PCA 和流形学习算法

学号: PB21000224 姓名: 陈鸿绪 日期: 12.23

一. 背景理论:

PCA(主成分分析):

- 1. 协方差矩阵: PCA 的目标是最大化数据中的方差。通过计算协方差矩阵来衡量数据 之间的相关性,协方差矩阵中的每个元素表示两个特征之间的相关性。PCA 通过对 协方差矩阵进行特征值分解,得到特征值和特征向量,其中特征值较大的特征向量 对应的方向就是数据的主成分。
- 2. 算法原理: PCA 通过对原始特征矩阵进行特征值分解,得到特征值和特征向量。其中,特征值较大的特征向量对应的方向就是数据的主成分。因此,主成分的数目可以通过保留前 k 个最大特征值对应的特征向量得到,其中 k 是预定的主成分数目。
- 3. PCA 的主要应用: PCA 是一种广泛使用的降维技术,其应用场景包括图像压缩、人 脸识别、文本挖掘、推荐系统等。通过降维技术可以将高维度的数据转化为低维度 的数据,从而更好地理解和分析数据的内在规律和结构。

MDS(多维缩放):

- 1. 基本思想: 是将高维空间中的数据点投影到低维空间中,同时保持数据点之间的 距离关系尽可能地接近原始数据点之间的距离。MDS 的目标是使得降维后的数据点 在低维空间中的位置能够反映它们在高维空间中的相似性。
- 2. 算法原理: MDS 的理论基础包括距离度量和相似性度量。在 MDS 中,数据点之间的 距离通常使用欧氏距离或余弦相似度等度量方式来计算。为了在降维后的空间中 保持原始数据点之间的距离关系,MDS 采用优化算法来最小化所有点对之间的距离 误差的平方和。
- 3. MDS 的主要应用:现在广泛应用于社会科学、生物学、信息科学等多个领域。例如,在生物学中,MDS 算法可以用于分析基因表达数据的相似性和差异性;在信息科学中,MDS 算法可以用于数据挖掘和知识发现。

二. 实验步骤:

a. 数据处理:

- 1. 读取 mnist 数据集,查看数据集的部分数据。
- 2. 将数据集分割成标签和属性两部分。

b. PCA 的算法实现步骤:

- 1. 标准化数据(即采用中心化让样本重心在原点)。
- 2. 计算数据集协方差矩阵。
- 3. 对协方差矩阵进行特征值分解、选择主成分并降维。在选择主成分时,通常保留前 k 个最大的特征值对应的特征向量,构建出新的矩阵来近似原始数据集主成分。
- 4. 将原始数据投影到这个新的矩阵上,从而实现降维。
- 5. 最后,将 Sklearn 的 PCA 降维的结果和以上实现的 PCA 降维结果比较。(实验中分别选取了 2 个与 3 个主成分)

c. MDS 的算法实现步骤:

- 1. 计算高维空间中样本之间的距离,得到距离矩阵(可以是欧式距离,也可以采用其他距离函数)。
- 2. 使用特征值分解,得到对角阵和正交向量组。
- 3. 选取对角阵中最大的若干个特征值和对应的向量,将 $X'\Lambda'X'^T$ 分解成 ZZ^T ,即有 $Z=X'\Lambda'^{\frac{1}{2}}$ 。得到高维坐标对应的低维坐标。
- 4. 选取不同主成分实验中分别选取了 2 个与 3 个主成分),结合标签,进行低维向量 绘图。

三. 关键代码:

1. PCA 算法的实现:

def PCA(X, dim=2) :

mean df = X. mean()

```
#为了样本中心化计算样本重心位置
   centred_df = X. sub (mean_df, axis=1)
   #进行样本中心化
    cov_centred_df = np. dot(centred_df. T, centred_df)
   #计算协方差矩阵
   PCA_eigenvalues, PCA_eigenvector = np. linalg. eigh(cov_centred_df)
   #得到向量组是正交矩阵的特征值分解
   PCA_eigenvector_T = PCA_eigenvector.T
   #向量组需要转置
   PCA_eigenvector_T = np.flip(PCA_eigenvector_T, axis=0)
   PCA_eigenvector_T_cut = PCA_eigenvector_T[:dim]
   #选取前 dim 个特征值最大对应的特征向量
   PCA Result = pd.DataFrame(np.dot(centred_df,PCA_eigenvector_T_cut.T))
   #将矩阵作用在原来的数据集上
   return PCA_Result
   #返回低维坐标结果
2. MDS 算法的实现:
def MDS(df, dim=2) :
   B = np. array([np. zeros(len(df))]*len(df))
   #初始化低维空间的内积矩阵
    dist_X = np. array([np. zeros(len(df))]*len(df))
   #初始化距离矩阵
   centred_df_np = np. array(centred_df)
   for i in range(len(df)):
```

```
for j in range(len(df)):
           #以下距离矩阵中都取了平方是为了后续不用计算过程中再取平方
           dist X[i][j] = np. sum(abs(centred df np[i]-
centred df np[j])**6)**(1/3)
          #上面采用欧式距离衡量高维空间的样本距离
          #dist X[i][j] = np. max(centred df np[i]-centred df np[j])**2
          #dist X[i][j] = np. sum((centred df np[i]-centred df np[j])**2)
           #dist_X[i][j] = np. sum(np. sum(centred_df_np[i]-
centred_df_np[j]))**2
           #以上采取其他的距离度量
   dist X sum = dist X. sum(axis = 0)/len(df)
   dist X sum all = dist X. sum()/(len(df)**2)
   for i in range(len(df)):
       for j in range(len(df)):
          B[i][j] = -0.5*(dist X[i][j]-dist X sum[j]-
dist_X_sum[i]+dist_X_sum_all)
   #根据公式计算内积矩阵 B
   MDS_eigenvalues, MDS_eigenvector = np. linalg.eigh(B)
   #得到向量组是正交矩阵的特征值分解
    MDS Result =
np. dot(np. diag(np. sqrt(np. flip(MDS_eigenvalues)[0:dim])), np. flip(MDS_eigenvecto
r. T, axis=0) [0:dim]). T
    #通过 B 的分解得到 Z 的矩阵, 即获得高维坐标对应的低维坐标
   return MDS_Result
    #返回低维坐标结果
```

四. 结果分析和结论:

1. PCA 降维实验结果:

	0	1
0	-673.858840	-29.990507
1	-254.873896	-936.709765
2	-358.126501	781.144783
3	-867.130962	-358.526281
4	-582.996280	-934.002072
403	-440.586048	-712.932881
404	255.758636	55.149979
405	294.652460	-494.401949
406	-721.124659	1058.315331
407	688.723540	45.993653

本人 PCA 算法实验结果(二维)

	0	1
0	-673.859423	29.990567
1	-254.874155	936.707884
2	-358.127160	-781.146024
3	-867.132434	358.525890
4	-582.995521	934.001496
403	-440.586076	712.932230
404	255.758177	-55.150727
405	294.653182	494.400511
406	-721.125334	-1058.316185
407	688.723080	-45.994028

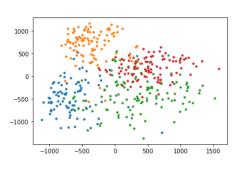
Sklearn 库中 PCA 算法实验结果 (二维)

	0	1	2
	673.050040	20.000507	214000100
0	-673.858840	-29.990507	314.968169
1	-254.873896	-936.709765	20.991886
2	-358.126501	781.144783	607.774357
3	-867.130962	-358.526281	-268.695038
4	-582.996280	-934.002072	185.565198
403	-440.586048	-712.932881	183.953253
404	255.758636	55.149979	28.615792
405	294.652460	-494.401949	190.933909
406	-721.124659	1058.315331	89.133345
407	688.723540	45.993653	-445.437476

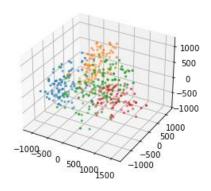
本人 PCA 算法实验结果 (三维)



Sklearn 库中 PCA 算法实验结果 (三维)



降维到二维的可视化



降维到三维的可视化

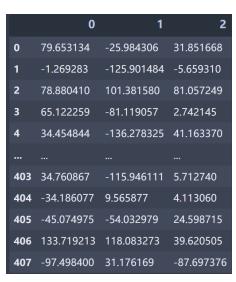
分析与结论:对比两者结果,可以发现两者的误差大部分在 1e-3 精度以内,两者降维得到的坐标绝对值基本一致,误差主要是特征值分解时 Sklearn 和本人实现算法中采用的不同迭代算法或终止条件的差异导致。正负号的差异则是由于特征值分解的特征向量可以有不同的值。在最后可视化结果中,无论是二维还是三维,虽然可以明显看到四个都各自形成了簇,但发现标签的四种类别重叠的部分很多,说明 PCA 降维提取主成分之后并没有有效将差别拉开。最后降维结果并不是很理想。

2. MDS 降维实验结果

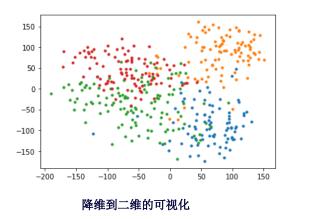
以下实验中, 高维空间的距离度量采用的是向量的 6 范数:

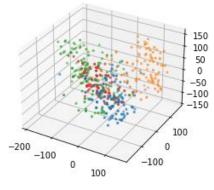
	0	1
0	79.653134	-25.984306
1	-1.269283	-125.901484
2	78.880410	101.381580
3	65.122259	-81.119057
4	34.454844	-136.278325
•••		
403	34.760867	-115.946111
404	-34.186077	9.565877
405	-45.074975	-54.032979
406	133.719213	118.083273
407	-97.498400	31.176169

本人 MDS 算法实验结果 (二维)



本人 MDS 算法实验结果 (三维)





降维到三维的可视化

分析与结论:实际上在构造距离矩阵的时候,如果高维空间采取欧式距离度量,则情况就会退化到 PCA 降维,和之前的实验结果一致。所以这里实验采用的是 6 范数的距离度量(其他 p 范数也可以)。可视化结果可以发现无论是二维还是三维,虽然可以明显看到四

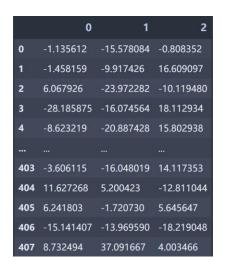
个都各自形成了簇,但发现标签的四种类别重叠部分相对较多。所以对于该数据集,MDS 也不是很好的降维方式。在换了其他的距离度量情况下,本人也分别进行了实验分析,但是结果不理想,发现对该数据集,只有在 p 范数距离度量下,实验结果才相对比较理想。

3. t-SNE 降维实验结果

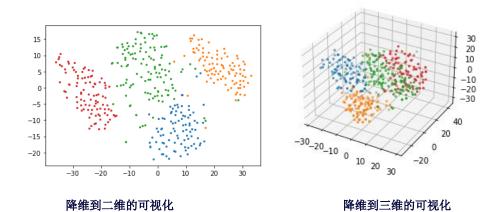
t-SNE 算法本人没有手动实现,而是使用 Sklearn 库中现有函数,得到以下实验结果。



Skearn t-SNE 结果(二维)



Skearn t-SNE 结果 (三维)



分析与结论:无论是二维还是三维,可以发现 t-SNE 的实验结果非常理想,不同类别簇之间的距离被拉得相对较远,基本没有重叠的部分,所以基本可以认定 t-SNE 在此数据集上的效果是三者中最好的。且由此可以合理猜测:对于 PCA 降维不能有效拉开不同簇之间距离的情况,t-SNE 算法可以将不同簇之间距离有效控制从而避免过多重叠。