Teoria Grafów - projekt zaliczeniowy

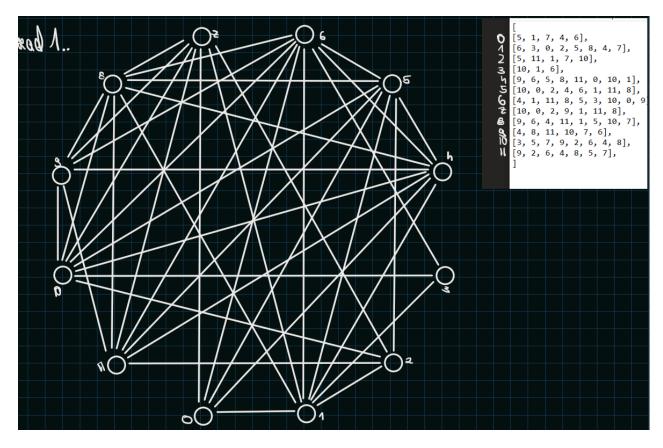
Zadania dla: Michał Pałucki

Część analityczna

W załączniku, w pliku Michał_Pałucki.json znajduje się lista sąsiedztwa dla grafu do przeanalizowania. Zadania w części analitycznej (1-8) mają zostać wykonane w oparciu o ten właśnie graf. Zadania mogą być rozwiązane na kartce i zeskanowane lub wykonane w dowolnym programie, np. OneNote. Proszę o wyniki w formie pliku pdf.

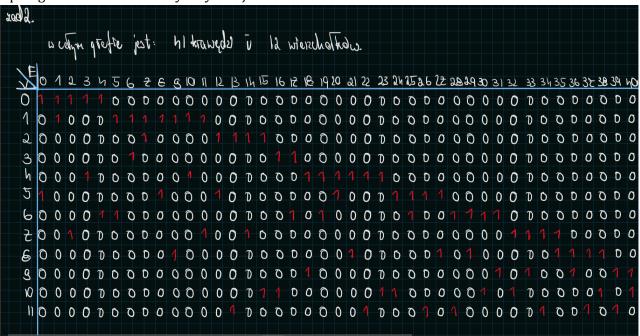
Zadanie 1 (1pkt)

Wykonaj szkic grafu.



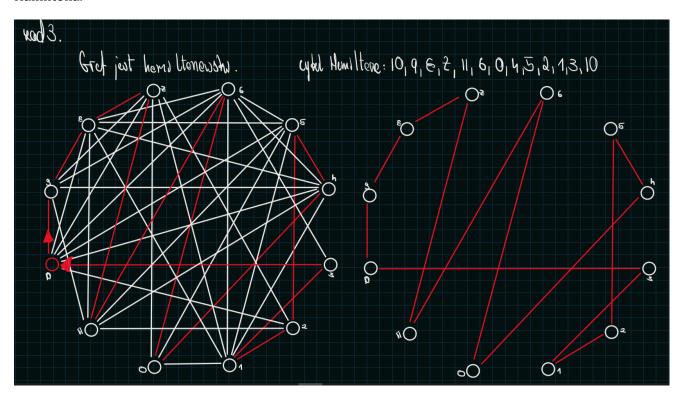
Zadanie 2 (1pkt)

Opisz graf w formie macierzy incydencji.



Zadanie 3 (3pkt)

Czy ten graf jest hamiltonowski/pół-hamiltonowski? Jeśli tak to podaj ścieżkę/cykl Hamiltona.



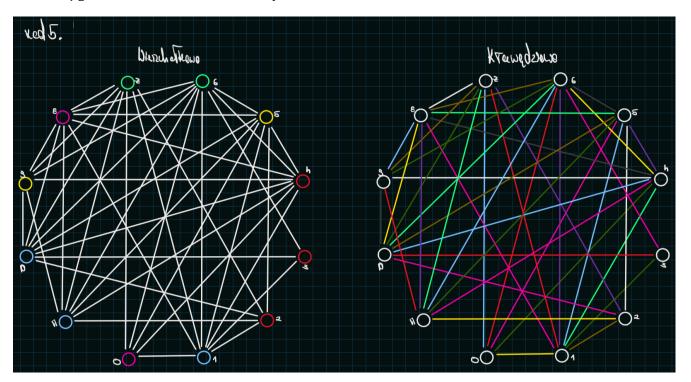
Zadanie 4 (3pkt)

Czy ten graf jest eulerowski/pół-eulerowski? Jeśli tak to podaj ścieżkę/cykl Eulera.

```
** Latery: padery grof no just easy lego.
```

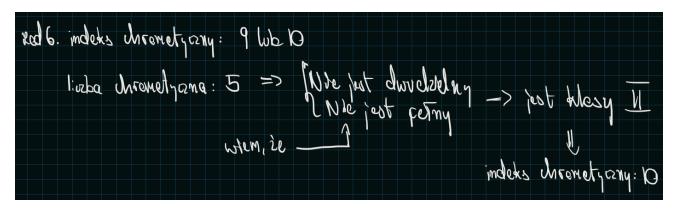
Zadanie 5 (2pkt)

Pokoloruj graf wierzchołkowo oraz krawędziowo.



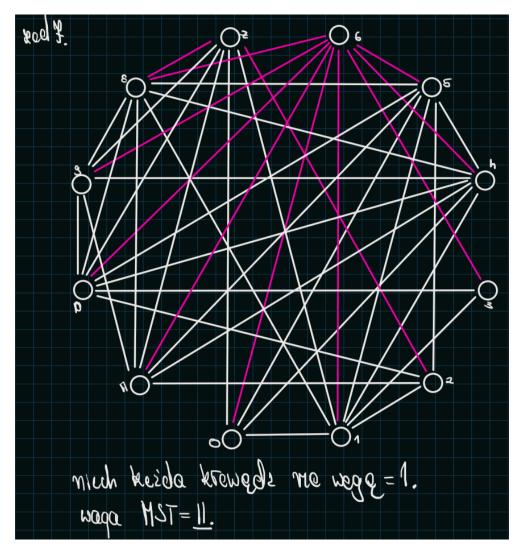
Zadanie 6 (1pkt)

Podaj liczbę chromatyczną oraz indeks chromatyczny dla grafu.



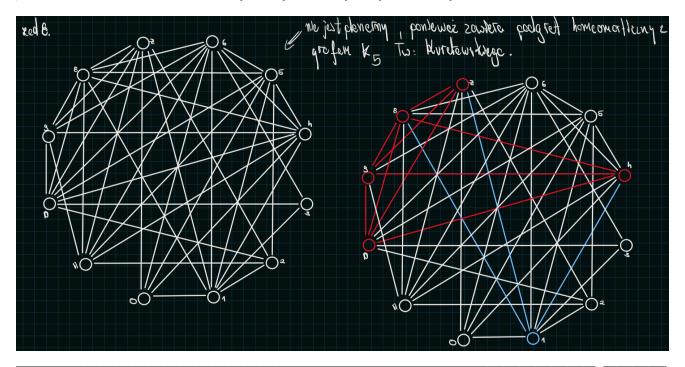
Zadanie 7 (1pkt)

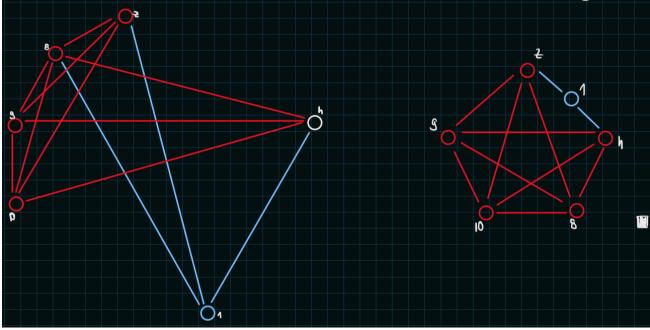
Wyznacz minimalne drzewo rozpinające dla analizowanego grafu.



Zadanie 8 (2pkt)

Czy rysunek tego grafu jest planarny? Jeśli nie, to czy da się go przedstawić jako planarny? Jeśli tak, to ile ścian można w nim wyznaczyć? Proszę to wykazać na rysunku





Część programistyczna

Zaimplementuj poniższy algorytm w wybranym języku.

Algorytm może zostać zaimplementowany w wybranym języku - Java, Kotlin, C, C++, Python, JS, TS, C#. Implementację proszę dostarczyć w formie linku do repozytorium (GitHub, GitLab - preferowane) lub archiwum zip. Program ma wczytywać graf z pliku (lista sąsiedztwa bądź macierz incydencji), a następnie uruchomić zaimplementowany algorytm na tym grafie. W repozytorium musi znajdować się instrukcja uruchomienia projektu.

Zaimplementuj algorytm Bellmana-Forda (10pkt)-Instrukcja

- W "src/Bellman_Ford_algorithm/" znajdują się:
 - 1. Plik: main.py (do otwarcia i uruchomienia za pomocą np.: Pycharm)
 - 2. Przykładowe pliki testowe: example_data_1.json

example_data_2.json example_data_3.json example_data_4.json

3. Przykładowy output programu:

output_graph_example_data_1.png output_graph_path_example_data_1.png output_info_example_data_1.json output_info_example_data_1.txt

• Przed uruchomieniem należy zaimportować:

```
import numpy as np
import json
import math
import turtle
import os
import glob
from copy import deepcopy
from PIL import Image
```

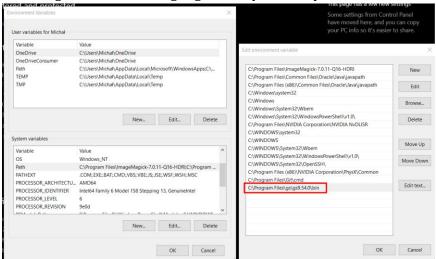
• Po uruchomieniu - w wypadku następującego błędu, należy pobrać "ghostscripta" z poniższego linku:

```
Traceback (most recent call last):
    File "C:/Users/sawic/PycharmProjects/pythonProject/main.py", line 357, in <module>
        g.try_to_show_turtle_graph(file_name_=file_name)
    File "C:/Users/sawic/PycharmProjects/pythonProject/main.py", line 202, in try_to_show_turtle_graph
        pic.load(scale=10)
    File "C:\Users\sawic\PycharmProjects\pythonProject\venv\lib\site-packages\PIL\EpsImagePluqin.py", line 332, in load
        self.im = Ghostscript(self.tile, self.size, self.fp, scale)
    File "C:\Users\sawic\PycharmProjects\pythonProject\venv\lib\site-packages\PIL\EpsImagePluqin.py", line 134, in Ghostscript
        raise OSError("Unable to locate Ghostscript on paths")

OSError: Unable to locate Ghostscript on paths
```

https://www.ghostscript.com/download/gsdnld.html

• Pobranego i zainstalowanego "ghostscripta" należy dodać do "Path".



- Prawidłowo uruchomiony program:
 - 1. Usunie wcześniejsze outputy.
 - 2. Zapyta o plik .json, zawierający listę sąsiedztwa z wagami np.:

- 3. Wyświetli animację rysowania grafu i w wypadku braku ujemnych cykli animację rysowania ścieżek.
- 4. Wypisze:
 - a) do pliku .txt podstawowe informacje o grafie
 - b) do pliku .json podstawowe informacje o grafie
 - c) stworzy rysunek .png grafu
 - d) w wypadku braku ujemnych cykli stworzy rysunek .png ścieżek

Przeanalizuj powyższy algorytm: jakie problemy rozwiązuje, konkretne przykłady wykorzystania, z jakich metod korzysta się obecnie do rozwiązywania tych problemów (4pkt)

Algorytm Bellmana Forda służy do odnalezienia w spójnym grafie ważonym (wagi mogą być ujemne) najkrótszej ścieżki od wierzchołka startowego do wszystkich pozostałych wierzchołków.

Dla grafu liczącego n wierzchołków i e krawędzi złożoność pesymistyczna jest równa O(en). Biorąc pod uwagę, że w przypadku braku krawędzi wielokrotnych liczba krawędzi jest zawsze mniejsza od n^2 , można powiedzieć, że złożoność czasowa algorytmu to $O(n^3)$.

Algorytm Bellmana Forda wykorzystywany jest np. w routingu:

- 1. Każdy węzeł (router) oblicza odległości między sobą a wszystkimi innymi węzłami w systemie autonomicznym i przechowuje te informacje w tabeli.
- 2. Każdy węzeł wysyła swoją tabelę do wszystkich sąsiednich węzłów.
- 3. Gdy węzeł otrzymuje tabele odległości od swoich sąsiadów, oblicza najkrótsze trasy do wszystkich innych węzłów i aktualizuje własną tabelę, aby odzwierciedlić wszelkie zmiany.

Innymi algorytmami poszukującymi najkrótszych ścieżek są:

- 1. Algorytm Dijkstry
- 2. Algorytm Floyda-Warshalla
- 3. Algorytm Johnsona