

$$N1) \quad X_1, \dots, X_n \sim N(\mu_x, 400) \\ Y_1, \dots, Y_n \sim N(\mu_y, 225)$$

$$H_0: \mu_x - \mu_y = \theta_0 = 0$$

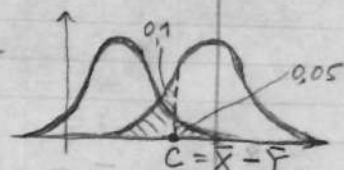
$$H_1: \mu_x - \mu_y = \theta_1 = 10$$

Найдём n и C (критическое множество $\{\bar{X} - \bar{Y} > C\}$) при $\alpha = 0,05$ и $\beta \leq 0,1$ и односторонней проверке.

Запишем α и β через вероятности

$$\alpha = P_{\theta_0} \{ \bar{X} - \bar{Y} > C \} = 0,05$$

$$\beta = P_{\theta_1} \{ \bar{X} - \bar{Y} < C \} = 0,1$$



Для $\alpha = 0,05$ критическая точка, разделяющая область, где мы отвергаем и не имеем достаточных оснований отвергнуть H_0 , при доверительной вероятности $1 - 0,05 = 0,95$
 $\Phi_{0,95} = 1,645$ (где $1 - \beta = 0,9$: $\Phi_{0,9} = -1,282$)



По формуле критической статистики для выборок из нормального распределения с известными дисперсиями:

$$Z_{\theta_0} = \frac{(\bar{X} - \bar{Y}) - (\mu_x - \mu_y)}{\sqrt{\frac{\sigma_x^2}{n_x} + \frac{\sigma_y^2}{n_y}}} = \frac{\bar{X} - \bar{Y} - 0}{\sqrt{\frac{400 + 225}{n}}} = \frac{\bar{X} - \bar{Y}}{25} \cdot \sqrt{n} = 1,645$$

$$Z_{\theta_1} = \frac{(\bar{X} - \bar{Y}) - (\mu_x - \mu_y)}{\sqrt{\frac{\sigma_x^2}{n_x} + \frac{\sigma_y^2}{n_y}}} = \frac{\bar{X} - \bar{Y} - 10}{25} \cdot \sqrt{n} \leq -1,282$$

$$\frac{(\bar{X} - \bar{Y}) \sqrt{n}}{25} - \frac{10 \sqrt{n}}{25} \leq -1,282$$

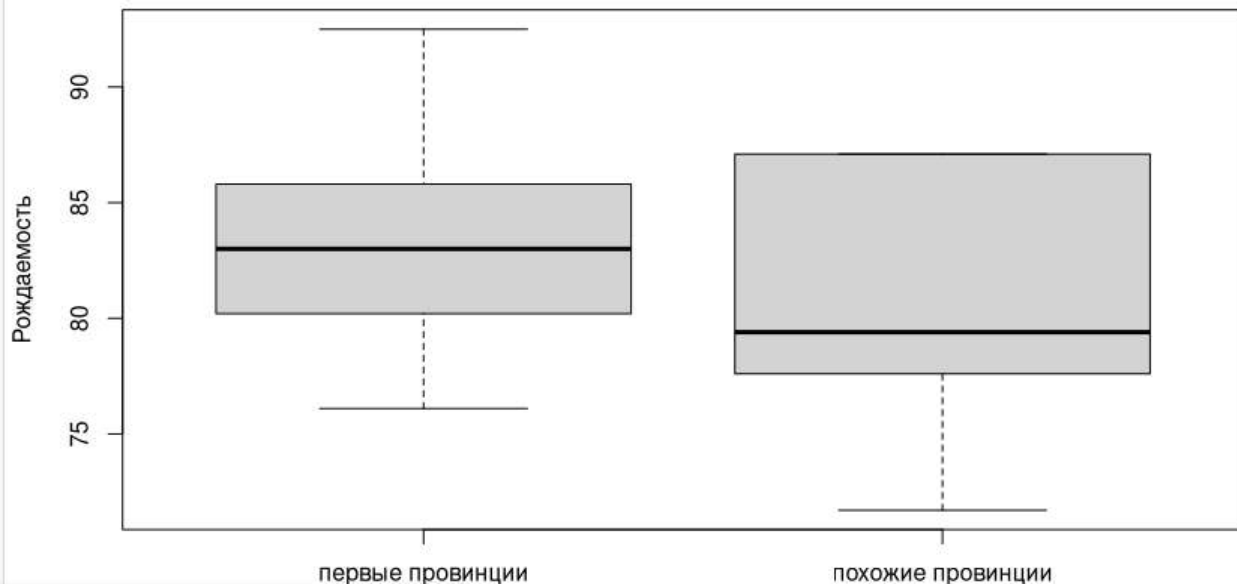
$$2,5 \cdot (1,645 + 1,282) \leq \sqrt{n} \Rightarrow n \geq 53,5, \text{ т.е. } n = 54 \\ \bar{X} - \bar{Y} = 1,645 \cdot 25 / \sqrt{n} \Rightarrow \bar{X} - \bar{Y} = 5,60, \text{ т.е. } C = 5,6$$

```
# task 2
# 1
initial swiss = swiss
scaled swiss = cbind(swiss[, 1], scale(swiss[, 2:6]))
base_pr = scaled_swiss[1:10, ]
other_pr = scaled_swiss[11:47, ]

similar_pr = rep(0, 10)
cur_pr = rep(0, 37)

for (i in 1:10){
  b = base_pr[i, 2:6]
  for (j in 1:37){
    cur_pr[j] = dist(rbind(b, other_pr[j, 2:6]), method = "euclidean")
  }
  similar_pr[i] = which.min(cur_pr)
}
similar_pr
# 7 25 25 33 7 1 1 1 25 1
# оказалось, что четыре провинции являются ближайшими к нескольким базовым провинциям
x = swiss[1:10, 1]
y = swiss[similar_pr + 10, 1]
boxplot(x, y,
  main="Сравнение рождаемости в первых 10 провинциях и 10 самых похожих на них",
  names=c("первые провинции", "похожие провинции"),
  ylab="Рождаемость")
```

Сравнение рождаемости в первых 10 провинциях и 10 самых похожих на них



заметим, что медиана первых провинций попадает в интервал (Q1, Q3) похожих выборов, # но не наоборот. Возможно, группы различаются (нр второе распределение не похоже # на нормальное).

так как у нас две независимых выборки, применим критерий Манна-Уитни

```
wilcox.test(x, y, paired = T)
# V = 40, p-value = 0.2324
# alternative hypothesis: true location shift is not equal to 0
# таким образом, нет достаточных оснований отклонить гипотезу о том, что похожи
# показатели рождаемости для первых 10 провинций и 10 самых ближайших для них
# (по социально-экономическому развитию) провинций на уровне значимости 5%.
```

```
# попробуем подобрать провинции так, чтобы все провинции были разными
cur_dist = matrix(data = 0, nrow = 10, ncol = 37)
cur_ind = matrix(data = 0, nrow = 10, ncol = 37)
```

```

for (i in 1:10){
  b = base_pr[i, 2:6]
  for (j in 1:37){
    cur_dist[i, j] = dist(rbind(b, other_pr[j, 2:6]), method = "euclidean")
  }
  cur_ind[i, ] = sort(cur_dist[i, ], index.return=TRUE)$ix
  cur_dist[i, ] = sort(cur_dist[i, ], index.return=TRUE)$x
}

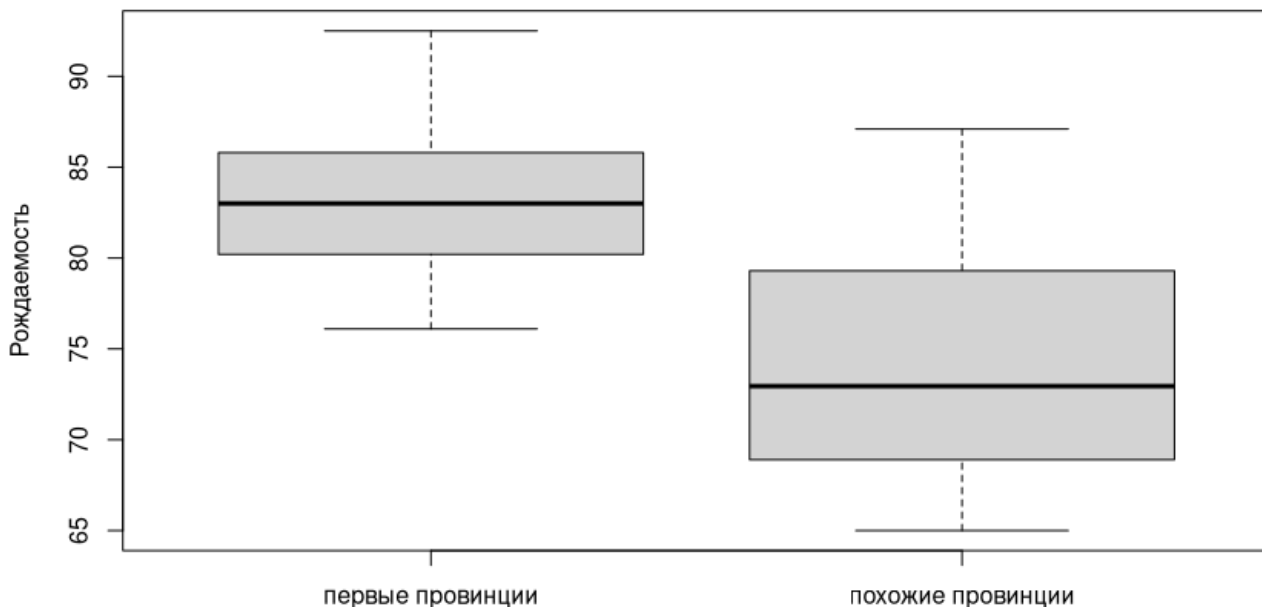
deltas = cbind(cur_dist[, 2] - cur_dist[, 1],
               cur_dist[, 3] - cur_dist[, 2],
               cur_dist[, 4] - cur_dist[, 3],
               cur_dist[, 5] - cur_dist[, 4])

# руками подбираем вектор индексов (закодировать это не смогла, но идея такая, что
# смотрим на таблицы дистанций каждой провинции с каждой, и на такую же таблицу
# индексов, отсортированные по увеличению дистанции. Далее находим разности
# дистанций между первыми эн значениями дистанций, чтобы оценить, насколько "дорого"
# обойдется для каждой из первых провинций взять не провинцию с минимальной дистанцией,
# а следующую, чтобы собрать неповторяющиеся провинции).
man_similar_pr = c(7, 28, 25, 33, 4, 16, 24, 1, 26, 20)
y = swiss[man_similar_pr + 10, 1]

boxplot(x, y,
        main="Сравнение рождаемости в первых 10 провинциях и 10 похожих на них, без повторов",
        names=c("первые провинции", "похожие провинции"),
        ylab="Рождаемость")

```

Сравнение рождаемости в первых 10 провинциях и 10 похожих на них, без повторов



```

# теперь обе медианы не попадают в интервал (Q1, Q3) для других выборок, а
# распределение показателей рождаемости стало ближе к нормальному

# так как у нас две независимых выборки, применим критерий Манна-Уитни
wilcox.test(x, y, paired = F)
# V = 55, p-value = 0.001953
# alternative hypothesis: true location shift is not equal to 0
# таким образом, если брать неповторяющиеся провинции, отклоняем нулевую гипотезу
# о том, что похожи показатели рождаемости для первых 10 провинций и 10 ближайших
# (по социально-экономическому развитию) провинций на уровне значимости 5% (и даже
# на уровне значимости меньше 1%).

```

```

# в принципе, разрешить брать повторяющиеся значения для парного сравнения - это нормально,
# и значит, что мы стараемся понять, образуют ли наши данные "хорошие" кластеры, такие, что
# если в n-мерном пространстве отдельной точкой обозначить каждую провинцию, за координаты
# принять значения стандартизованных признаков, а градиентом цвета отобразить целевой признак,
# то рядом окажутся точки примерно одного оттенка. Для того, чтобы взять не повторяющиеся
# провинции, мне понадобилось рассмотреть соседей вплоть до 5-го, и уже для такого рассмотрения
# нам пришлось отклонить нулевую гипотезу о том, что похожи показатели рождаемости, на уровне
# значимости 5%. То есть, по крайней мере при таком выборе основных 10 провинций (с 1 по 10)
# плотность кластеров - около 5 провинций на кластер.

# 2
# соберем католиков, протестантов и смешанную группу в отдельные датасеты
C = c()
P = c()
M = c()
confession = c()

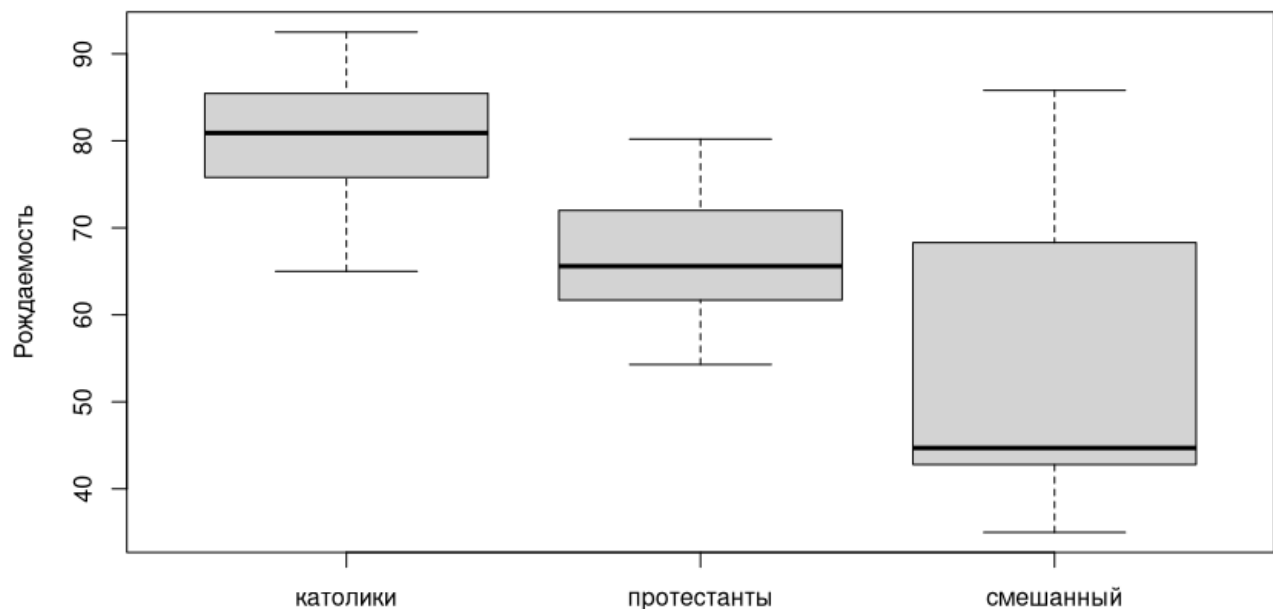
for (i in 1:47) {
  if (initial_swiss[i, 5] < 20){
    P = c(P, i)
    confession = c(confession, 'P')
  } else if (initial_swiss[i, 5] > 80) {
    C = c(C, i)
    confession = c(confession, 'C')
  } else {
    M = c(M, i)
    confession = c(confession, 'M')
  }
}

C = initial_swiss[C, ]
P = initial_swiss[P, ]
M = initial_swiss[M, ]
initial_swiss = cbind(initial_swiss, confession)

# визуализируем данные по рождаемости
boxplot(C[, 1], P[, 1], M[, 1],
        main="Сравнение рождаемости среди провинций с разным вероисповеданием",
        names=c("католики", "протестанты", "смешанный"),
        ylab="Рождаемость")

```

Сравнение рождаемости среди провинций с разным вероисповеданием




```

# смешанная группа немногочисленная, при этом у нее большой диапазон значений.
# возможно, следовало разделить на две группы и не выделять смешанную группу
# (а может это как раз выбросы из обеих групп - протестантов и католиков).
# все три группы различаются.

# т.к. у нас три независимых группы наблюдений, используем критерий Краскела-Уоллиса
kruskal.test(Fertility~confession, data = initial_swiss)
# data: Fertility by confession
# Kruskal-Wallis chi-squared = 18.948, df = 2, p-value = 7.681e-05

# на уровне значимости 5% (и даже меньше 1%) отвергаем нулевую гипотезу о том, что
# во всех трёх группах провинций уровень рождаемости имеет одно и тоже распределение.

# проведем попарные сравнения, для этого снова используем критерий Манна-Уитни
# удалим дублирующиеся значения для каждой пары по отдельности
P[-which((duplicated(c(C[, 1], P[, 1])))) - length(C[, 1]), 1] # 1 значение
wilcox.test(C[, 1], P[-which((duplicated(c(C[, 1], P[, 1])))) - length(C[, 1]), 1],
            alternative = "greater")
# W = 372.5, p-value = 1.079e-05
# alternative hypothesis: true location shift is greater than 0
# отклоняем нулевую гипотезу о том, что распределение показателя рождаемости для
# католиков меньше или равно этому показателю для протестантов на уровне значимости
# 5% (даже меньше 1%, порядка 2 тысячных процента)

(duplicated(c(M[, 1], C[, 1])) # нет дублей
wilcox.test(C[, 1], M[, 1], alternative = "greater")
# W = 67, p-value = 0.01248
# alternative hypothesis: true location shift is greater than 0
# отклоняем нулевую гипотезу о том, что распределение показателя рождаемости для
# католиков меньше или равно этому показателю для смешанной категории на уровне
# значимости 5% (даже меньше 2%)

(duplicated(c(M[, 1], P[, 1])) # нет дублей
wilcox.test(P[, 1], M[, 1], alternative = "greater")
# W = 88, p-value = 0.1175
# alternative hypothesis: true location shift is greater than 0
# нет достаточных оснований отклонить нулевую гипотезу о том, что распределение
# показателя рождаемости для протестантов меньше или равно этому показателю для
# смешанной категории на уровне значимости 5% (даже 10%)

# 3
# создаем пустую матрицу для средних значений показателя рождаемости
fert = matrix(data=NA, nrow=4, ncol=3)

# создадим вспомогательную матрицу с граничными значениями
B = matrix(data=NA, nrow=2, ncol=3)
# первая строка - % мужчин, работающих в сельском хозяйстве
B[1, 2] = 50
# вторая строка - 1 квартиль детской смертности по всему датасету
B[2, 2] = quantile(initial_swiss[, 6])["25%"]
B[1:2, 3] = 10000
B[1:2, 1] = 0

confessions = c('P', 'C', 'M')

num=1
matr = initial_swiss
for (i in 1:2){
  for (j in 1:2){
    for (conf in 1:3){
      cond12 = matr[, 2] < B[1, i + 1] & matr[, 6] < B[2, j + 1]
      cond21 = matr[, 2] > B[1, i] & matr[, 6] > B[2, j]
      ind = which(cond12 & cond21 & matr[, 7] == confessions[conf])
      if (length(ind) > 0){
        fert[num, conf] = mean(initial_swiss[ind, 1])
      } else {
        fert[num, conf] = median(initial_swiss[which(cond12 & cond21), 1])
      }
    }
    num = num + 1
  }
}
friedman.test(fert)
# Friedman chi-squared = 3.5, df = 2, p-value = 0.1738
# на уровне значимости 5% не имеем достаточно оснований отклонить нулевую гипотезу
# о том, что средний показатель рождаемости в каждой подгруппе одинаков для групп
# с разным соотношением протестантов и католиков, проживающих в провинциях Швейцарии.

```

(Использовали критерий Фридмана, так как групп больше 2, и они не независимы)

```
fert = as.data.frame(fert, row.names = c('<50 <1st q', '<50 >1st q',
                                         '>50 <1st q', '>50 >1st q'))
colnames(fert) = confessions
fert
```

```
> fert
```

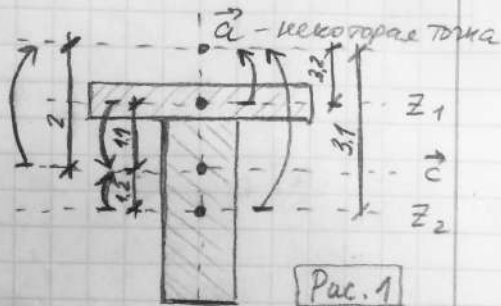
	P	C	M
<50 <1st_q	54.30000	44.650	35.00000
<50 >1st_q	68.88333	83.650	57.76667
>50 <1st_q	62.68333	78.000	65.25000
>50 >1st_q	67.75714	80.275	68.30000

№3 Теорема Штейнера - Гюйгенса:

$$I_{\vec{a}} = \sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{z}_j - \vec{a}\|^2 \quad (1)$$

$$I_{\vec{a}} = I_{\vec{c}} + M \|\vec{c} - \vec{a}\|^2 \quad (2)$$

Распишем вторую формулу через первую (*)



По смыслу, моменты инерции составной фигуры относительно точки \vec{a} можно получить либо через нахождение сумм моментов инерции каждого из объектов относительно точки \vec{a} (п.3.1, 3.2), либо сначала найти моменты инерции относительно центра тяжести \vec{c} составной фигуры каждого из объектов фигуры (1.1, 1.2), а затем найти момент инерции всей фигуры относительно точки \vec{a} (п.2)

$$(*) \downarrow I_{\vec{c}} = \sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{z}_j - \vec{c}\|^2 \quad (M = \sum_{j=1}^Q m_j, \quad Q - \text{кол-во точек/объектов } z)$$

$$M \|\vec{c} - \vec{a}\|^2 = \sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{c} - \vec{a}\|^2$$

Подставим все расписанные значения в формулу (2)

$$\sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{z}_j - \vec{a}\|^2 = \sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{z}_j - \vec{c}\|^2 + \sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{c} - \vec{a}\|^2 \quad (3)$$

В механике, нахождение центра масс фигур можно заменить на нахождение геометрического центра (среднее арифметическое положений всех точек фигур) - бариецентра - если предположим, что объект однороден по плотности

Тогда перепишем массу как произведение массы 1 точки на количество точек объекта. Положим массу одной точки, равной единице.

$$m_{ij} = 1, \quad j = 1, \dots, Q, \quad i = 1, \dots, \text{кол-во точек объекта (его масса } m_j)$$

$$\sum_{i=1}^{m_j} m_{ij} = m_j$$

$$\text{Тогда } M = \sum_{j=1}^Q m_j = \sum_{j=1}^Q \sum_{i=1}^{m_j} m_{ij}$$

Перепишем задачу на исходные данные заданные
каждым моментом инерции составной фигуры относительно её
Пусть $\begin{pmatrix} x_{ij} \\ \vec{z}_j \end{pmatrix}$ — координата i -той точки j -го объекта составной фигуры центра масс.

(рассматривает одномерный случай
либо случай с Рис. 1 — когда все точки
центров масс и произвольная точка
лежат на одной прямой — оси симметрии
составного объекта и его частей)

$x_{\cdot j}$ — k -та центромасс j -того объекта составной фигуры (\vec{c}),
 $x_{\cdot \cdot}$ — k -та центромасс (\vec{a})

Тогда количество точек j -того объекта
при единичной массе точки будет равно m_j
(n_{ij} — начальных условий заданное), $m_{ij} = 1$

$K(Q)$ — количество объектов составной фигуры

Подставим все в формулу (3).

$$\sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{z}_j - \vec{a}\|^2 = \sum_{j=1}^Q \sum_{i=1}^{m_j} m_{ij} \|\vec{z}_j - \vec{a}\|^2 \Rightarrow \sum_{j=1}^K \sum_{i=1}^{n_j} (x_{ij} - x_{\cdot \cdot})^2$$

$$\sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{z}_j - \vec{c}\|^2 = \sum_{j=1}^Q \sum_{i=1}^{m_j} m_{ij} \|\vec{z}_j - \vec{c}\|^2 \Rightarrow \sum_{j=1}^K \sum_{i=1}^{n_j} (x_{ij} - x_{\cdot j})^2$$

$$\sum_{j=1}^Q m_j \|\vec{c} - \vec{a}\|^2 = \sum_{j=1}^Q \sum_{i=1}^{m_j} m_{ij} \|\vec{c} - \vec{a}\|^2 \Rightarrow \sum_{j=1}^K \sum_{i=1}^{n_j} (x_{\cdot j} - x_{\cdot \cdot})^2 =$$

= [так как выражение под суммой не зависит от i]

$$= \sum_{j=1}^K n_j (x_{\cdot j} - x_{\cdot \cdot})^2$$

$$\text{Собираем всё вместе: } \left[\sum_{j=1}^K \sum_{i=1}^{n_j} (x_{ij} - x_{\cdot \cdot})^2 = \sum_{j=1}^K \sum_{i=1}^{n_j} (x_{ij} - x_{\cdot j})^2 + \sum_{j=1}^K n_j (x_{\cdot j} - x_{\cdot \cdot})^2 \right]$$

N4 (S_1, \dots, S_n) - вектор рангов, имеющий равномерное распределение на множестве $n!$ перестановок чисел $1, \dots, n$

1) Математическое.

Составим таблицу значение - вероятность. Так как всего n значений, а перестановок $n!$, то на i -той позиции (которая встречается $n!$ раз) для равномерного распределения можем встретить n чисел, каждое из них $n!/n = (n-1)!$ раз.

$$\begin{matrix} & \begin{matrix} S_i \\ \text{строк} \end{matrix} \\ \begin{matrix} n! \\ \text{строк} \end{matrix} & \left\{ \begin{matrix} 1, 2, \dots, n \\ 2, 1, \dots, n \\ \vdots \\ n, \dots, 2, 1 \end{matrix} \right\} \\ & \underbrace{\hspace{10em}}_{n \text{ чисел}} \end{matrix}$$

Получаем обратно вероятность встретить j -ое число (j от 1 до n) где $S_i: (n-1)!/n! = 1/n$

Тогда

i	1	2	\dots	n
p_i	$1/n$	$1/n$	\dots	$1/n$

или
$$S_i = \begin{cases} 1, 1/n \\ 2, 1/n \\ \vdots \\ n, 1/n \end{cases}$$

Найдем математическое по определению

$$\boxed{E S_i = \sum_{i=1}^n \frac{1}{n} \cdot i = \frac{1}{n} \cdot \frac{n(n+1)}{2} = \frac{n+1}{2}}, \quad \forall i=1, \dots, n$$

2) Дисперсия

Используем формулу $Var S_i = E(S_i^2) - (E S_i)^2$ (*)

$$(E S_i)^2 = \frac{(n+1)^2}{4}$$

$$E(S_i^2) = \sum_{i=1}^n \frac{1}{n} \cdot i^2, \quad \text{где } \sum_{i=1}^n i^2 \text{ найдем так:}$$

$$(i+1)^3 = i^3 + 3i^2 + 3i + 1$$

$$\sum_{i=1}^n (i+1)^3 = \sum_{i=1}^n i^3 + 3 \sum_{i=1}^n i^2 + 3 \sum_{i=1}^n i + n$$

$$\sum_{i=1}^n (i+1)^3 - \sum_{i=1}^n i^3 = 3 \sum_{i=1}^n i^2 + \frac{3n(n+1)}{2} + n$$

$$\begin{aligned}
 (n+1)^3 - 1 &= 3 \sum_{i=1}^n i^2 + \frac{3n(n+1)}{2} + n \\
 - \sum_{i=1}^n i^2 &= \left(\frac{3n(n+1)}{2} + (n+1) - (n+1)^3 \right) \cdot \frac{1}{3} = \\
 &= \frac{(3n+2-2(n+1)^2)(n+1)}{6} = \frac{(n+1)(-2n^2-4n-2+2+3n)}{6} = \\
 &= \frac{-n(2n+1)(n+1)}{6} \Rightarrow \sum_{i=1}^n i^2 = \frac{n(n+1)(2n+1)}{6}
 \end{aligned}$$

Подставляем всё в выражение для дисперсии (*)

$$\begin{aligned}
 \text{Var } S_i &= \frac{1}{n} \cdot \frac{n(n+1)(2n+1)}{6} - \frac{(n+1)^2}{4} = \frac{2(2n^2+n+2n+1)}{12} - \\
 &= \frac{3(n^2+2n+1)}{12} = \frac{4n^2-3n^2+6n-6n+2-3}{12} = \boxed{\frac{n^2-1}{12} = \text{Var } S_i}
 \end{aligned}$$

3) Ковариация

$$\text{cov}(S_i, S_j) = \mathbb{E} S_i S_j - \mathbb{E} S_i \cdot \mathbb{E} S_j \quad (**)$$

(в силу линейности нахождения, ru.wikipedia.org/wiki/Ковариация)

$$\mathbb{E} S_i = \mathbb{E} S_j = \frac{n+1}{2}, \quad \text{тогда } \mathbb{E} S_i \cdot \mathbb{E} S_j = \frac{(n+1)^2}{4}$$

Первое слагаемое найдём с помощью таблицы, где в строках запишем значения S_i , а в столбцах - S_j

$S_i \backslash S_j$	1	2	...	n
1	1·1	1·2	...	1·n
2	2·1	2·2	...	2·n
...
n	n·1	n·2	...	n·n

Так как мы рассматриваем случай $i \neq j$, то можем посчитать сумму всех значений в таблице и вычесть диагональные значения $\sum_{i=1}^n i^2$.

Сумма всех значений в таблице:

$$\begin{aligned}
 &1 \cdot (1+2+\dots+n) + 2 \cdot (1+2+\dots+n) + \dots + n \cdot (1+2+\dots+n) = \\
 &= \sum_{i=1}^n i \cdot \sum_{i=1}^n i = \frac{n^2(n+1)^2}{4}
 \end{aligned}$$

$$\text{Сумма необходимых нам значений: } \frac{n^2(n+1)^2}{4} - \frac{n(n+1)(2n+1)}{6}$$

Тогда рассматриваем $\mathbb{E} S_i S_j$ - сумму на вероятностном пространстве каждой пары, и где равномерное распределение на вероятностно одинаково где всех $n(n-1)$ элементов ($n-1$ т.к. у каждой из n строк убрать одно диагональное значение).

$$\begin{aligned}\mathbb{E} S_i S_j &= \left(\frac{n^2(n+1)^2}{4} - \frac{n(n+1)(2n+1)}{6} \right) \cdot \frac{1}{n(n-1)} = \\ &= \frac{3n(n+1)^2 - 2(n+1)(2n+1)}{12(n-1)} = \frac{(n+1)(3n^2 + 3n - 4n - 2)}{12(n-1)} = \\ &= \frac{(n+1)(3n^2 - n - 2)}{12(n-1)} = \frac{(n+1)(3n+2)(n-1)}{12(n-1)} = \frac{(3n+2)(n+1)}{12}\end{aligned}$$

Собираем обратно для ковариации (**)

$$\begin{aligned}\mathbb{E} S_i S_j - \mathbb{E} S_i \cdot \mathbb{E} S_j &= \frac{(3n+2)(n+1)}{12} - \frac{(n+1)^2}{4} = \frac{(n+1)(3n+2-3n-3)}{12} = \\ &= \frac{(n+1) \cdot (-1)}{12} = \boxed{\frac{-(n+1)}{12} = \text{cov}(S_i, S_j)}, \quad \forall i, j = 1, \dots, n, i \neq j\end{aligned}$$

N5 Две выборки, ранги R_1, \dots, R_m и S_1, \dots, S_n

Статистика Уилкоксона $W = \sum_{j=1}^n S_j$

1) Наибольшее значение W_{\max}

Так как ранги — это натуральные числа, и в случае двух выборок размера m и n без повторяющихся значений, ранги по объединённой выборке будут представлять собой ряд от 1 до $m+n$.

Тогда максимальное значение статистики получим, если все n значений окажутся справа в ряду

$1, \dots, m, \underbrace{m+1, \dots, m+n}_{n \text{ чисел}}$

$$\begin{aligned} \text{Найдём } W_{\max} &= \sum_{j=m+1}^{m+n} S_j = \sum_{j=1}^{m+n} S_j - \sum_{j=1}^m S_j = \frac{(m+n)(m+n+1)}{2} - \\ &- \frac{m(m+1)}{2} = \frac{m^2 + m \cdot n + m \cdot n + m \cdot n + n^2 + n - m^2 - m}{2} = \frac{n^2 + 2mn + n}{2} = W_{\max} \end{aligned}$$

2) Наименьшее значение W_{\min}

Рассмотрим тот же ряд. Минимальная сумма получится, если все n значений будут лежать слева.

$\underbrace{1, \dots, n}_{n \text{ чисел}}, n+1, \dots, n+m$

$$\text{Найдём } W_{\min} = \sum_{j=1}^n S_j = \frac{(n+1)n}{2} = W_{\min}$$