Introdução à Programação de Computadores para Biologia

Expressões Regulares II

Aula 12

https://tttorres.github.io/introprog2021/

Novo operador =~

- 1. Busca o padrão em textos (variáveis escalares tipo "string")
- 2. Retorna VERDADEIRO se o padrão for encontrado
- 3. Retorna FALSO se o padrão for encontrado

Reconhecimento de padrões

- 1. No Geany, File > New File.
- 2. File > Save as...
- 3. Gravar arquivo como SitioRestricao.pl
- 4. Copiar exemplo01 da página da disciplina.
- 5. Copie o exemplo 1, e complete o script para reconhecer um sítio de reconhecimento de uma enzima de restrição em uma sequência de DNA

Reconhecimento de padrões

Script: SitioRestricao.pl

```
##!/usr/bin/perl
$sequencia = "AGCTAAATCCCGAAACTAAACGTCCCGTTTTTGGTATACATTCATGGTGTGTTTT
TAATTACCATACAATATCGTTTGGGAGTTCTAGGTTTTTGAGCTTAAATTCTGAAGAGCTTAATGTAC
\mathsf{CCGGTAATGCTGGCCTTAAGGATCAAGTTATGGCGAATTCTTTACGTTGGATTAAAAAATAATTGTGCC
AATTTCGGTGGTAATCCTGATAACATCACTGTCTTTGGTGAGAGTGCTGGTGGAGCCTCTGCCCA
\mathsf{CATGATGTTAACTGAACAACACGTGGTCTCTTCCATCGTGGATTTTAATGTCTGGCAATGCTGTATG
TCCTTGGCCATTAGTCAAAATCAACATCGTGCTTATGCTATAGCTAAATTGACTGGGTATAGAATTCA
GGGTGAAAATAATGATAAGGA";
# A enzima EcoRI reconhece o sítio GAATTC
if ( $sequencia =~ /GAATTC/ ) {
       print "A sequencia possui sitio da enzima EcoRI!\n";
exit;
```

Reconhecimento de padrões

E se o padrão estivesse em uma variável?

```
##!/usr/bin/perl
$sequencia = "AGCTAAATCCCGAAACTAAACGTCCCGTTTTTGGTATACATTCATGGTGTGTTTT
TAATTACCATACAATATCGTTTGGGAGTTCTAGGTTTTTGAGCTTAAATTCTGAAGAGCTTAATGTAC
\mathsf{CCGGTAATGCTGGCCTTAAGGATCAAGTTATGGCGAATTCTTTACGTTGGATTAAAAAATAATTGTGCC
AATTTCGGTGGTAATCCTGATAACATCACTGTCTTTGGTGAGAGTGCTGGTGGAGCCTCTGCCCA
\mathsf{CATGATGTTAACTGAACAACACGTGGTCTCTTCCATCGTGGATTTTAATGTCTGGCAATGCTGTATG
TCCTTGGCCATTAGTCAAAATCAACATCGTGCTTATGCTATAGCTAAATTGACTGGGTATAGAATTCA
GGGTGAAAATAATGATAAGGA";
# A enzima EcoRI reconhece o sítio GAATTC
if ( $sequencia =~ /GAATTC/ ) {
       print "A sequencia possui sitio da enzima EcoRI!\n";
exit;
```

Reconhecimento de padrões

E se o padrão estivesse em uma variável?

```
##!/usr/bin/perl
$EcoRI = "GAATTC";
$sequencia = "AGCTAAATCCCGAAACTAAACGTCCCGTTTTTGGTATACATTCATGGTGTGTTTT
TAATTACCATACAATATCGTTTGGGAGTTCTAGGTTTTTGAGCTTAAATTCTGAAGAGCTTAATGTAC
CCGGTAATGCTGGCCTTAAGGATCAAGTTATGGCGAATTCTTTACGTTGGATTAAAAATAATT
AATTTCGGTGGTAATCCTGATAACATCACTGTCTTTGGTGAGAGTGCTGGTGGAGCCTCTGCCCA
CATGATGTTAACTGAACAAACACGTGGTCTCTTCCATCGTGGATTTTAATGTCTGGCAATGCTGTATG
TCCTTGGCCATTAGTCAAAATCAACATCGTGCTTATGCTATAGCTAAATTGACTGGGTATAGAATTCA
GGGTGAAAATAATGATAAGGA":
# A enzima EcoRI reconhece o sítio GAATTC
if ( $sequencia =~ /$EcoRI/ ) {
       print "A sequencia possui sitio da enzima EcoRI!\n";
}
exit;
```

Reconhecimento de padrões

O que o operador =~ retorna?

```
##!/usr/bin/perl
$EcoRI = "GAATTC";
$sequencia = "AGCTAAATCCCGAAACTAAACGTCCCGTTTTGGTATACATTCATGGTGTGTTTT
TAATTACCATACAATATCGTTTGGGAGTTCTAGGTTTTTGAGCTTAAATTCTGAAGAGCTTAATGTAC
CCGGTAATGCTGGCCTTAAGGATCAAGTTATGGCGAATTCTTTACGTTGGATTAAAAAATAATTGTGCC
AATTTCGGTGGTAATCCTGATAACATCACTGTCTTTGGTGAGAGTGCTGGTGGAGCCTCTGCCCAT";
# A enzima EcoRI reconhece o sítio GAATTC
if ( $sequencia =~ /$EcoRI/ ) {
       print "A sequencia possui sitio da enzima EcoRI!\n";
}
$resultado = ($sequencia =~ /$EcoRI/);
print "0 operador =~ retorna $resultado\n";
exit:
```

Reconhecimento de padrões

O que o operador =~ retorna?

- Em contexto escalar, ele retorna 1 caso o padrão seja encontrado (VERDADEIRO);
- Em contexto escalar, ele retorna "undef" se o padrão não for encontrado (FALSO);

Reconhecimento de padrões

O que o operador =~ retorna em contexto de ARRAY?

```
##!/usr/bin/perl
$EcoRI = "GAATTC";
$sequencia = "AGCTAAATCCCGAAACTAAACGTCCCGTTTTGGTATACATTCATGGTGTGTTTT
TAATTACCATACAATATCGTTTGGGAGTTCTAGGTTTTTGAGCTTAAATTCTGAAGAGCTTAATGTAC
CCGGTAATGCTGGCCTTAAGGATCAAGTTATGGCGAATTCTTTACGTTGGATTAAAAAATAATTGTGCC
AATTTCGGTGGTAATCCTGATAACATCACTGTCTTTGGTGAGAGTGCTGGTGGAGCCTCTGCCCAT";
# A enzima EcoRI reconhece o sítio GAATTC
if ( $sequencia =~ /$EcoRI/ ) {
       print "A sequencia possui sitio da enzima EcoRI!\n";
}
@resultado = ($sequencia =~ /$EcoRI/g);
print "0 operador =~ retorna @resultado\n";
exit:
```

Reconhecimento de padrões

O que o operador =~ retorna?

- Em contexto de array, ele retorna um array com todos as observações do padrão buscado, se houver pelo menos um (VERDADEIRO);
- Em contexto de array, ele retorna "undef" se o padrão não for encontrado (FALSO);

Reconhecimento de padrões

Contexto de ARRAY

```
##!/usr/bin/perl
$EcoRI = "GAATTC";
$sequencia = "AGCTAAATCCCGAAACTAAACGTCCCGTTTTGGTATACATTCATGGTGGTGTTTT
TAATTACCATACAATATCGTTTGGGAGTTCTAGGTTTTTGAGCTTAAATTCTGAAGAGCTTAATGTAC
CCGGTAATGCTGGCCTTAAGGATCAAGTTATGGCGAATTCTTTACGTTGGATTAAAAATAATTGTGCC
AATTTCGGTGGTAATCCTGATAACATCACTGTCTTTGGTGAGAGTGCTGGTGGAGCCTCTGCCCAT";
# A enzima EcoRI reconhece o sítio GAATTC
if ( @sitios = $sequencia =~ /$EcoRI/ ) {
       num = @sitios;
       print "A sequencia possui $num sitios da enzima EcoRI!\n";
}
exit;
```

Reconhecimento de padrões

E a enzima Hinf I que reconhece o sítio **GANTC**?

```
##!/usr/bin/perl
$HinfI = <completar>;
$sequencia = "AGCTAAATCCCGAAACTAAACGTCCCGTTTTGGTATACATTCATGGTGTGTTTT
TAATTACCATACAATATCGTTTGGGAGTTCTAGGTTTTTGAGCTTAAATTCTGAAGAGCTTAATGTAC
CCGGTAATGCTGGCCTTAAGGATCAAGTTATGGCGAATTCTTTACGTTGGATTAAAAATAATTGTGCC
AATTTCGGTGGTAATCCTGATAACATCACTGTCTTTGGTGAGAGTGCTGGTGGAGCCTCTGCCCAT";
# A enzima HinfI reconhece o sítio GANTC
if ( @sitios = $sequencia =~ /$HinfI/ ) {
       num = @sitios;
       print "A sequencia possui $num sitios da enzima HinfI!\n";
}
exit;
```

Reconhecimento de padrões

- 1. No Geany, File > New File.
- 2. File > Save as...
- 3. Gravar arquivo como telefone.pl
- 4. Copiar **exemplo02** da página da disciplina.
- 5. Copie o exemplo 2, e complete o script para reconhecer números de telefones fixos brasileiros, no seguinte formato: (11)3091-8759

```
Darwin:~ Tatiana$ perl telefone.pl

Telefone:
(11)3091-8759 #input do usuario

Eh um telefone! #resposta do script
```

Flexibilidade

| CARACTER | SIGNIFICADO | | | |
|------------|------------------------------|--|--|--|
| \n | Nova linha | | | |
| \t | Tabulação | | | |
| \w | Alfanumérico e "_" | | | |
| \W | Tudo não conteplado em \w | | | |
| \ s | Espaço em branco | | | |
| \d | Dígito | | | |
| \D | Não dígito | | | |
| • | Qualquer caracter, exceto \n | | | |

Flexibilidade

Quantificadores:

| CARACTERES | FUNÇÃO | | | |
|------------|---|--|--|--|
| {n} | Exatamente "n" ocorrências | | | |
| {n,} | Pelo menos "n" ocorrências | | | |
| {n,m} | Mínimo de "n" e máximo de "m" ocorrências | | | |
| * | {0,} | | | |
| + | {1,} | | | |
| ? | {0,1} | | | |
| | | | | |

Flexibilidade

Script telefone.pl para reconhecer telefones fixos e celulares de São Paulo com os possíveis formatos:

```
      (11)3091-8759
      (11)93091-8759
      (11)30918759

      (11)930918759
      113091-8759
      1193091-8759

      1130918759
      11930918759
```

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /\(?\d{2}\))?\d{4,5}\-?\d{4}/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
}

exit;
```

Flexibilidade

Teste o programa telefone.pl com os seguintes inputs:

- (11))3091-8759
- (11)3091--8759
- ((11)3091-8759
- (11)3091-875999999999999999999

Flexibilidade

Teste o programa telefone.pl com os seguintes inputs:

- (11))3091-8759
- (11)3091--8759
- ((11)3091-8759 # Eh um telefone!
- (11)3091-8759999999999999999999 # Eh um telefone!

Âncoras

Caracteres especiais para ancoramento

| CARACTER | POSIÇÃO |
|----------|---------|
| ۸ | Início |
| \$ | Final |

Flexibilidade

Altere o script telefone.pl para reconhecer telefones fixos E celulares de São Paulo com os vários formatos, sempre no início do input

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /\(?\d{2}\))?\d{4,5}\-?\d{4}/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
}

exit;
```

Flexibilidade

Altere o script telefone.pl para reconhecer telefones fixos E celulares de São Paulo com os vários formatos, sempre no início do input

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /^\(?\d{2}\)?\d{4,5}\-?\d{4}/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
}

exit;
```

Flexibilidade

Altere o script telefone.pl para reconhecer telefones fixos E celulares de São Paulo com os vários formatos, com somente um telefone informado na linha inteira

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /^\(?\d{2}\)?\d{4,5}\-?\d{4}/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
}

exit;
```

Flexibilidade

Altere o script telefone.pl para reconhecer telefones fixos E celulares de São Paulo com os vários formatos, com somente um telefone informado na linha inteira

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /^\(?\d{2}\)?\d{4,5}\-?\d{4}$/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
}

exit;
```

Extração de Dados

Problema:

Como extrair informação de texto? Por exemplo, extrair o código de área e o telefone em variáveis separadas.

Flexibilidade

Script telefone.pl

Extrair o código de área e o telefone em variáveis separadas.

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /^\(?\d{2}\)?\d{4,5}\-?\d{4}$/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
}

exit;
```

Flexibilidade

Script telefone.pl

Extrair o código de área e o telefone em variáveis separadas.

Parênteses ISOLAM o bloco de interesse.

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /^\(?(\d{2})\))?(\d{4,5}\-?\d{4})$/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
}

exit;
```

Flexibilidade

Alterar o script telefone.pl para extrair o código de área e o telefone em variáveis separadas.

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /^\(?(\d{2})\))?(\d{4,5}\-?\d{4})$/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
}

exit;
```

Flexibilidade

Alterar o script telefone.pl para extrair o código de área e o telefone em variáveis separadas.

```
##!/usr/bin/perl

print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;

if ( $tel =~ /^\(?(\d{2})\))?(\d{4,5}\-?\d{4})$/ ) {
    print "Eh um telefone!\n";
    print "A area eh $1 e o telefone eh $2.\n";
}

exit;
```

Substituição

Operador s///

\$string =~ s/PADRÃO/NOVO_PADRÃO/;

Substituição

Inclua um bloco de comandos no script telefone.pl para retirar os parênteses do número

```
##!/usr/bin/perl
print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;
if ( tel = /^{(?(d{2}))}?(d{4,5})-?(d{4})$/ ) {
   print "Eh um telefone!\n";
   print "A area eh $1 e o telefone eh $2.\n";
}
exit;
```

Substituição

Inclua um bloco de comandos no script telefone.pl para retirar os parênteses do número

```
##!/usr/bin/perl
print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;
if ( $tel =~ /^\(?(\d{2})\))?(\d{4,5}\-?\d{4})$/ ) {
   print "Eh um telefone!\n";
   print "A area eh $1 e o telefone eh $2.\n";
}
$tel =~ s/\(//;
$tel =~ s/\)//:
chomp $tel;
print "Sem parenteses: $tel.\n";
exit;
```

Substituição e Transliteração

Operador s///

```
$string =~ s/PADRÃO/NOVO_PADRÃO/;
```

Operador tr///

```
$string =~ tr/PADRÃO/NOVO_PADRÃO/;
```

Substituição e Transliteração

Inclua um bloco de comandos no script telefone.pl para retirar os hífens do número usando tr

```
##!/usr/bin/perl
print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;
if ( $tel =~ /^\(?(\d{2})\))?(\d{4,5}\-?\d{4})$/ ) {
   print "Eh um telefone!\n";
   print "A area eh $1 e o telefone eh $2.\n";
}
$tel =~ s/\(//:
$tel =~ s/\)//:
chomp $tel;
print "Sem parenteses: $tel.\n";
exit;
```

Substituição e Transliteração

Inclua um bloco de comandos no script telefone.pl para retirar os hífens do número usando tr

```
##!/usr/bin/perl
print "Telefone\:\n";
$tel = <STDIN>;
if ( $tel =~ /^\(?(\d{2})\))?(\d{4,5}\-?\d{4})$/ ) {
   print "Eh um telefone!\n";
   print "A area eh $1 e o telefone eh $2.\n";
}
$tel =~ tr/\-/ /:
chomp $tel;
print "Sem hifen: $tel.\n";
exit;
```

Substituição e Transliteração

- 1. No Geany, File > New File.
- 2. File > Save as...
- 3. Gravar arquivo como complemento.pl
- 4. Faça um script para ler uma sequencia de DNA do input padrão e gerar o complemento reverso;

```
Darwin:~ Tatiana$ perl complemento.pl

Sequencia:
ATAGTCG #input do usuario

Complemento: tatcagc #resposta do script
```

Substituição e Transliteração

Script: complemento.pl

```
#!/usr/bin/perl

print "Sequencia\:\n";
$seq = <STDIN>;

chomp $seq;

$seq =~ tr/ATCG/tagc/;

print "Complemento: $seq.\n";

exit;
```

Substituição e Transliteração

Script: complemento.pl

Inclua uma linha de comando para inverter a sequência.

Função reverse()

Darwin:~ Tatiana\$ perl complemento.pl

Sequencia:

ATAGTCG #input do usuario

Complemento reverso: cgactat #resposta do script

Substituição e Transliteração

Script: complemento.pl

Inclua uma linha de comando para inverter a sequência.

```
#!/usr/bin/perl
print "Sequencia\:\n";
$seq = <STDIN>;
chomp $seq;
$seq =~ tr/ATCG/tagc/;
$comp = reverse($seq);
print "Complemento reverso: $comp.\n";
exit;
```

Modificadores

Opções para reconhecimento: m/pattern/igmso

| CARACTERES | FUNÇÃO | | | |
|------------|---|--|--|--|
| i | Maiúsculas e minúsculas (case-insensitive) | | | |
| g | Global (todas as ocorrências) | | | |
| m | Modo m ultilinhas (se a string tem newline, os operadores "^" e "\$" reconhecerão padrões delimitados por newline em vez da string | | | |
| S | Trata string como uma única linha (single line); "." reconhece newline | | | |
| 0 | Testa o padrão só uma vez (o nce) | | | |

EXPRESSÕES REGULARES - EXERCÍCIO

INPUT: dmel-gene-r5.45.fasta

```
>FBgn0033056 type=gene; loc=2R:complement(1944862..194706
3); ID=FBgn0033056; name=CG7856; dbxref=FlyBase:FBgn00330
56, FlyBase: FBan0007856, FlyBase_Annotation_IDs: CG7856, GB_p
rotein: AAF57287, GB: AI945278, GB: AY113248, GB_protein: AAM292
53, GB: BF499103, UniProt/TrEMBL: Q8MZC8, UniProt/TrEMBL: A1Z6J
6, INTERPRO: IPR008957, OrthoDB5_Drosophila: EOG57WNH4, Entrez
Gene: 35533, InterologFinder: 35533, BIOGRID: 61438, DroID: FBqn
0033056, DRSC: FBgn0033056, FLIGHT: FBgn0033056, FlyAtlas: CG78
56-RA, FlyMine: FBgn0033056, GenomeRNAi: 35533, modMine: FBgn00
33056; derived_computed_cyto=42A8-42A9%3B Limits computat
ionally determined from genome sequence between @P{PZ}l(2
)09851<up>09851</up>@%26@P{lacW}Src42A<up>k10108</up>@ an
d @P{lacW}l(2)k09848<up>k09848</up>@%26@P{EP}EP407@; gbun
it=AE013599; MD5=7ca9c4371b97aaf7046cf83fefb65eb8; length
=2202; release=r5.45; species=Dmel;
GGTAAAGTTGCCTTGGCGTCAGTTGGCAGTTTGGGAAAAGCCTACACACT
TAATATTTCGATAGATACACTTATTTCGCAATCGTAGAAGATACCACAAA
TCTCTCTTCCGTAAATTATAAGTATGTCCAAGAGGGTGAGCATCATGTTG
CCCGACGAAATACCTGCGGCTCCGTCAGGCAGCAGGAGGAACCCGATGCC
```

EXPRESSÕES REGULARES - EXERCÍCIO

OUTPUT: dmel-genes.fasta

>CG7856

GGTAAAGTTGCCTTGGCGTCAGTTGGCAGTTTGGGAAAAGCCTACACACT TAATATTTCGATAGATACACTTATTTCGCAATCGTAGAAGATACCACAAA TCTCTCTTCCGTAAATTATAAGTATGTCCAAGAGGGTGAGCATCATGTTG CCCGACGAAATACCTGCGGCTCCGTCAGGCAGCAGGAGGAACCCGATGCC

. . .

>0atp58Da

TTGTTCGCAGGTAAAAGTTGAGACATGACAGAGGAGCGAGGAAAAGGTAGA CTTGGAGAAAAGTGAAACTTTGCCCTTTATTGAAAAGCCATTTGCAATAT CGGATAAAGAAAGGGAATCTGCTCCAGAGAATGAAACGGAAGGAGAAGAT GGTGGAAAAGACACTTATTGCGGTTTCTGGATATTCAAGGGCCCCCTCCAT GCAAAGGTAAGCTCTAAGGTACTCTACAACTACCTTCATGCTTAGGAATC

. . .