

Saeugetiere_Stoffwechsel_Logarithmisch

April 5, 2023

1 Beispiel: Lineare Regression nach Transformation mit Logarithmus

Wir verwenden einen Datensatz von Säugetieren und betrachten den Stoffwechsel (BasalMetRate_mLO2hr) in Abhängigkeit von dem Gewicht eines Säugetieres (AdultBodyMass_g). Führen wir “blind” eine Lineare Regression durch, so erhalten wir (immerhin) ein R^2 von ca. 0,6. Der Koeffizient für AdultBodyMass_g hat einen p-Wert $< 0,05$.

```
[1]: import pandas as pd
df = pd.read_csv("https://raw.githubusercontent.com/troeschew/datasets/master/
↳Saeugetiere.csv")
df
```

```
[1]:
```

	MSW05_Order	MSW05_Family	MSW05_Genus	MSW05_Species	\
0	Chiroptera	Mormoopidae	Pteronotus	quadridens	
1	Chiroptera	Vespertilionidae	Myotis	velifer	
2	Afrosoricida	Tenrecidae	Geogale	aurita	
3	Chiroptera	Mormoopidae	Mormoops	blainvillei	
4	Chiroptera	Natalidae	Natalus	tumidirostris	
..	
567	Artiodactyla	Camelidae	Camelus	dromedarius	
568	Carnivora	Ursidae	Ursus	maritimus	
569	Carnivora	Phocidae	Cystophora	cristata	
570	Artiodactyla	Cervidae	Capreolus	capreolus	
571	Carnivora	Phocidae	Leptonychotes	weddellii	

	MSW05_Binomial	AdultBodyMass_g	BasalMetRate_mLO2hr	Met-Gram	\
0	Pteronotus quadridens	5.64	6.12	1.085106	
1	Myotis velifer	9.82	7.70	0.784114	
2	Geogale aurita	6.69	7.72	1.153961	
3	Mormoops blainvillei	8.69	7.99	0.919448	
4	Natalus tumidirostris	6.30	8.31	1.319048	
..	
567	Camelus dromedarius	492714.47	40293.00	0.081778	
568	Ursus maritimus	371703.81	44346.00	0.119305	
569	Cystophora cristata	278896.81	62991.00	0.225858	
570	Capreolus capreolus	22502.01	78470.00	3.487244	

```
571 Leptonychotes weddellii      400000.00      113712.00  0.284280
```

```

      MaxLongevity_m
0          *
1      135.96
2          *
3          *
4          *
..         ...
567        480
568      458.4
569        420
570        204
571        300

```

```
[572 rows x 9 columns]
```

```
[2]: from statsmodels.formula.api import ols

model = ols("BasalMetRate_mL02hr~AdultBodyMass_g", data=df).fit()
model.summary()
```

```
[2]: <class 'statsmodels.iolib.summary.Summary'>
      """
                                OLS Regression Results
=====
Dep. Variable:      BasalMetRate_mL02hr      R-squared:                0.573
Model:                OLS      Adj. R-squared:            0.572
Method:              Least Squares      F-statistic:              764.9
Date:                Wed, 05 Apr 2023      Prob (F-statistic):       2.05e-107
Time:                04:46:29      Log-Likelihood:          -5714.3
No. Observations:    572      AIC:                    1.143e+04
Df Residuals:        570      BIC:                    1.144e+04
Df Model:              1
Covariance Type:      nonrobust
=====
===
                                coef      std err          t      P>|t|      [0.025
0.975]
-----
---
Intercept            626.0711      225.473        2.777      0.006      183.212
1068.930
AdultBodyMass_g      0.1247        0.005       27.658      0.000        0.116
0.134
=====
Omnibus:                811.543      Durbin-Watson:           1.020
```

Prob(Omnibus):	0.000	Jarque-Bera (JB):	332623.128
Skew:	7.177	Prob(JB):	0.00
Kurtosis:	120.261	Cond. No.	5.10e+04

=====

Notes:

[1] Standard Errors assume that the covariance matrix of the errors is correctly specified.

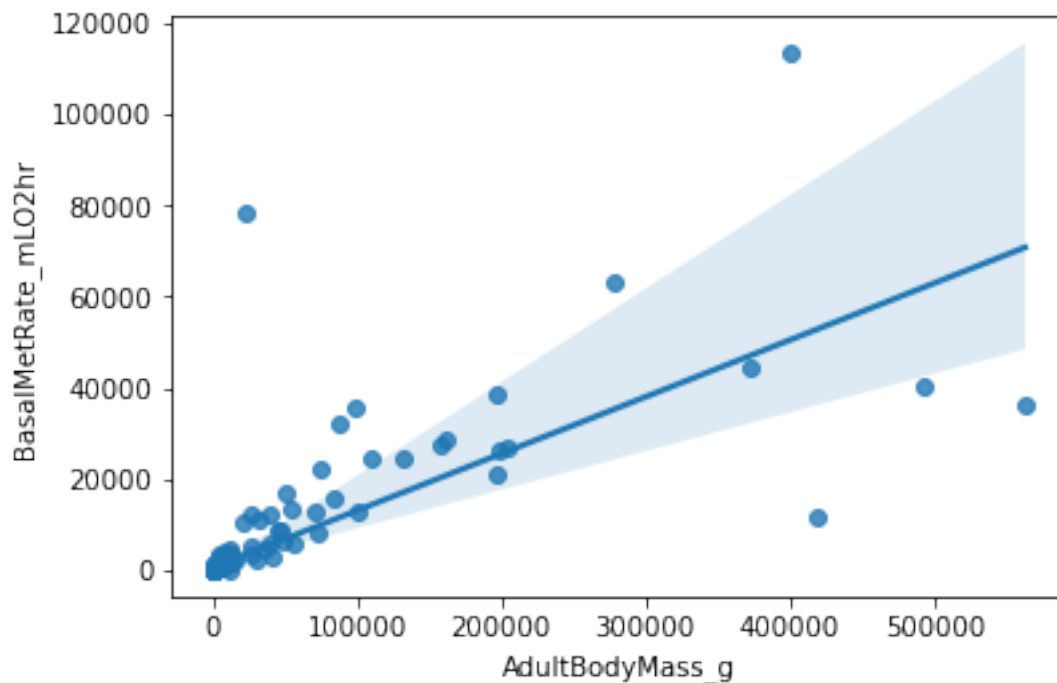
[2] The condition number is large, 5.1e+04. This might indicate that there are strong multicollinearity or other numerical problems.

"""

Ein Scatterplot zeigt allerdings, dass die Daten hier sehr streuen, und zwar zunehmend mit dem Körpergewicht (Heteroskedastizität).

```
[3]: import seaborn as sns
sns.regplot(x=df.AdultBodyMass_g, y=df.BasalMetRate_mLO2hr)
```

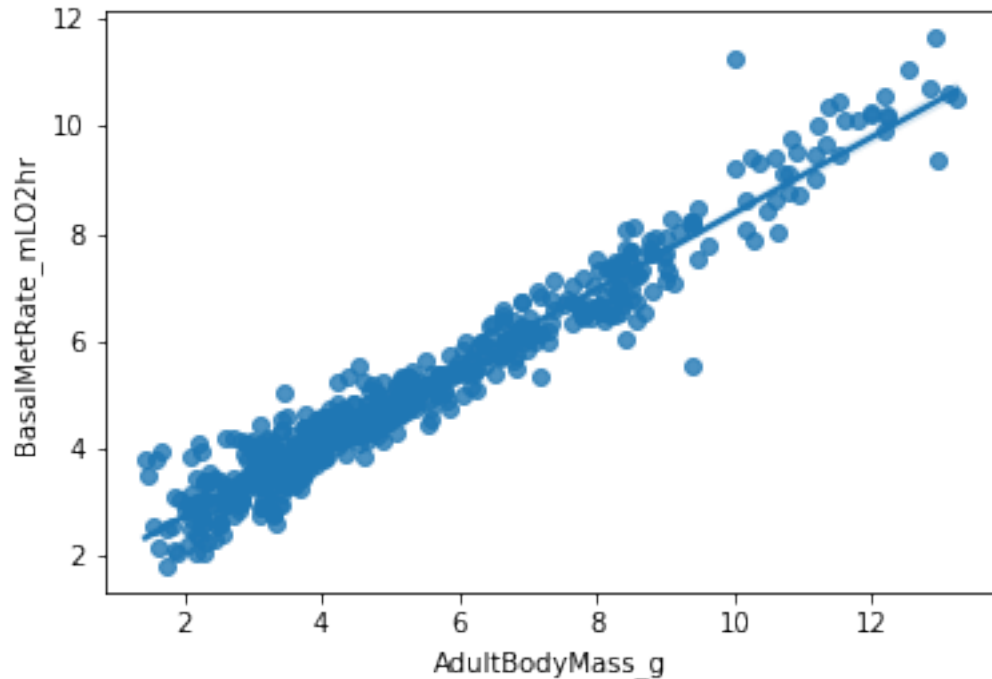
```
[3]: <AxesSubplot:xlabel='AdultBodyMass_g', ylabel='BasalMetRate_mLO2hr'>
```



Wir führen eine Log-Transformation durch: Von beiden Features berechnen wir den Logarithmus (zur Basis e). Wir sehen, dass dann ein sehr guter linearer Zusammenhang zwischen den transformierten Daten besteht!

```
[4]: import numpy as np
      sns.regplot(x=np.log(df.AdultBodyMass_g), y=np.log(df.BasalMetRate_mL02hr))
```

```
[4]: <AxesSubplot:xlabel='AdultBodyMass_g', ylabel='BasalMetRate_mL02hr'>
```



Eine lineare Regression mit den transformierten Daten ergibt dann sogar ein R^2 von ca. 0.94! Ein enorm hoher Wert wenn man bedenkt, dass es sich um die unterschiedlichsten Tiere handelt, deren Daten in den Datensatz eingeflossen sind.

```
[5]: pd.options.mode.chained_assignment = None # default='warn'
      df["BasalMetRate_mL02hr_log"] = np.log(df.BasalMetRate_mL02hr)
      df["AdultBodyMass_g_log"] = np.log(df.AdultBodyMass_g)
      model = ols("BasalMetRate_mL02hr_log~AdultBodyMass_g_log", data=df).fit()
      model.summary()
```

```
[5]: <class 'statsmodels.iolib.summary.Summary'>
      """
                                     OLS Regression Results
=====
===
Dep. Variable:      BasalMetRate_mL02hr_log    R-squared:
0.943
Model:                                OLS    Adj. R-squared:
0.943
Method:                                Least Squares    F-statistic:
```

```

9440.
Date:                      Wed, 05 Apr 2023    Prob (F-statistic):
0.00
Time:                      04:46:31    Log-Likelihood:
-344.11
No. Observations:          572    AIC:
692.2
Df Residuals:              570    BIC:
700.9
Df Model:                  1
Covariance Type:          nonrobust
=====
=====
              coef      std err          t      P>|t|      [0.025
0.975]
-----
-----
Intercept          1.3259      0.043     30.876      0.000      1.242
1.410
AdultBodyMass_g_log  0.7063      0.007     97.158      0.000      0.692
0.721
=====
Omnibus:            86.538    Durbin-Watson:           1.558
Prob(Omnibus):      0.000    Jarque-Bera (JB):        501.744
Skew:               0.498    Prob(JB):                1.12e-109
Kurtosis:           7.479    Cond. No.                 14.0
=====

Notes:
[1] Standard Errors assume that the covariance matrix of the errors is correctly
specified.
"""

```

Wollen wir eine Prognose durchführen, müssen wir für die unabhängige variable natürlich auch vorher eine Transformation durchführen, ebenso mit dem Ergebnis der Vorhersage:

```

[6]: gewicht = 80000 # Gewicht in Gramm
gewicht_log = np.log(gewicht)
pred = model.predict(pd.DataFrame([{"AdultBodyMass_g_log":gewicht_log}]))
np.exp(pred)

```

```

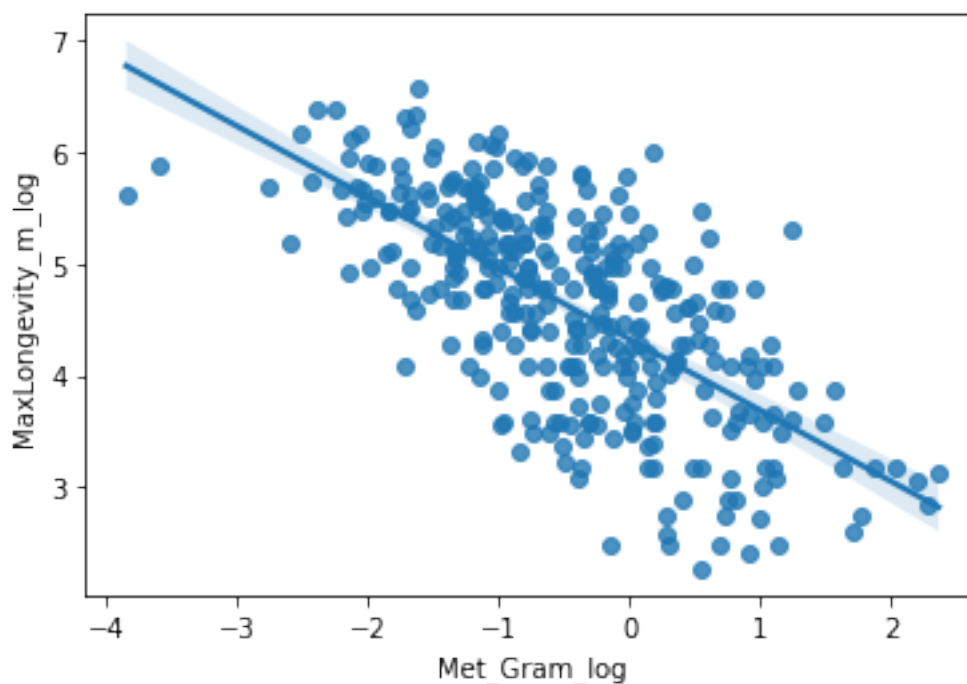
[6]: 0    10936.404929
dtype: float64

```

Interessant ist auch die Lebenserwartung in Abhängigkeit vom Stoffwechsel (Met-Gram)! Tiere (und auch Menschen) mit einem geringeren Stochwechsel haben eine höhere Lebenserwartung. Auch hier führen wir eine Log-Transformation durch:

```
[7]: import numpy as np
df = df[df.MaxLongevity_m!="*"]
df["Met_Gram_log"] = np.log(df["Met-Gram"])
df["MaxLongevity_m_log"] = np.log(df.MaxLongevity_m.astype(float))
sns.regplot(x=df.Met_Gram_log, y=df.MaxLongevity_m_log)
```

```
[7]: <AxesSubplot:xlabel='Met_Gram_log', ylabel='MaxLongevity_m_log'>
```



```
[8]: model2 = ols("MaxLongevity_m_log~df.Met_Gram_log", data=df).fit()
model2.summary()
```

```
[8]: <class 'statsmodels.iolib.summary.Summary'>
"""
```

```

                                OLS Regression Results
=====
Dep. Variable:      MaxLongevity_m_log      R-squared:                0.458
Model:                OLS      Adj. R-squared:            0.456
Method:             Least Squares      F-statistic:             272.9
Date:                Wed, 05 Apr 2023      Prob (F-statistic):       7.36e-45
Time:                04:46:32      Log-Likelihood:          -339.48
No. Observations:      325      AIC:                    683.0
Df Residuals:          323      BIC:                    690.5
Df Model:                1
Covariance Type:      nonrobust
=====
```

```

===
              coef      std err          t      P>|t|      [0.025
0.975]
-----
---
Intercept          4.3263      0.042    101.917      0.000      4.243
4.410
df.Met_Gram_log    -0.6383      0.039    -16.518      0.000     -0.714
-0.562
=====
Omnibus:                4.655    Durbin-Watson:                1.764
Prob(Omnibus):          0.098    Jarque-Bera (JB):            4.665
Skew:                  -0.264    Prob(JB):                   0.0970
Kurtosis:              2.743    Cond. No.                   1.61
=====

```

Notes:

[1] Standard Errors assume that the covariance matrix of the errors is correctly specified.

"""

Immerhin wird die Lebenserwartung zu ca. 46 Prozent vom Stochwechsel erklärt. Auf die Lebenserwartung haben natürlich noch viele andere Faktoren einen Einfluss. Wir haben eine fallende Regressionsgerade. Dies spiegelt das vorherige Ergebnis wider: Mit zunehmendem Stochwechsel sinkt die Lebenserwartung.