# Apresentação do Trabalho de Análise de Sobrevivência

Guilherme Mendes, Rafael Ribeiro e Tonny Barbosa

Universidade de Brasília

27/11/2018

### Análise de Sobrevivência

- Estuda informações relacionadas ao tempo até a ocorrência de um evento de interesse (falha).
- O tempo de vida dos indivíduos é afectado por variáveis que são observadas no estudo.
- O primeiro passo para iniciarmos esta análise consiste em ter uma base de dados.

Introdução

### Dados para Aplicação

A base que nos foi passasda pela professora Juliana provêm de uma coorte de 6.805 pacientes que foram submetidos a hemodiálise em 67 unidades de atendimento no Rio de Janeiro, no período de janeiro de 1998 a outubro de 2001. Os dados foram originados pelo sistema Apac (Autorização de Procedimentos de Alta Complexidade — DATASUS). Uma discussão detalhada do tema e da modelagem pode ser encontrada em Carvalho e cols. (2003). Cada paciente possui um registo que apresenta dados para cada variável. A tabela a seguir contém a descrição das variáveis.

### Variáveis

- unidade = número do centro de diálise
- idade = idade ao iniciar a diálise (0 a 97 anos)
- inicio = data do início da primeira diálise
- fim = data da interrupção do acompanhamento
- status = (0 = censura, 1 = obito)
- **tempo** = tempo de sobrevivência (meses) (fim inicio)
- causa = (hip = hipertensão, dia = diabetes, ren = renal, con = congênita, out = outras)
- grande = número de salas de diálise na unidade de tratamento: 0 = uma ou duas salas; e 1 = três salas ou mais
- cdiab = (1 = diabetes como causa da insuficiência renal e 0 = não)
- crim = (1 = causas renais e 0 = não)
- congenita = (1 = causas congênitas e 0 = não)

### Logo as variáveis ficaram da seguinte forma:

- unidade = número do centro de diálise
- idade = idade ao iniciar a diálise (0 a 97 anos)
- inicio = data do início da primeira diálise
- fim = data da interrupção do acompanhamento
- status = (0 = censura, 1 = obito)
- **tempo** = tempo de sobrevivência (meses) (fim inicio)
- grande = número de salas de diálise na unidade de tratamento: 0 = uma ou duas salas; e 1 = três salas ou mais
- cdiab = (1 = diabetes como causa da insuficiência renal e 0 = não)
- crim = (1 = causas renais e 0 = não)
- congenita = (1 = causas congênitas e 0 = não)
- hip = (1 = causas hipertensão e 0 = não)
- out = (1 = outras causas e 0 = não)

### Análise de Dados

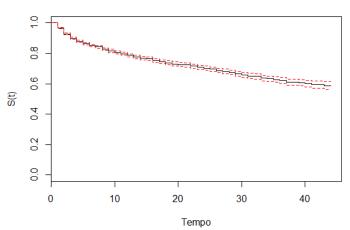
Primeiramente, fizemos uma análise exploratória dos dados. Criamos um histograma para ver a disposição dos dados da variável tempo:



Dado que os dados apresentaram censura, utilizaremos o estimador de Kaplan-Meier para estimar a função de sobrevivência.

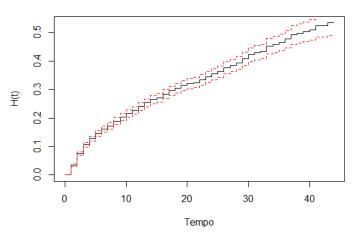
### Análise Exploratória

#### Função de Sobrevivência

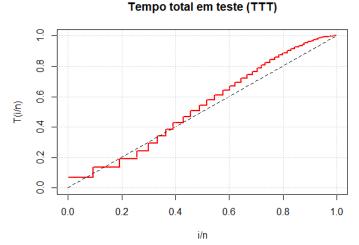


### Análise Exploratória

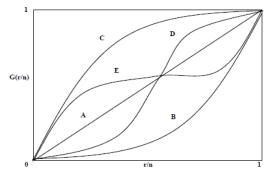
#### Função de risco acumulada



### Análise Exploratória



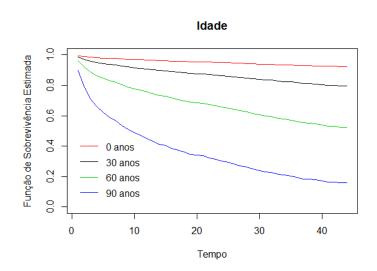
## Análise Exploratória



### Análise Exploratória de Cada Variável

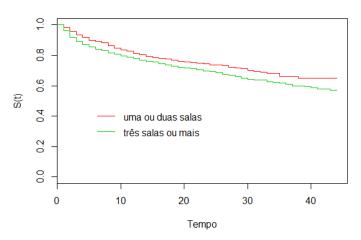
Fizemos uma análise exploratória de cada covariável com a variável resposta, ou seja, a estimativa do Kaplan-Meier e o gráfico TTT para cada fator de cada covariável. Porém a quantidade de gráficos ficou grande, então trouxemos apenas os KM.

### Análise Exploratória de Cada Variável (idade)

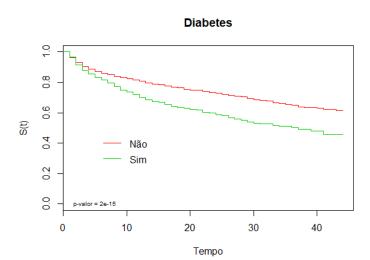


### Análise Exploratória de Cada Variável (grande)

#### Número de salas de diálise na unidade de tratamento

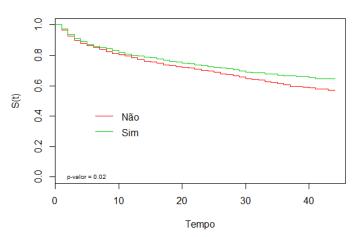


### Análise Exploratória de Cada Variável (diabetes)

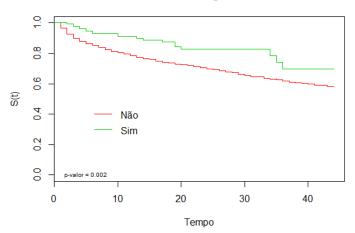


### Análise Exploratória de Cada Variável(causas renais)

#### Causas renais

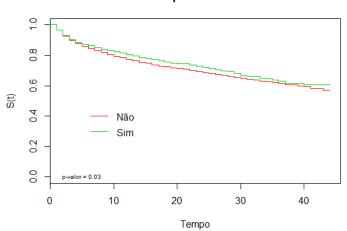


#### Causas congênitas



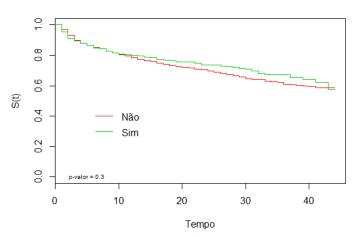
### Análise Exploratória de Cada Variável (hipertensão)

#### Hipertensão



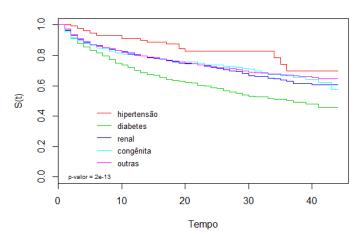
### Análise Exploratória de Cada Variável (outros)

#### **Outras causas**



### Análise Exploratória de Cada Variável (Causa)

#### Causa da insuficiência renal



Seleção da distribuição

### Análise da Distribuição

Após verificarmos cada KM e cada TTT de suas respectivas covariáveis vimos que houveram casos onde suspeitamos que a distribuição que poderia modelar o tempo de sobrevivência seria a Log-normal. Porém não temos certeza da distribuição. Então fizemos um estudo entre as distribuições estatísticas para modelar o tempo de sobrevivência: Exponencial, Weibull, Log-normal e Log-logística. Calculamos as regressões AIC, AICc e BIC para cada distribuição.

Seleção da distribuição

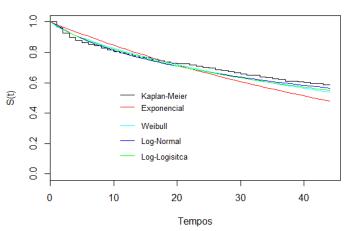
### Distribuição

Distribuição	AIC	AICc	BIC
Exponencial	16339.96	16339.97	16344.67
Weibull	16212.48	16212.48	16221.89
Log-normal	16017.70	16017.72	16027.12
Log-logístico	16156.33	16156.34	16165.74

Seleção da distribuição

### Ajuste do Modelo

### Ajuste dos modelos



Avaliação das variáveis

### Modelagem

- Dado que concluímos a análise exploratória dos dados e selecionamos uma distribuição, passamos para etapa de selecionar as variáveis que serão incluidas na modelagem estatística.
- Para verificarmos o ajuste utilizamos a função survreg.
  Primeiramente testamos as variáveis uma de cada vez. Logo após testamos os conjuntos e depois testamos as interações entre elas. Verificamos que o melhor modelo encontrado foi com as variáveis

grande+cdiab+congenita+grande\*congenita. Sendo que, nesse modelo a interacao de grande e congenita deu p-valor=0.024, assim foi considerada no modelo.

Avaliação das variáveis

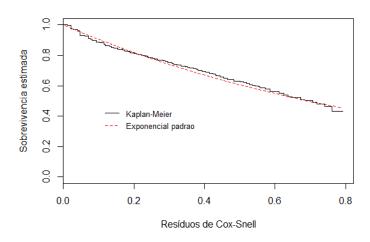
### Modelagem

Modelo final: A variável resposta **tempo** trouxe como explicação para o modelo mais ajustado as variáveis: grande, diabetes, congenita e a interação entre grande e congenita.

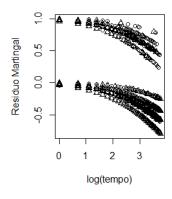
### Modelagem

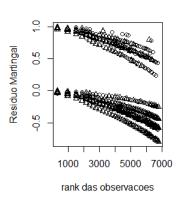
- Para validação dos resultados obtidos na realização de inferências para um determinado modelo é necessário verificar se ele é adequado. Para isso as técnicas de análise de resíduos e sensibilidade são algumas das formas para avaliar a adequabilidade dos modelos considerados.
- Em análise de sobrevivência os resíduos mais utilizados são os de Cox-Snell, martingal e deviance.

### Cox-Snell



### Martingal





### **Deviance**

