

# R per l'analisi statistica multivariata

Unità D: analisi descrittiva dei dati DDE

**Tommaso Rigon**

**Università Milano-Bicocca**



## Argomenti affrontati

- Frequenze assolute, relative
- La funzione di ripartizione
- Rappresentazioni grafiche (boxplot, istogrammi)
- Indici di posizione (media, mediana, quantili)
- Esercizi **R** associati: [https://tommasorigon.github.io/introR/exe/es\\_2.html](https://tommasorigon.github.io/introR/exe/es_2.html)

# Il problema epidemiologico

- Il **DDT** è estremamente efficace contro le zanzare da malaria ed è pertanto largamente usato in zone in cui la malaria è endemica.
- Al tempo stesso, il DDT potrebbe costituire un **rischio per la salute**, specialmente nel caso di **donne in gravidanza**.
- Per un campione di  $n = 2312$  donne in gravidanza, viene misurato il dde, ovvero una sostanza connessa al DDT, presente nel siero materno durante il terzo trimestre della gravidanza.
- La variabile GAD (Gestational Age at Delivery) misura invece a quale giorno della gravidanza è avvenuto il parto.
- **Domanda di ricerca:** la quantità di DDE è maggiore tra donne che hanno partorito prematuramente?

# I dati grezzi (editor di testo)

"DDE", "GAD"

24.56,292

15.56,289

54.8,252

15,285

33.54,281

22.68,283

25.02,277

31.85,284

37.45,293

32.27,277

31.43,280

27.37,255

15.23,261

31.23,289

54.39,296

18.11,260

79.7,297

15.68,270

# Importazione dei dati dde

- Per poter procedere con i prossimi comandi, è necessario scaricare il file `dde.csv` e salvarlo nel proprio computer.
- **Link al file:** <https://tommasorigon.github.io/introR/data/dde.csv>.
- In alternativa, possiamo semplicemente ottenerli usando il link:

---

```
dde <- read.table("https://tommasorigon.github.io/introR/data/dde.csv", header = TRUE,
                  sep = ",") # Scarica il file da internet

str(dde)
# 'data.frame':      2312 obs. of  2 variables:
# $ DDE: num  24.6 15.6 54.8 15 33.5 ...
# $ GAD: int  292 289 252 285 281 283 277 284 293 277 ...
```

---

- Si noti la presenza di una nuova **tipologia di variabile**, ovvero integer, ovvero **numeri interi**.

# Operazioni preliminari

- Un totale di 361 donne hanno **partorito prematuramente**, ovvero prima della conclusione della 37a settimana.
- Per verificare questo, dividiamo la variabile DDE in due gruppi.

---

```
dde_preterm <- dde$DDE[dde$GAD < 37 * 7] # Gruppo parto prematuro
dde_non_preterm <- dde$DDE[dde$GAD >= 37 * 7] # Gruppo parto non prematuro

length(dde_preterm) # Numerosità campionaria gruppo 1
# [1] 361
length(dde_non_preterm) # Numerosità campionaria gruppo 2
# [1] 1951
```

---

- Il primo gruppo (variabile `dde_preterm`) fa riferimento ai parti prematuri e comprende 361 osservazioni.
- Il secondo gruppo (variabile `dde_non_preterm`) considera i parti non prematuri e comprende le restanti 1951 osservazioni.

# Suddivisione in intervalli

- Per sintetizzare i dati tramite **frequenze**, possiamo suddividere l'intervallo che contiene tutti i valori osservati (ovvero (0, 180]) in un certo numero di **sotto-intervalli**.
- In primo luogo, definiamo i 10 sotto-intervalli di lunghezza 18, chiusi a destra tramite il comando cut:

---

```
breaks <- 18 * (0:10) # Definizione degli intervalli. Usiamo 10 intervalli di lunghezza 18.
```

```
dde_preterm_class <- cut(dde_preterm, breaks = breaks)
dde_non_preterm_class <- cut(dde_non_preterm, breaks = breaks)
```

```
head(dde_preterm_class)
# [1] (54,72] (18,36] (18,36] (0,18] (0,18] (18,36]
# 10 Levels: (0,18] (18,36] (36,54] (54,72] (72,90] (90,108] (108,126] ... (162,180]
```

---

- In questo modo, abbiamo trasformato una variabile **numeric** in una variabile **factor**.

# Frequenze assolute

- Le **frequenze assolute**  $n_1 \dots, n_k$  si ottengono quindi tramite il comando `table`, il quale ha senso di essere applicato su variabili di tipo `factor`.
- La funzione `table` **conteggia** quante volte una determinata modalità compare nel vettore.
- Eseguiamo questa operazione per entrambi i gruppi di dati:

---

```
freq_abs_preterm <- table(dde_preterm_class)
freq_abs_preterm
# dde_preterm_class
#   (0,18]  (18,36]  (36,54]  (54,72]  (72,90]  (90,108]  (108,126]
#         68       164       65       34       14       10       3
# (126,144] (144,162] (162,180]
#         1         1         1
```

```
freq_abs_non_preterm <- table(dde_non_preterm_class)
freq_abs_non_preterm
# dde_non_preterm_class
#   (0,18]  (18,36]  (36,54]  (54,72]  (72,90]  (90,108]  (108,126]
#       573       906       308       91       40       19       6
# (126,144] (144,162] (162,180]
#         5         2         1
```

---



# Frequenze relative

- Una volta ottenute le frequenze assolute, è possibile calcolare le **frequenze relative**.
- Sebbene sia possibile usare comando `prop.table` (lo re-incontreremo in seguito), qui seguiamo una via più diretta.
- Si ricordi infatti che  $n = n_1 + \dots + n_k$ , pertanto possiamo ottenere le frequenze relative  $f_j = n_j/n$  come segue:

---

```
freq_rel_preterm <- freq_abs_preterm / sum(freq_abs_preterm)
round(freq_rel_preterm, digits = 3)
# dde_preterm_class
#   (0,18]   (18,36]   (36,54]   (54,72]   (72,90]   (90,108] (108,126]
#   0.188    0.454    0.180    0.094    0.039    0.028    0.008
# (126,144] (144,162] (162,180]
#   0.003    0.003    0.003
```

```
freq_rel_non_preterm <- freq_abs_non_preterm / sum(freq_abs_non_preterm)
round(freq_rel_non_preterm, digits = 3)
# dde_non_preterm_class
#   (0,18]   (18,36]   (36,54]   (54,72]   (72,90]   (90,108] (108,126]
#   0.294    0.464    0.158    0.047    0.021    0.010    0.003
# (126,144] (144,162] (162,180]
#   0.003    0.001    0.001
```

---

# Organizzazione dei risultati

- Raccogliamo quindi i risultati appena ottenuti all'interno di una matrice, per poterli visualizzare meglio.

```
tab_summary <- cbind(freq_abs_preterm, freq_abs_non_preterm,  
                     freq_rel_preterm, freq_rel_non_preterm)  
colnames(tab_summary) <- c(  
  "n_j prematura",  
  "n_j non prematura",  
  "f_j prematura",  
  "f_j non prematura"  
)
```

```
round(tab_summary, 3) # Visualizzazione dei risultati
```

| #           | n_j prematura | n_j non prematura | f_j prematura | f_j non prematura |
|-------------|---------------|-------------------|---------------|-------------------|
| # (0,18]    | 68            | 573               | 0.188         | 0.294             |
| # (18,36]   | 164           | 906               | 0.454         | 0.464             |
| # (36,54]   | 65            | 308               | 0.180         | 0.158             |
| # (54,72]   | 34            | 91                | 0.094         | 0.047             |
| # (72,90]   | 14            | 40                | 0.039         | 0.021             |
| # (90,108]  | 10            | 19                | 0.028         | 0.010             |
| # (108,126] | 3             | 6                 | 0.008         | 0.003             |
| # (126,144] | 1             | 5                 | 0.003         | 0.003             |
| # (144,162] | 1             | 2                 | 0.003         | 0.001             |
| # (162,180] | 1             | 1                 | 0.003         | 0.001             |

# Gli istogrammi I

- L'**istogramma** consente di rappresentare graficamente una distribuzione di frequenza. Per rinfrescare la memoria, si ricordi che nella sua versione più semplice si pone:

$$\begin{aligned}(\text{base rettangoli}) &= (\text{lunghezza intervalli}) \\ (\text{altezza rettangoli}) &= (\text{frequenze assolute})\end{aligned}$$

- Questa definizione **non è appropriata** se gli **intervalli** hanno **dimensioni diverse**.
- In tal caso, le altezze dei rettangoli devono essere **proporzionali** alla **densità** delle osservazioni nelle singole classi.
- Ricapitolando, costruiremo gli istogrammi ponendo

$$\begin{aligned}(\text{base rettangoli}) &= (\text{lunghezza intervalli}) \\ (\text{altezza rettangoli}) &= \lambda \times (\text{densità}) = \lambda \times \frac{(\text{frequenze assolute})}{(\text{lunghezza intervalli})}\end{aligned}$$

dove tipicamente si pone  $\lambda = 1/n$ .

# Gli istogrammi II

- Concentriamoci inizialmente solo sul gruppo di **nascite non premature**, per capire il funzionamento della sintassi di R.

---

```
par(mfrow = c(1, 2)) # Divide il grafico in due parti

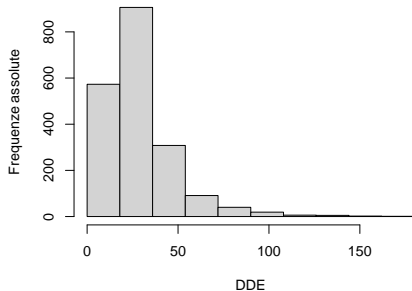
# Primo grafico, frequenze assolute
hist(dde_non_preterm,
      freq = TRUE,
      breaks = 10, # Utilizzo 10 sotto-intervalli
      # Da qui in poi stiamo solo aggiungendo dettagli estetici
      main = "Istogramma di DDE (nascite non premature)",
      xlab = "DDE",
      ylab = "Frequenze assolute"
)

# Secondo grafico, densità
hist(dde_non_preterm,
      freq = FALSE, # NON vengono usate le frequenze
      breaks = 10, # Utilizzo 10 sotto-intervalli
      # Da qui in poi stiamo solo aggiungendo dettagli estetici
      main = "Istogramma di DDE (nascite non premature)",
      xlab = "DDE",
      ylab = "Densità"
)
```

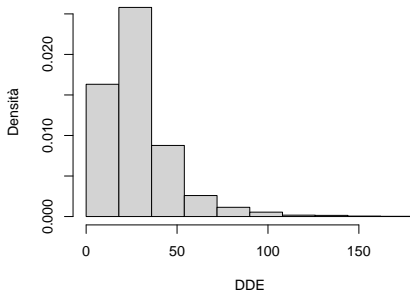
---

# Gli istogrammi II

Istogramma di DDE (nascite non premature)



Istogramma di DDE (nascite non premature)



- Istogramma basato sulle **frequenze assolute** (sinistra) e sulla **densità** (destra), solamente per il gruppo di nascite non premature.

# Gli istogrammi III

- **Nota.** Nel caso di intervalli **non equispaziati**, è obbligatorio utilizzare l'opzione `freq = FALSE`, altrimenti il grafico prodotto risulta privo di senso.

---

*# Definizione di intervalli NON equispaziati*

```
breaks <- c(5 * 0:10, 70, 90, 110, 130, 150, 170, 190)
```

*# GRAFICO CORRETTO*

```
hist(dde_non_preterm,  
     freq = FALSE,  
     breaks = breaks,  
     # Da qui in poi stiamo solo aggiungendo dettagli estetici  
     main = "GRAFICO CORRETTO", xlab = "DDE", ylab = "Densità"  
)
```

*# GRAFICO ERRATO*

```
hist(dde_non_preterm,  
     freq = TRUE, # NON vengono usate le frequenze  
     breaks = breaks,  
     # Da qui in poi stiamo solo aggiungendo dettagli estetici  
     main = "GRAFICO ERRATO", xlab = "DDE", ylab = "Frequenze assolute"  
)
```

*# Warning message:*

```
# In plot.histogram(r, freq = freq1, col = col, border = border, angle = angle, :  
# the AREAS in the plot are wrong -- rather use 'freq = FALSE'
```

# Gli istogrammi III

GRAFICO CORRETTO

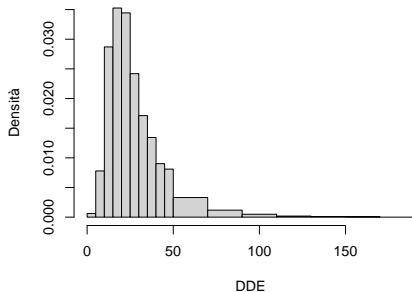
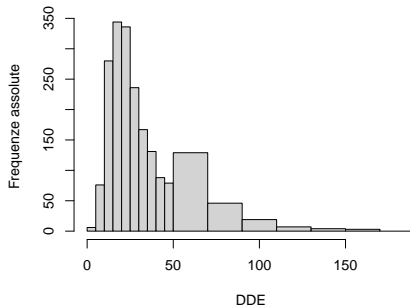


GRAFICO ERRATO



- Il grafico di sinistra è corretto e fa uso della nozione di **densità** spiegata in precedenza. Il grafico di destra è **errato**.
- Fortunatamente **R** ci avvisa tramite un “**warning**” che questa procedura è scorretta.

# Il numero di intervalli

- Un numero **troppo basso** di intervalli comporta una **perdita di informazione**.
- Viceversa, un numero **troppo alto** di intervalli comporta una **perdita di sintesi**.
- Si tenga presente che il **numero degli intervalli** deve dipendere dal **numero dei dati**.
- Sono state proposte varie formule per identificare il “numero ottimale” di intervalli. Vanno però prese come dei suggerimenti e non usate in maniera automatica.

- Sturges. Il numero di intervalli, approssimato all'intero più vicino, è

$$(\text{numero di intervalli}) = 1 + \log_2 n.$$

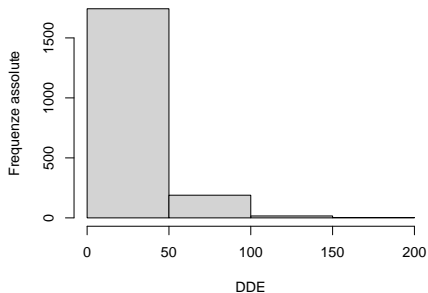
- Freedman & Diaconis. Il numero di intervalli, approssimato all'intero più vicino, è

$$(\text{numero di intervalli}) = \frac{x_{(n)} - x_{(1)}}{2(Q_{0.75} - Q_{0.25})} n^{1/3}.$$

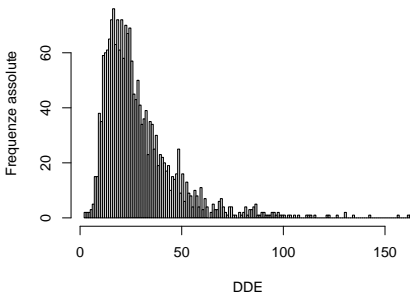


# Il numero di intervalli

Istogramma di DDE (nascite non premature)



Istogramma di DDE (nascite non premature)



- A sinistra viene mostrato un istogramma con troppi pochi intervalli (=4), a destra invece un istogrammi con troppi intervalli (=180).
- Esercizio. Si ottenga il grafico riportato in questa slide.

# Il numero di intervalli II

- Il numero “ottimale” di intervalli si può ottenere tramite i comandi seguenti:

---

```
nclass.Sturges(dde_non_preterm) # Regola di Sturges
# [1] 12
nclass.FD(dde_non_preterm) # Regola di Freedman e Diaconis
# [1] 54
```

---

- **Nota.** Il comando `hist` di **R**, se non viene specificato diversamente tramite l'opzione `breaks`, seleziona in automatico intervalli **equispaziati** tramite la regola di **Sturges**.

---

```
hist(dde_non_preterm, # Gruppo nascite non-premature
     freq = FALSE,
     main = "Istogramma di DDE (nascite non premature)"
)

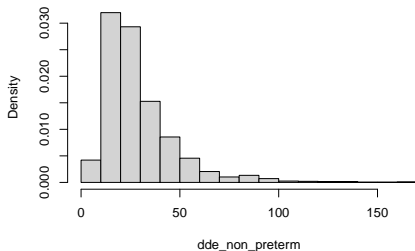
hist(dde_preterm, # Gruppo nascite premature
     freq = FALSE,
     main = "Istogramma di DDE (nascite premature)"
)
```

---

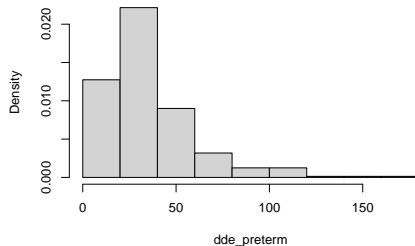
- Eventualmente, è possibile selezionare una regola diversa ponendo `breaks = "FD"`.

# Confronto tra le due distribuzioni

Istogramma di DDE (nascite non premature)



Istogramma di DDE (nascite premature)



- Questo grafico conclusivo consente finalmente di confrontare le due distribuzioni.
- La distribuzione di "nascite premature" risulta più spostata a destra.

# La funzione di ripartizione empirica I

- Una seconda rappresentazione grafica di uso frequente è la cosiddetta **funzione di ripartizione empirica**  $F(x)$ .
- Siano  $x_1, \dots, x_n$  una collezione di dati, allora definiamo

$$F(x) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n \mathbb{1}(x_i \leq x),$$

dove  $\mathbb{1}(x_i \leq x)$  è la **funzione indicatrice** e vale 1 se  $x_i \leq x$  e 0 se  $x_i > x$ .

- In **R**, si usa il comando `ecdf` (empirical cumulative distribution function), ad esempio:

---

```
ecdf(dde_non_preterm)
# Empirical CDF
# Call: ecdf(dde_non_preterm)
# x[1:1585] = 2.5, 2.95, 3.14, ..., 161.11, 162.29
```

---

# La funzione di ripartizione empirica II

- Il comando `ecdf` restituisce come oggetto una vera e propria **funzione**. Infatti:

---

```
F_non_preterm <- ecdf(dde_non_preterm)
```

```
F_non_preterm(c(20, 40, 60)) # Calcola la funzione di ripartizione empirica in 20, 40 e 60  
# [1] 0.3618657 0.8077909 0.9390056
```

```
sum(dde_non_preterm <= 40) / length(dde_non_preterm) # Comando "manuale" alternativo  
# [1] 0.8077909
```

---

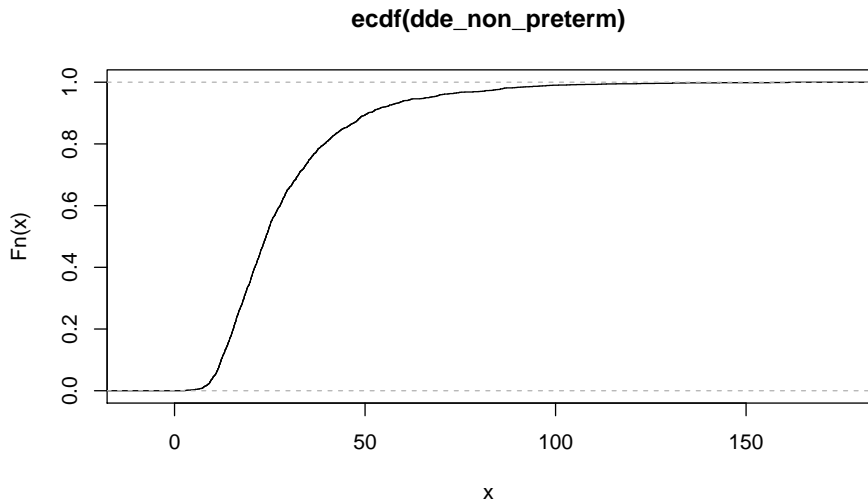
- Per farne un grafico, è inoltre sufficiente usare il comando `plot`:

---

```
par(mfrow=c(1,1))  
plot(ecdf(dde_non_preterm))
```

---

# La funzione di ripartizione empirica II



# La funzione di ripartizione empirica III

- Per poter confrontare le funzioni di ripartizione dei due gruppi, la sintassi è leggermente più elaborata:

---

```
plot(ecdf(dde_preterm), do.points = FALSE, col = "blue",  
     main = "Blu: parto prematuro. Rosso: parto non prematuro",  
     xlab = "DDE",  
     ylab = "F(DDE)"  
)
```

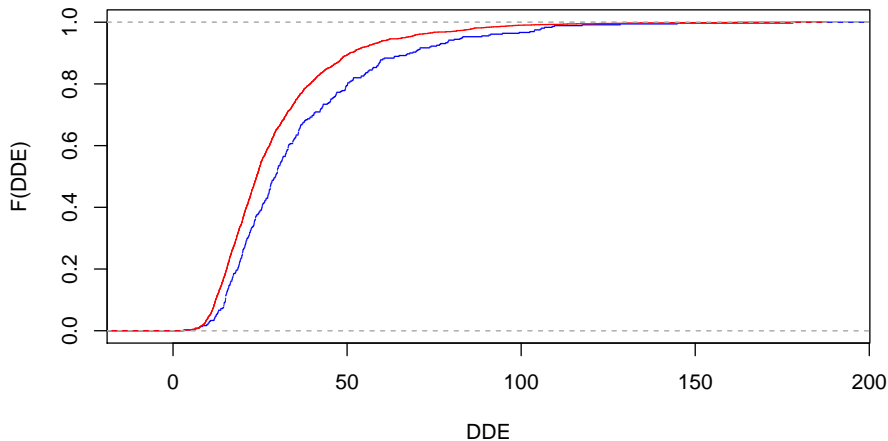
```
plot(ecdf(dde_non_preterm), col = "red", add = TRUE) # Aggiungo un secondo gruppo
```

---

- L'opzione `do.points = FALSE` omette i "pallini" nel grafico ed è stata aggiunta per ragioni esclusivamente **estetiche**.

# La funzione di ripartizione empirica III

**Blu: parto prematuro. Rosso: parto non prematuro**





# Indici di posizione: la media

- Per quantificare la differenza tra le due distribuzioni, vogliamo trovare le **medie aritmetiche** delle variabili `dde_preterm` e `dde_non_preterm`.
- In R ovviamente esiste un comando apposito:

---

```
mean(dde_preterm) # Media aritmetica di DDE per donne con parto prematuro
# [1] 36.20299
mean(dde_non_preterm) # Media aritmetica di DDE per donne con parto regolare
# [1] 29.14199
```

---

- Come ormai ampiamente rilevato, notiamo che il DDE è presente in quantità maggiore tra le donne che hanno partorito prematuramente.
- La media aritmetica poteva essere ottenuta anche a partire dai comandi che abbiamo incontrato nelle unità precedenti:

---

```
n <- length(dde_preterm) # Numerosità campionaria di dde_preterm (=361)
sum(dde_preterm) / n # Media aritmetica della variabile dde_preterm
# [1] 36.20299
```

---

# Indici di posizione: la mediana I

- La mediana (Me) di una variabile è il **valore centrale** della distribuzione, ovvero:

$$\text{Me} = \begin{cases} x_{(\frac{n+1}{2})}, & \text{se } n \text{ è dispari,} \\ (x_{(n/2)} + x_{(n/2+1)}) / 2, & \text{se } n \text{ è pari,} \end{cases}$$

dove  $x_{(1)}, \dots, x_{(n)}$  rappresenta il campione ordinato.

- In R esiste un comando apposito:

---

```
median(dde_preterm) # Mediana di DDE per donne con parto prematuro  
# [1] 29.46  
median(dde_non_preterm) # Mediana di DDE per donne con parto regolare  
# [1] 24.04
```

---

- Si noti (come mai?) che la funzione di ripartizione empirica, valutata nella mediana, è circa pari a 0.5.

---

```
F_non_preterm(median(dde_non_preterm))  
# [1] 0.5002563
```

---

# Indici di posizione: la mediana II

- La mediana di una variabile numerica si può anche ottenere “manualmente”.

---

```
x <- c(10, 20, 25, 3.5, 28, 62)
n <- length(x) # Numerosità campionaria
n # Si noti che n = 6 è pari
# [1] 6

x_sort <- sort(x) # Vettore ordinato dei valori di x
x_sort
# [1] 3.5 10.0 20.0 25.0 28.0 62.0

pos_med_1 <- n / 2 # Elemento in posizione n/2
pos_med_2 <- n / 2 + 1 # Elemento in posizione n/2+1

(x_sort[pos_med_1] + x_sort[pos_med_2]) / 2 # Mediana di x
# [1] 22.5

median(x) # Ovviamente, il risultato deve coincidere con:
# [1] 22.5
```

---

- **Esercizio.** Si ottenga la mediana “manualmente” nel caso in cui il vettore  $x$  ha un numero dispari di elementi.

# Indici di posizione: i quantili I

- Siano  $x_1, \dots, x_n$  un insieme di dati, sia  $p \in (0, 1)$  e sia  $F(x)$  la funzione di ripartizione empirica. Il **quantile- $p$**  è quindi pari a

$$Q_p = \inf\{x : F(x) \geq p\}.$$

- In R considerando  $p = (0.1, 0.25, 0.75, 0.9)$ , ovvero il primo decile, il primo quartile, il terzo quartile ed il nono decile, possiamo usare il comando `quantile`

---

```
quantile(dde_preterm, probs = c(0.1, 0.25, 0.75, 0.9), type = 1)
# 10% 25% 75% 90%
# 15.07 19.94 45.30 68.01
quantile(dde_non_preterm, probs = c(0.1, 0.25, 0.75, 0.9), type = 1)
# 10% 25% 75% 90%
# 12.23 16.73 35.45 50.72
```

---

- Esercizio.** Lo studente si convinca che l'implementazione "manuale" del comando `quantile` è la seguente:

---

```
min(dde_non_preterm[F_non_preterm(dde_non_preterm) >= 0.25])
# [1] 16.73
min(dde_non_preterm[F_non_preterm(dde_non_preterm) >= 0.75])
# [1] 35.45
```

---

# Indici di posizione: i quantili II

- **Nota.** La definizione di quantile che abbiamo fornito coincide con quella descritta nel corso Statistica I, ma non è l'unica possibile (Come mai? Si riveda Statistica I...).
- Tale definizione si ottiene con l'opzione `type = 1`, che tuttavia **non è il default**. Il valore predefinito è invece `type = 7`.
- Se siete curiosi di conoscere le varie definizioni di quantile, vi ricordo che la **documentazione** è consultabile tramite il comando: `? quantile`.
- **Esercizio.** Un difetto del quantile `type = 1` è che la mediana non sempre coincide con il quantile  $Q_{0.5}$ . Si trovi un esempio in questo accade e si verifichi che invece il problema viene risolto nel caso `type = 7`.

# Indici di posizione: i quantili III

- In R esistono in totale ben **9 modi** per calcolare i quantili.
- Fortunatamente, per numerosità campionarie elevate le **differenze** tendono ad essere **trascurabili**.
- Elenchiamo qui di seguito alcuni esempi per la variabile `dde_preterm`:

---

```
tab <- rbind(  
  quantile(dde_preterm, probs = c(0.1, 0.25, 0.5, 0.75, 0.9), type = 1),  
  quantile(dde_preterm, probs = c(0.1, 0.25, 0.5, 0.75, 0.9), type = 6),  
  quantile(dde_preterm, probs = c(0.1, 0.25, 0.5, 0.75, 0.9), type = 7),  
  quantile(dde_preterm, probs = c(0.1, 0.25, 0.5, 0.75, 0.9), type = 9)  
)  
rownames(tab) <- c(1, 6, 7, 9) # Cambia i nomi alle righe della tabella  
tab  
#      10%   25%   50%      75%    90%  
# 1 15.070 19.94 29.46 45.30000 68.010  
# 6 15.054 19.94 29.46 45.49000 68.738  
# 7 15.070 19.94 29.46 45.30000 68.010  
# 9 15.060 19.94 29.46 45.41875 68.465
```

---

- **Suggerimento**. Cosa fa `rbind`? Lo abbiamo incontrato nell'unità A.

# Il comando summary

- Per ottenere rapidamente le **principali statistiche descrittive** di una distribuzione (minimo, massimo, media, mediana e quartili), si usa spesso il comando `summary`:

---

```
summary(dde_preterm)
#      Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
#      3.17  19.94   29.46   36.20  45.30   178.06
summary(dde_non_preterm)
#      Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
#      2.50  16.73   24.04   29.14  35.40   162.29
```

---

- Il comando `summary` può anche essere usato direttamente su un oggetto di tipo `data.frame` producendo il seguente output:

---

```
summary(dde)
#           DDE           GAD
# Min.   : 2.50   Min.   :194.0
# 1st Qu.: 17.13   1st Qu.:267.0
# Median : 24.68   Median :277.0
# Mean   : 30.24   Mean   :274.9
# 3rd Qu.: 36.52   3rd Qu.:286.0
# Max.   :178.06   Max.   :315.0
```

---

# | boxplot |

- Una rappresentazione grafica alternativa agli istogrammi sono i **boxplot**.
- Le **statistiche descrittive** su cui si basano i boxplot si possono ottenere tramite il comando `boxplot.stats`, ovvero:

---

```
boxplot.stats(dde_preterm)
# $stats
# [1]  3.17 19.94 29.46 45.30 83.25
#
# $n
# [1] 361
#
# $conf
# [1] 27.35112 31.56888
#
# $out
# [1]  94.60  99.42 144.86 105.83  90.73 128.47  91.23 102.50 178.06  88.72 117.54
# [12] 108.90 106.70 105.48 109.55 103.88 103.77
```

---

- 
- `boxplot(dde_preterm, dde_non_preterm) # Produce il grafico`
-



# I boxplot II

