

Introdução à Programação de Computadores para Biologia

Subrotinas II

Aula 14

<https://ttdorres.github.io/introprog2021/>

Resultado da enquete

Resultado da enquete

- Pós-graduação (BIO5793): 15/17 respostas

1

Você concorda com a mudança no programa da disciplina?

Resposta	Média	Total
- SIM	<div><div></div></div> 100%	15
Total de respostas para questão		15/15

- Graduação (BIO0454): 6/11 respostas

1

Você concorda com a mudança no programa da disciplina?

Resposta	Média	Total
- SIM	<div><div></div></div> 100%	6
Total de respostas para questão		6/6

Resultado da enquete

Resultado da enquete

- Pós-graduação (BIO5793): 15/17 respostas

1

Você concorda com a mudança no programa da disciplina?

Resposta	Média	Total
- SIM	<div><div></div></div> 100%	15
Total de respostas para questão		<div><div></div> 100%</div>
		15/15

- Graduação (BIO0454): 6/11 respostas

1

Você concorda com a mudança no programa da disciplina?

Resposta	Média	Total
- SIM	<div><div></div></div> 100%	6
Total de respostas para questão		<div><div></div> 100%</div>
		6/6

3/4 votantes concordam com a alteração

Proposta

Aula	Data	Tema
1	19/08	Apresentação da disciplina
2	26/08	Introdução à Programação / Bash
3	02/09	Bash (continuação) / Algoritmos
4	09/09	Introdução ao Perl / Variáveis e tipos de dados
5	16/09	Arrays e Hashes
6	23/09	Estruturas de controle: condicionais
7	30/09	Estruturas de controle: loops I
8	07/10	Estruturas de controle: loops II
9	14/10	Manipulação de arquivos I
10	21/10	Manipulação de arquivos II
×	28/10	Dia do servidor público. Não haverá aula
12	04/11	Manipulação de strings e expressões regulares
13	11/11	Subrotinas I
14	18/11	Subrotinas II
15	25/11	Módulos I: introdução e CPAN
16	02/12	Módulos II: BioPerl

Proposta

Exercícios semanais: a cada novo tema de aula, será disponibilizado um exercício que deverá ser entregue no prazo de sete dias. A entrega dos exercícios será realizada via moodle (<https://edisciplinas.usp.br/>). O atraso na entrega implica na **redução da nota em 10%**. Serão **8 exercícios** ao longo do semestre.

Proposta

```
#!/usr/bin/perl

my ($E1, $E2, $E3, $E4, $E5, $E6, $E7, $E8, $nota_final);
($E, $M, $H) = @ARGV;

$nota_final = ($E1+$E2+$E3+$E4+$E5+$E6+$E7+$E8)/8;

if ($nota_final >= 5) {
    print "Aluno aprovado\n";
} else {
    print "Aluno reprovado\n";
}

#conversao de nota para conceitos, apenas para a Pos-graduacao
if ($nota_final < 5) {
    print "R, Reprovado, sem direito a credito\n";
} elsif ($nota_final <= 7.0) {
    print "C, Regular, com direito a credito\n";
} elsif ($nota_final <= 8.5) {
    print "B, Bom, com direito a credito\n";
} else {
    print "A, Excelente, com direito a credito\n";
}
exit;
```

SUBROTINAS

Definição pelo usuário

- Em qualquer ponto do script
- Geralmente, todas juntas, no início ou fim

```
#!/usr/bin/perl/

# Sintaxe da definicao de subrotinas, separadas do script
# principal

# Antes de cada subrotina, um comentario detalhado com o
# da subrotina, sua funcao, os inputs e outputs

sub subName {
    # Bloco de comandos para fazer alguma coisa
    # Nao esquecer a indentacao!
}
```

SUBROTINAS

Definição pelo usuário

- Em qualquer ponto do script
- Geralmente, todas juntas, no início ou fim
- A subrotina pode retornar valores

```
#!/usr/bin/perl/

subName(); # nao sao passados argumentos
           # nenhum valor eh retornado

subName($arg, "arg", 1); # sao passados 3 argumentos
                          # nenhum valor eh retornado

$res = subName($arg, "arg", 1); # sao passados 3 argumentos
                                # retorna uma escalar

@res = subName($arg, "arg", 1); # sao passados 3 argumentos
                                # retorna um array
```

VARIÁVEIS LOCAIS E GLOBAIS

my vs our

1. No Geany, File > New File.
2. File > Save as...
3. Gravar arquivo como local_global.pl
4. Copiar **exemplo01** da página da disciplina.
5. Executar o script.

VARIÁVEIS LOCAIS E GLOBAIS

my vs our

Script: local_global.pl

O que aconteceu com \$valor?

```
#!/usr/bin/perl/

# $valor como variavel global

$valor = 0;
print "Antes da subrotina, valor \= $valor.\n";

soma(12, 20);

print "Depois da subrotina, valor \= $valor.\n";
exit;

sub soma {
    ($n1, $n2) = @_;
    $valor = $n1 + $n2;
}
```

VARIÁVEIS LOCAIS E GLOBAIS

my vs our

Script: local_global.pl

O que aconteceu com \$valor?

```
#!/usr/bin/perl/

# $valor como variavel global

$valor = 0;
print "Antes da subrotina, valor \= $valor.\n";

soma(12, 20);

print "Depois da subrotina, valor \= $valor.\n";
exit;

sub soma {
    ($n1, $n2) = @_;
    my $valor = $n1 + $n2;
}
```

VARIÁVEIS LOCAIS E GLOBAIS

my vs our

Declarando variáveis

```
#!/usr/bin/perl/

# Declarando variáveis

my $x;                # OK
my $x, $y, $z;        # INCORRETO
my ( $x, $y, $z );    # OK
my $x; my $y; my $z;  # OK

# Inicializando variáveis

my $x = 0;             # OK
my $x = "" ;          # OK
my $x = my $y = my $z = 0; # OK
my $x = my $y = my $z = "" ; # OK
```

PERL SCRIPT

Estrutura

Minha estrutura preferida:

```
#!/caminho/para/Perl  
  
# cabeçalho do script  
  
# declaracao e inicializacao de variaveis  
  
# captura dos argumentos  
  
# corpo do script  
  
# subrotinas
```

Ver **exemplo02** na página da disciplina.

PERL SCRIPT

Estrutura

Minha estrutura preferida:

```
#!/usr/bin/perl/

## ----- ##
## ##
##  SCRIPT: seqAleatoria.pl                03.11.2014  ##
## ##
##  DESCRIPTION: script para exemplificar subrotinas  ##
## ##
##  USAGE: perl seqAleatoria.pl              ##
## ##
##  AUTHOR: Tatiana Torres    tttorres at ib.usp.br  ##
## ##
## ----- ##

use strict;

## Declaracao de variaveis

my $tamanho;
my $sequencia;
my $revSeq;
```

PERL SCRIPT

Estrutura

Minha estrutura preferida:

```
## MAIN ##

# criar a sequencia aleatoria
$tamanho = 200;
$sequencia = seqAleatoria($tamanho);

# inverter a sequencia
$revSeq = reverse($sequencia);

# gerar o complemento reverso
$revSeq =~ tr/ATCG/atcg/;

# imprimir (fasta)
print ">seq\n";
for (my $i = 0; $i < $tamanho; $i+=70) {
    print substr($revSeq,$i,70), "\n";
}

exit;
```

PERL SCRIPT

Estrutura

Minha estrutura preferida:

```
## SUBROTINAS ##

## subrotina para gerar sequencias aleatorias de nucleotideos
## argumento: tamanho da sequencia (numero de nucleotideos)
## retorna: string com uma sequencia aleatoria

sub seqAleatoria {
    my $seq = "";
    my $tamanho = shift || 40;    # default: $tamanho = 40
    for (my $i = 0; $i < $tamanho; $i++) {
        my $base = int(rand(4));
        if ($base == 0) { $seq .= "A"; next; }
        if ($base == 1) { $seq .= "T"; next; }
        if ($base == 2) { $seq .= "C"; next; }
        if ($base == 3) { $seq .= "G"; next; }
    }
    return $seq;
}
```

PERL SCRIPT

Estrutura

Minha estrutura preferida:

```
## SUBROTINAS ##

## subrotina para gerar sequencias aleatorias de nucleotideos
## argumento: tamanho da sequencia (numero de nucleotideos)
## retorna: string com uma sequencia aleatoria

sub seqAleatoria {
    my $seq = "";
    my $tamanho = shift || 40;    # default: $tamanho = 40
    for (my $i = 0; $i < $tamanho; $i++) {
        my $base = int(rand(4));
        if ($base == 0) {
            $seq .= "A";
            next;
        }
        if ($base == 1) { $seq .= "T"; next; }
        if ($base == 2) { $seq .= "C"; next; }
        if ($base == 3) { $seq .= "G"; next; }
    }
    return $seq;
}
```

SUBROTINAS

Passando argumentos

SUBROTINAS

Passando argumentos

```
$valor = soma(1,4,6,7,9);
```

SUBROTINAS

Passando argumentos

```
$valor = soma(1,4,6,7,9);
```

Argumentos em @_:

\$_[0] tem valor 1

\$_[1] tem valor 4

\$_[2] tem valor 6

\$_[3] tem valor 7

\$_[4] tem valor 9

SUBROTINAS

Passando argumentos

```
$seq = restricao("EcoRI", "HaeIII", "HindIII");
```


SUBROTINAS

Passando argumentos

```
$seq = restricao("EcoRI", "HaeIII", "HindIII");
```

Argumentos em @_:

\$_[0] tem valor EcoRI

\$_[1] tem valor HaeIII

\$_[2] tem valor HindIII

SUBROTINAS

Passando argumentos

```
@nome = ("EcoRI", "HaeIII", "HindIII");  
@sitio = ("GAATTC", "GGCC", "AAGCTT");  
$sequencia = restricao(@nome, @sitio);
```

SUBROTINAS

Passando argumentos

```
@nome = ("EcoRI", "HaeIII", "HindIII");  
@sitio = ("GAATTC", "GGCC", "AAGCTT");  
$sequencia = restricao(@nome, @sitio);
```

Argumentos em @_:

\$_[0] tem valor EcoRI

\$_[1] tem valor HaeIII

\$_[2] tem valor HindIII

\$_[3] tem valor GAATTC

\$_[4] tem valor GGCC

\$_[5] tem valor AAGCTT

SUBROTINAS

Passando argumentos

1. No Geany, File > New File.
2. File > Save as...
3. Gravar arquivo como [argumentos.pl](#)
4. Copiar **exemplo03** da página da disciplina.
5. Analisar o script.

SUBROTINAS

Passando argumentos

Passando mais de uma lista como argumento (primeira solução):

```
## MAIN ##

$sequencia = restricao($#nome, @nome, $#sitio, @sitio);
exit;

## SUBROTINAS ##

sub restricao {
    my @nome;
    my @sitio;

    my $lastindex = shift;
    for (my $i = 0; $i <= $lastindex; $i++) {
        $nome[$i] = shift;
    }
    $lastindex = shift;
    for (my $i = 0; $i <= $lastindex; $i++) {
        $sitio[$i] = shift;
    }
    # bloco de comandos para usar os arrays
}
```

SUBROTINAS

Referências

Exemplo04: Passando mais de uma lista como argumento (segunda solução, passando referências):

```
## MAIN ##

$sequencia = restricao(\@nome, \@sitio);
exit;

## SUBROTINAS ##

sub restricao {
    my ($ref1, $ref2) = @_;
    my @a1 = @{$ref1};
    my @a2 = @{$ref2};

    # bloco de comandos para usar os arrays
    print "@nome\n";
    print "@sitio\n";
}
```

SUBROTINAS

Referências

Passando referência de arrays:

```
subRotina(\@arr);
```

Usando arrays:

```
sub subRotina {  
    my ($arrRef) = @_;  
    my @array = @{$arrRef};  
    #...  
}
```

SUBROTINAS

Referências

Passando referência de hashes:

```
subRotina(\%hash);
```

Usando hashes:

```
sub subRotina {  
    my ($hashRef) = @_;  
    my %hash = %{$hashRef};  
    #...  
}
```


SUBROTINAS

Referências

Retornando referência de arrays:

```
sub listaTel {  
  my @tel;  
  $info[0] = <STDIN>;  #nome  
  $info[1] = <STDIN>;  #tel  
  return \@info;  
}
```

Recuperando arrays no corpo do script:

```
my $telRef = listaTel();  
my @tel = @{$telRef};
```

SUBROTINAS

Referências

Retornando referência de hashes:

```
sub listaTel {  
  my %info;  
  $info{"nome"} = <STDIN>;  
  $info{"tel"}  = <STDIN>;  
  return \%info;  
}
```

Recuperando hashes no corpo do script:

```
my $telRef = listaTel();  
my %tel = %{$telRef};
```

MÓDULOS

Conjunto de subrotinas

MÓDULOS

comSeqAleatoria.pl

```
#!/usr/bin/perl/

## Script para exemplificar subrotinas

use strict;
use aula14;

## Declaracao de variaveis
my $tamanho; my $sequencia; my $revSeq;

# criar a sequencia aleatoria
$tamanho = 200;
$sequencia = seqAleatoria($tamanho);

# inverter a sequencia
$revSeq = reverse($sequencia);

# gerar o complemento reverso
$revSeq =~ tr/ATCG/atcg/;

# imprimir (fasta)
print ">seq\n";
for (my $i = 0; $i < $tamanho; $i+=70) {
    print substr($revSeq,$i,70), "\n";
}

exit;
```

MÓDULOS

aula14.pm

```
## Modulo com as minhas subrotinas

## modulo aula14

sub seqAleatoria {

    $seq = "";
    $tamanho = shift || 40;
    for ($i = 0; $i < $tamanho; $i++) {
        $base = int(rand(4));
        if ($base == 0) { $seq .= "A"; next; }
        if ($base == 1) { $seq .= "T"; next; }
        if ($base == 2) { $seq .= "C"; next; }
        if ($base == 3) { $seq .= "G"; next; }
    }
    return $seq;
}

sub soma {
    ($n1, $n2) = @_;
    $valor = $n1 + $n2;
    return $valor;
}

1;
```

MÓDULOS

Conjunto de subrotinas

1. No Geany, abrir script [seqAleatoria.pl](#) (exemplo 02).
2. Incluir "use aula14".
3. Executar o script.

MÓDULOS

comSeqAleatoria.pl

```
#!/usr/bin/perl/

## Script para exemplificar subrotinas

use strict;
use aula14;

## Declaracao de variaveis
my $tamanho; my $sequencia; my $revSeq;

# criar a sequencia aleatoria
$tamanho = 200;
$sequencia = seqAleatoria($tamanho);

# inverter a sequencia
$revSeq = reverse($sequencia);

# gerar o complemento reverso
$revSeq =~ tr/ATCG/atcg/;

# imprimir (fasta)
print ">seq\n";
for (my $i = 0; $i < $tamanho; $i+=70) {
    print substr($revSeq,$i,70), "\n";
}

exit;
```

MÓDULOS

Conjunto de subrotinas

[comSeqAleatoria.pl](#)

```
perl: warning: Falling back to the standard locale ("C").  
Can't locate aula14.pm in @INC (you may need to install  
the aula14 module) (@INC contains: /Library/Perl/5.18/dar  
win-thread-multi-2level /Library/Perl/5.18 /Network/Libra  
ry/Perl/5.18/darwin-thread-multi-2level /Network/Library/  
Perl/5.18 /Library/Perl/Updates/5.18.2 /System/Library/Pe  
rl/5.18/darwin-thread-multi-2level /System/Library/Perl/5  
.18 /System/Library/Perl/Extras/5.18/darwin-thread-multi-  
2level /System/Library/Perl/Extras/5.18 .) at saidas.pl l  
ine 6.  
BEGIN failed--compilation aborted at saidas.pl line 6.
```


MÓDULOS

Conjunto de subrotinas

1. No Geany, File > New File.
2. File > Save as...
3. Gravar arquivo como [aula14.pm](#)
4. Transferir todas as subrotinas para o modulo [aula14.pm](#)
5. Executar o script [SeqAleatoria.pl](#)

MÓDULOS

Conjunto de subrotinas

No terminal:

```
TatianasMacBook:~ tatiana$ perl -V
###varias linhas###
@INC:
  /Library/Perl/5.18/darwin-thread-multi-2level
  /Library/Perl/5.18
  /Network/Library/Perl/5.18/darwin-thread-multi-2level
  /Network/Library/Perl/5.18
  /Library/Perl/Updates/5.18.2
  /System/Library/Perl/5.18/darwin-thread-multi-2level
  /System/Library/Perl/5.18
  /System/Library/Perl/Extras/5.18/darwin-thread-multi-2level
  /System/Library/Perl/Extras/5.18
  .
```

MÓDULOS

SeqAleatoria.pl

```
#!/usr/bin/perl/

## Script para exemplificar subrotinas

use lib '/Users/Tatiana/introprog/modulos/';
use strict;
use aula14;

## Declaracao de variaveis
my $tamanho; my $sequencia; my $revSeq;

# criar a sequencia aleatoria
$tamanho = 200;
$sequencia = seqAleatoria($tamanho);

# inverter a sequencia
$revSeq = reverse($sequencia);

# gerar o complemento reverso
$revSeq =~ tr/ATCG/atcg/;

# imprimir (fasta)
print ">seq\n";
for (my $i = 0; $i < $tamanho; $i+=70) {
    print substr($revSeq,$i,70), "\n";
}

exit;
```

