vezes nas páginas 31, 33 e 39.
- AVISE, J. C. *Molecular markers, natural history, and evolution*. 2. ed. Sunderland: Sinauer Associates, 2004. Citado na página 41.
- AVISE, J. C. et al. Intraspecific Phylogeography: The Mitochondrial DNA Bridge Between Population Genetics and Systematics. *Annu. Rev. Ecol. Syst.*, v. 18, n. 1, p. 489–522, 1987. Citado na página 30.
- BANDELT, H. J.; FOSTER, P.; ROEHL, A. Median -joining networks for inferring intraspecific phylogenies. *Mol. Ecol.*, v. 16, p. 37–48, 1999. Citado na página 73.
- BIDEGAIN, P. *Lagoas do Norte Fluminense - perfil ambiental*. Rio de Janeiro: Fundação Superintendência de Rios e Lagoas (SERLA), 2002. Citado na página 19.
- BILLOTTE, N.; RISTERUCCI, A.; BAURENS, C. Microsatellite-enriched libraries: applied methodology for the development of SSR markers in tropical crops. *Fruits*, v. 54, n. 4, p. 277–288, 1999. Citado na página 45.
- BIZERRIL, C. R. S. F.; da S PRIMO, P. B. *Peixes de águas Interiores do Estado do Rio de Janeiro*. Rio de Janeiro: Fundação de Estudos do Mar, 2001. 417 p. Citado na página 19.
- BROWN, K. L. Demographic and genetic characteristics of dispersal in the mosquitofish, *Gambusia affinis* (Pisces: Poeciliidae). *Copeia*, v. 3, n. 3, p. 597–612, 1985. Citado na página 92.
- BROWN, W.; WRIGHT, J. Mitochondrial DNA and the origin of parthenogenesis in whiptail lizards (*Cnemidophorus*). *Herpetol. Rev.*, v. 6, p. 70–71, 1975. Citado na página 29.
- CAO, L. et al. Genetic population structure in *Siniperca scherzeri* (Perciformes: Siniperca) in China inferred from mitochondrial DNA sequences and microsatellite loci. *Biochem. Syst. Ecol.*, Elsevier Ltd, v. 51, p. 160–170, dec 2013. Citado na página 16.
- CAVALLI-SFORZA, L. L. Population structure and human evolution. *Proc. R. Soc. L. B.*, v. 164, n. 995, p. 362–79, 1966. Citado na página 71.
- CHEssel, D.; DUFOUR, A. B.; THIOULOUSE, J. The ade4 package-I- One-table methods. *R news*, v. 4, p. 5–10, 2004. Citado 2 vezes nas páginas 74 e 75.

- CLEMENT, M.; POSADA, D.; CRANDALL, K. A. TCS: a computer program to estimate gene genealogies. *Mol. Ecol.*, v. 9, p. 1657–1659, 2000. Citado na página 73.
- COELHO, V. *Paraíba do Sul, um rio estratégico*. Rio de Janeiro: Casa da Palavra, 2012. 336 p. Citado na página 17.
- CRESTE, S.; NETO, A. T.; FIGUEIRA, A. Detection of single sequence repeat polymorphisms in denaturing polyacrylamide sequencing gels by silver staining. *Plant Mol. Biol. Report.*, v. 19, p. 299–306, 2001. Citado 2 vezes nas páginas 43 e 47.
- CUNHA, S. B. da et al. *Geomorfologia do Brasil*. 2. ed. Rio de Janeiro: BCD União de editoras, 2001. 392 p. Citado na página 17.
- ENDLER, J. A.; JAN, N. Natural Selection on Color Patterns in *Poecilia reticulata*. *Evolution*, v. 34, n. 1, p. 76–91, 1980. Citado na página 15.
- EPPELSON, B. *Geographical genetics*. [s.n.], 2003. v. 38. 356 p. Citado 3 vezes nas páginas 67, 68 e 69.
- EWING, B.; GREEN, P. Base-calling of automated sequencer traces using phred. II. Error probabilities. *Genome Res.*, v. 8, n. 3, p. 186–194, 1998. Citado na página 34.
- EXCOFFIER, L.; LISCHER, H. E. L. Arlequin suite ver 3.5: A new series of programs to perform population genetics analyses under Linux and Windows. *Mol. Ecol. Resour.*, v. 10, p. 564–567, 2010. Citado 3 vezes nas páginas 34, 73 e 74.
- EXCOFFIER, L. et al. Analysis of Molecular Variance Inferred From Metric Distances Among DNA Haplotypes: Application. *Genetics*, v. 491, p. 479–491, 1992. Citado 3 vezes nas páginas 71, 74 e 82.
- FELSENSTEIN, J. PHYLIP- Phylogeny Inference Package (Version 3.2). *Cladistics*, v. 5, p. 164–166, 1989. Citado na página 75.
- FERRANI, A. M. T. *Efeitos ecotoxicológicos de xenobióticos (Nanotubo de carbono, carbofurano e mercúrio) sobre lambari (Astyanax sp.) e Poecilia vivipara*. 71 p. Tese (Doutorado) — APTA – Secretaria de Agricultura e Abastecimento, 2015. Citado na página 15.
- FRANKHAM, R.; BALLOU, J. D.; BRISCOE, D. A. *Introduction to conservation genetics*. Cambridge: Cambridge University Press, 2002. Citado na página 67.
- FREELAND, J. R. *Molecular Ecology*. Reino Unido: John Wiley Sons, 2005. Citado na página 15.
- GALLOWAY, W. D. Process Framework for describing the morphologic and stratigraphic evolution of deltaic depositional systems. *Deltas, Model. Explor.*, p. 86–98, 1975. Citado na página 18.
- GOUDET, J. HIERFSTAT, a package for R to compute and test hierarchical F -statistics. *Mol. Ecol. Notes*, v. 5, p. 184–186, 2005. Citado na página 74.
- GUICHOUX, E. et al. Current trends in microsatellite genotyping. *Mol. Ecol. Resour.*, v. 11, n. 4, p. 591–611, 2011. Citado 2 vezes nas páginas 41 e 44.

- HANCOCK, J. M. Microsatellites and other simple sequences: genomic context and mutational mechanisms. In: GOLDSTEIN, D.; SCHLÖTTERER, C. (Ed.). *Microsatellites Evol. Appl.* New York: Oxford University Press Inc, 1999. cap. 1, p. 1–9. Citado na página 42.
- HARTL, D. L.; CLARK, A. G. *Principles of Population Genetics*. 4. ed. Sunderland, Massachusetts: Sinauer Associates, 2007. Citado na página 35.
- HOUDE, A. E. *Sexual Selection and Mate Choice in Guppies*. Princeton, New Jersey: Princeton University Press, 1997. Citado 2 vezes nas páginas 14 e 15.
- HOWARD, J. H.; MORGAN, R. P. Allozyme variation in the mottled sculpin (*Cottus bairdi*): a test of stream capture hypotheses. *Copeia*, n. 3, p. 870–875, 1993. Citado na página 14.
- KING, D. G. Triple Repeat DNA as a Highly Mutable Regulatory Mechanism. *Science*, v. 263, n. 5147, p. 595–596, 1994. Citado na página 42.
- LEE, W.-J. et al. Structure and evolution of Teleost mitochondrial control regions. *J Mol Evol*, v. 41, p. 54–66., 1995. Citado na página 39.
- LEMEY, P.; SALEMI, M.; VAMDAMME, A. *The phylogenetic handbook*. [S.l.: s.n.], 2009. 723 p. Citado na página 30.
- LI, Y.-C. et al. Microsatellites: genomic distribution, putative functions, and mutational mechanism: a review. *Mol. Ecol.*, v. 11, p. 253–256, 2002. Citado na página 42.
- LITT, M.; LUTY, J. A. A hypervariable microsatellite revealed by in vitro amplification of a dinucleotide repeat within the cardiac muscle action gene. *Am. J. Hum. Genet.*, v. 44, p. 397–401, 1989. Citado na página 16.
- LU, G.; BASLEY, D. J.; BERNATCHEZ, L. Contrasting patterns of mitochondrial DNA and microsatellite introgressive hybridization between lineages of lake whitefish (*Coregonus clupeaformis*); relevance for speciation. *Mol. Ecol.*, v. 10, p. 965–985, 2001. Citado na página 16.
- LUCINDA, P. H. F. Family Poeciliidae,. In R. E. Reis, S. O. Kullander, & C. J. Ferraris, eds. Check list of the freshwater fishes of South and Central America. In: REIS, R. E.; KULLANDER, S. O.; FERRARIS, C. J. (Ed.). *Check List Freshw. Fishes South Cent. Am.* Porto Alegre: EDIPUCRS, 2003. p. 555–581. Citado na página 19.
- MA, H.; O'FARRELL, P. H. Selfish drive can trump function when animal mitochondrial genomes compete. *Nat. Genet.*, Nature Publishing Group, v. 48, n. 7, p. 798–802, 2016. Citado na página 39.
- MAGURRAN, A. E. *Evolutionary Ecology: The Trinidadian Guppy*. [S.l.]: OUP Oxford, 2005. 206 p. Citado 2 vezes nas páginas 14 e 15.
- MALÉCOT, G. *Mathematiques de l'heredite*. [S.l.]: Masson, 1948. Citado na página 68.
- MANSFIELD, D. et al. *Automation of genetic linkage analysis using fluorescent microsatellite markers*. 1994. 225–233 p. Citado na página 43.

- MARTIN, L. et al. *Geologia do quaternário costeiro do litoral Norte do Rio de Janeiro e do Espírito Santo*. Belo Horizonte: CPRM, 1997. Citado na página 19.
- MATTOS, J. J. et al. Differential gene expression in *Poecilia vivipara* exposed to diesel oil water accommodated fraction. *Mar. Environ. Res.*, v. 69 Suppl, p. S31–S33, 2010. Citado na página 15.
- MCGLASHAN, D. J.; HUGHES, M. Reconciling patterns of genetic variation with stream structure, earth history and biology in the Australian freshwater fish. *Mol. Ecol.*, v. 9, p. 1737–1751, 2000. Citado 2 vezes nas páginas 13 e 14.
- MONTEIRO, L. R. Morphological divergence patterns among populations of *Poecilia vivipara* (Teleostei Poeciliidae): test of an ecomorphological paradigm. p. 799–812, 2008. Citado 5 vezes nas páginas 14, 19, 20, 21 e 93.
- MONTEIRO, L. R.; GOMES-JR., J. L. Morphological divergence rate tests for natural selection: Uncertainty of parameter estimation and robustness of results. *Genet. Mol. Biol.*, v. 28, n. 2, p. 345–355, 2005. Citado na página 20.
- MURILLO, V. C. *Distribuição sedimentar na plataforma continental interna e suas implicações para o desenvolvimento das cristas de praia na desembocadura do Rio Paraíba do Sul*. 97 p. Tese (Doutorado) — Universidade Federal Fluminense, 2008. Citado na página 18.
- NEI, M. Analysis of gene diversity in subdivided populations. *Proc. Natl. Acad. Sci.*, v. 70, p. 3321–3323, 1973. Citado 2 vezes nas páginas 34 e 70.
- NEI, M. *Molecular Evolutionary Genetics*. [S.l.]: Columbia University Press, 1987. Citado 2 vezes nas páginas 35 e 74.
- NIELSEN, R.; SLATKIN, M. *An Introduction to Population Genetics, Theory and applications*. Sunderland, Massachusetts: Sinauer Associates, 2013. 287 p. Citado 3 vezes nas páginas 43, 67 e 69.
- NORDLIE, F. G.; HANEY, D. C.; WALSH, S. J. Comparisons of salinity tolerances and osmotic regulatory capabilities in populations of sailfin molly (*Poecilia latipinna*) from brackish and fresh waters. *Copeia*, v. 1992, n. 3, p. 741–746, 1992. Citado na página 15.
- OETTING, W. S. et al. *Linkage analysis with multiplexed short tandem repeat polymorphisms using infrared fluorescence and M13 tailed primers*. 1995. 450–458 p. Citado na página 43.
- PARADIS, E. pegas: an R package for population genetics with an integrated–modular approach. *Bioinformatics*, v. 26, p. 419–420, 2010. Citado 2 vezes nas páginas 35 e 48.
- PARADIS, E.; CLAUDE, J.; STRIMMER, K. APE: analyses of phylogenetics and evolution in R language. *Bioinformatics*, v. 20, p. 289–290, 2004. Citado 2 vezes nas páginas 35 e 48.
- PARENTI, L. R.; RAUCHEMBERGER, M. The Ecology and Evolution of Poeciliid Fishes (Poeciliidae). In: MEFFE, A.; SNELSON, F. F. (Ed.). New Jersey: Meffe, A. & Snelson, F. F., eds, Prentice Hall, 1989. cap. Systematic, p. 3–12. Citado na página 15.

- POSADA, D.; CRANDALL, K. A. Intraspecific gene genealogies: trees grafting into networks. *Trends Ecol. Evol.*, v. 16, p. 37–45, 2001. Citado na página 73.
- POWERS, D. A. Fish as model system. *Science*, v. 246, n. 4928, p. 352–358, 1989. Citado na página 14.
- R Core Team. *R: A Language and Environment for Statistical Computing*. Vienna, Austria: R Foundation for Statistical Computing, 2016. <https://www.r-project.org>. Citado 2 vezes nas páginas 35 e 48.
- ROUSSET, F. Genetic differentiation and estimation of gene flow from F-statistics under isolation by distance. *Genetics*, v. 145, n. 4, p. 1219–1228, 1997. Citado 3 vezes nas páginas 71, 74 e 82.
- RUSSELL, S. T. et al. Kin Structure and Shoal Composition Dynamics in the Guppy, *Poecilia reticulata* Kin structure in the guppy, dynamics and shoal composition *Poecilia reticulata*. v. 106, p. 520–526, 2004. Citado na página 93.
- SALZBURGER, W.; EWING, G. B.; HAESELER, A. von. The performance of phylogenetic algorithms in estimating haplotype genealogies with migration. *Mol. Ecol.*, v. 20, p. 1952–1963, 2011. Citado 2 vezes nas páginas 34 e 73.
- SANTOS, C. P. et al. Redescription of *Ascocotyle* (*Ascocotyle*) *felippei* Travassos, 1928 (Digenea: Heterophyidae) with new synonymies. *J. Parasitol.*, v. 93, n. 6, p. 1468–1475, 2007. Citado na página 15.
- SIMÕES, S. B. E.; BARBOSA, H. S.; SANTOS, C. P. The life history of *Pygidiopsis macrostomum* Travassos, 1928 (Digenea: Heterophyidae). *Mem. Inst. Oswaldo Cruz*, v. 104, n. 1, p. 106–111, 2009. Citado na página 15.
- SLATKIN, M. Isolation by distance in equilibrium and non-equilibrium populations. *Evolution*, v. 47, p. 264–279, 1993. Citado 3 vezes nas páginas 70, 74 e 82.
- SONG, N. et al. Development of polymorphic microsatellite loci for a new fish species, Chinese sillago (*Sillago sinica*). *Genet. Mol. Res.*, v. 15, n. 2, p. 3–6, 2016. Citado na página 63.
- STREISINGER, G. et al. Frameshift Mutations and the Genetic Code. *Cold Spring Harb Symp Quant Biol*, v. 31, p. 77–84, 1966. Citado na página 41.
- TEMPLETON, A. R.; CRANDALL, K. A.; SING, C. F. A cladistic analysis of phenotypic associations with haplotypes inferred from restriction endonuclease mapping and DNA sequence data. III. Cladogram estimation. *Genetics*, v. 132, p. 619–633, 1992. Citado na página 73.
- TOBLER, M. Divergence in trophic ecology characterizes colonization of extreme habitats. *Biol. J. Linn. Soc.*, v. 95, p. 517–528, 2008. Citado na página 15.
- TONHATTI, C. H. *Análise da variação molecular de Poecilia vivipara (Cyprinodontiformes: Poeciliidae)*. 66 p. Tese (Mestrado) — Universidade Estadual de Campinas, 2012. Citado 8 vezes nas páginas 20, 21, 23, 29, 33, 34, 35 e 39.

- TREXLER, J. C. .; TRAVIS, J.; TREXLER, M. Phenotypic Plasticity in the Sailfin Molly , *Poecilia latipinna* (Pisces : Poeciliidae). II . Laboratory Experiment. *Evolution* , v. 44, n. 1, p. 157–167, 2014. Citado na página [15](#).
- VIEIRA, E. R. R. et al. Cellular proliferation in the gills of guppies exposed to pequi ethanolic extracts. *Rev. Biol. Neotrop*, v. 11, n. 1, p. 58–70, 2014. Citado na página [15](#).
- WICANDER, R.; MONROE, J. S. *Fundamentos de Geologia*. Sao Paulo: Cengage Learning, 2009. 508 p. Citado na página [18](#).
- XU, J. et al. Development and characterization of simple sequence repeat markers providing genome-wide coverage and high resolution in maize. *DNA Res.*, v. 20, n. 5, p. 497–509, 2013. Citado na página [41](#).