0410024 余東儒

1. Kmeans

(1)開檔 將 data point 分別存入 x 和 y,size 存#data points

```
fp=open("test1_data.txt","r")
str=fp.read()
x=[]
y=[]
i=0
size=0;
while str.find(' ',i)!=-1:
    x_end=str.find(' ',i)
    x.append(float(str[i:x_end-1]))
    y_end=str.find('\n',x_end)
    y.append(float(str[x_end+1:y_end-1]))
    i=y_end
    size=size+1
```

(2)ux,uy 為 u 的初始值, 這邊的初始方法為隨機挑選 k 個資料點

```
ux=[]
uy=[]
i=0
k=int(input("k clustering:"))
for i in range(k):
    rd=rand.randint(0,size-1)
    ux.append(x[rd])
    uy.append(y[rd])
```

(3)開始 kmeans clustering

r為每個資料點的判斷分類

ax,ay 為幫助最後計算 u 的暫存,分別($\Sigma r_{nk}x_n, \Sigma r_{nk}$)

xx,yy 存分類後的資料點,xx[k],yy[k]存分類 k 的資料點

checkux,checkuy 為計算收斂,當 checku 跟 u 一樣時代表收斂,結束 clustering

```
"""start clustering"""
while 1:
    checkux=copy.copy(ux)
    checkuy=copy.copy(uy)
    r=[]
    ax=[]
    ay=[]
    xx=[]
    yy=[]
    for i in range(k):
        ax.append((0,0))
        ay.append((0,0))
        xx.append([])
        yy.append([])
```

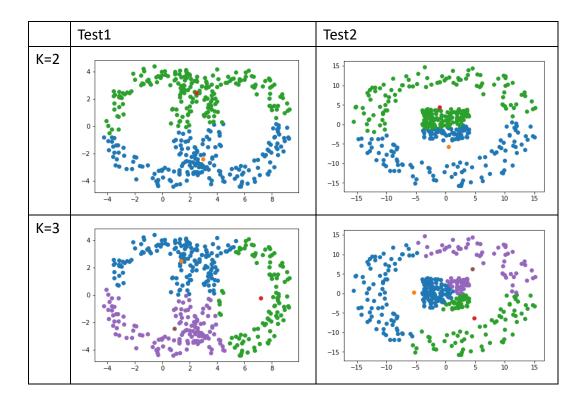
(4)開始計算每個 data point 到 u 的 distance

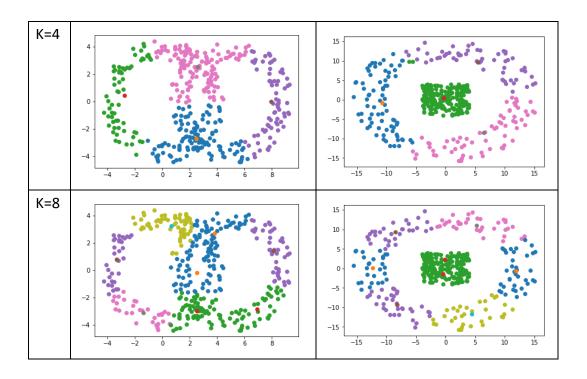
tmp 紀錄每個 data point 離最近 u 的分類 d 為 distance 初始值設成非常大算完之後,r 存最後的 tmp, xx.yy 將資料點存進第 tmp 個 list, ax.ay 更新

(5)做完 step(4)之後,用 ax,ay 算最新的 u 再來判斷是否跟 check 一樣,如果一樣就結束,不一樣就繼續執行程式

```
for i in range(k):
    ux[i]=ax[i][0]/ax[i][1]
    uy[i]=ay[i][0]/ay[i][1]
if ux==checkux and uy==checkuy:
    break
```

Result:





2. kernel kmeans

(1) 跟 kmeans 一樣先讀檔,存進 data list

```
x=[]
y=[]
data=[]
     e str.find(' ',i)!=-
x_end=str.find(' ',i
x.append(float(str[i
y_end=str.find('\n',
                       v.append(f
```

(2) Initial

這裡用的初始方法為隨機把所有 data points 指定成 k 類 xx 和 yy 一樣是存分類後的 data point r則是存分類的類別 count 紀錄每個類別的數量

$$\mu_k^{\phi} = \frac{1}{|C_k|} \sum_{n=1}^N \alpha_{kn} \phi(x_n)$$

a 則是計算 u 時用的參數,在這裡直接將 akn 跟 Ck 結合 c 則是 check 的功用,當 a 和 c 一樣時則代表收斂

```
yy=[]
for i in range(k):
    xx.append([])
yy.append([])
for i in range(size):
     rd=rand.randint(0,k-1)
     r[i]=rd
     count[rd]=count[rd]+1
for i in range(size):
    tmp=[@]*k
     tmp[r[i]]=1/count[rd]
     a[i]=tmp
     xx[r[i]].append(data[i][0])
yy[r[i]].append(data[i][1])
for i in range(k):
         plt.plot(xx[i],yy[i],'o')
plt.show()
c=copy.deepcopy(a)
```

(3) RBF kernel function:d1.d2 為兩資料點,

```
kernel(d1,d2):
return np.exp((pow(d1[0]-d2[0],2)+pow(d1[1]-d2[1],2))*0.05*(-0.5))
```

(4)開始進入 loop

r,xx,yy 每經過一次 iteration 都要歸零,只有 a 要留著上次 iteraion 的結果 third 為計算以下式子

$$\frac{1}{|C_k|^2} \sum_{p} \sum_{q} \alpha_{kp} \alpha_{kq} \mathbf{k}(x_p, x_q)$$

(5)

tmp 和 d 的作用一樣是存分類跟紀錄 distance: second 則是

$$\frac{2}{|C_k|} \sum_n \alpha_{kn} \mathbf{k}(x_j, x_n)$$

隨後將 data point 紀錄進 xx 和 yy 裡,更新 r 和 count

```
for i in range(size):
    tmp=0
    d=100000
    for j in range(k):
        second=0
        for n in range(size):
            second=second+a[n][j]*kernel(data[i],data[n])
        if kernel(data[i],data[i])-2*second+third[j] < d:
            dekernel(data[i],data[i])-2*second+third[j]
            xx[tmp].append(data[i][0])
        yy[tmp].append(data[i][1])
        r[i]=tmp
        count[tmp]=count[tmp]+1</pre>
```

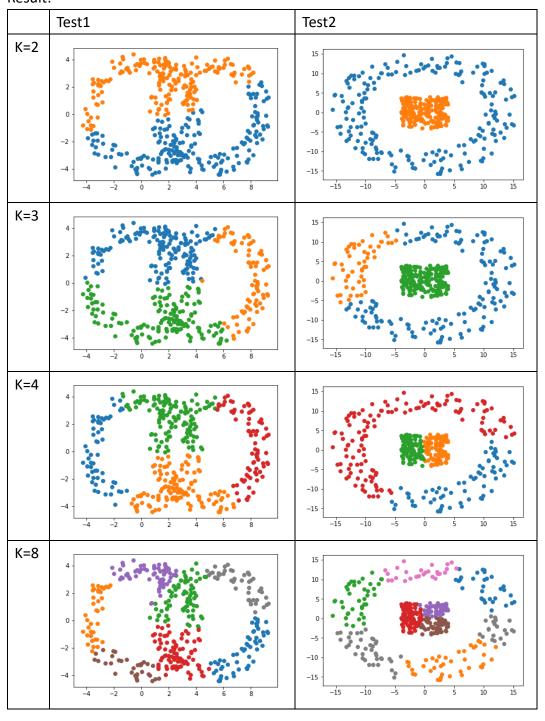
(6)

用 count 的結果更新 a

判斷 c 和 a 是否一樣,如果一樣則代表收斂,不一樣則繼續執行下個 iteration

```
for i in range(size):
    for j in range(k):
        if r[i]==j:
            a[i][j]=(1/count[r[i]])
        else:
            a[i][j]=0
if c==a:
    break
c=copy.deepcopy(a)
```

Result:



3. spectral clustering

(1)開檔

(2)計算 L,D,W 矩陣(皆為(size*size)

```
W=np.zeros((size,size), dtype=np.float)
D=np.zeros((size,size), dtype=np.float)
for i in range(size):
    tmp=0
    for j in range(size):
        W[i][j]=weight(data[i],data[j])
        tmp=tmp+weight(data[i],data[j])
    D[i][i]=tmp
L=D-W
```

Weight 函式一樣是用 RBF kernel

```
def weight(d1,d2):
    if d1==d2:
        return 0
    else:
        return np.exp((pow(d1[0]-d2[0],0)+pow(d1[0]-d2[1],0))*0.1
        *(-0.0))
```

(3) solve eigen problem

用 eig function 找 eigenvalue 和 eigenvector

用 argsort funtion 排序 eigen value 大小並且其相對應的 eigen vector

```
eigvalue,eigvector=eig(L)
newdata=list()
idx = eigvalue.argsort()
eigvec=list()
eigvalue = eigvalue[idx]
eigvector=eigvector[idx]
```

(4) U 矩陣(size*k)

將前 k 個 non-null eigenvalue 對應的 eigen vector 存入 U

```
U=np.zeros((size,k), dtype=np.float)
for i in range(size):
    for j in range(k=1):
        if j!=0:
        U[i][j-:]=eigvec[j][i]
```

(5) 做 kmeans clustering

u 為 k 個分類的初始中心點 u:k*k 以隨機的方式初始

```
u=[]
for i in range(k):
    u.append(())
for i in range(k):
        rd=rand.randint(0,size-1)
        uu=[]
        for j in range(k):
            uu.append(U[rd][j])
        u[i]=uu

kmeans(U,u,data,k)
```

Kmeans function

基本上做法跟第一題一模一樣 只是 a 的維度變成 k*k*2 a[分類][axis][計算 u 的分子和分母]

```
def kmeans(U,u,data,k):
    checku=copy.deepcopy(u)
    #z=[0,0]
    a=list()
    for i in range(k):
        a.append([])
        for j in range(k):
        a[i].append((a,v))
    #print(a[2][2])
    xx=[]
    yy=[]
    ss=[]
    dd=[]
    r=[0]*size
    for i in range(k):
        xx.append([])
    yy.append([])
    yy.append([])
    dd.append([])

for i in range(size):
    tmp=0
    d=100000
    for j in range(k):
        dd=0
        for l in range(k):
        d=dd
        tmp=j
    r[i]=tmp
    z[tmp]=z[tmp]+1
    #print(d)
    xx[tmp].append(data[i][0])
    yy[tmp].append(U[i][1])
    dd(tmp].append(U[i][1])
    for j in range(k):
        a[tmp][j]=(a[tmp][j][+U[i][0],a[tmp][j][0]+)
```

u一樣是k分類的中心點

flag 判斷是否收斂,若收斂則結束,否則繼續 kmeans