

Complexidade de Algoritmos

Prof. Rafael Alceste Berri rafaelberri@gmail.com

Prof. Diego Buchinger diego.buchinger@outlook.com

Prof. Cristiano Damiani Vasconcellos cristiano.vasconcellos@udesc.br



Abordagens para Resolução de Problemas



Programação Dinâmica

(Dynamic Programming)

Uma abordagem auxiliar para reduzir a computação em problemas de otimização.

Consiste em dividir o problema original em subproblemas mais simples, resolvê-los, armazenar os resultados em memória e consultar estes resultados posteriormente a fim de reduzir o espaço de busca.

Resultados são calculados apenas uma vez (nunca são recalculados por outra iteração)



Programação Dinâmica

(Dynamic Programming)

Alguns problemas que podem ser resolvidos com programação dinâmica:

- Fibonacci
- Problema do Menor Troco não canônico
- Problema da Mochila Binária (0/1)
- Maior Subsequência Comum
- Multiplicação de Cadeias de Matrizes
- Sokoban



Fibonacci

O modelo recursivo de Fibonacci pode ser extremamente ruim dependendo da implementação:

```
int fib(int n) {
   if( n<=1 ) return n;
   return fib(n-1) + fib(n-2);
}</pre>
```



Fibonacci

Para entender a programação dinâmica, talvez o problema da sequencia de Fibonacci seja o exemplo mais simples para demonstrar o seu uso.

A ideia é utilizar uma estrutura auxiliar para armazenar os resultados e utilizá-los posteriormente



Fibonacci

Abordagem top-down (Memorization)

O vetor **F** é inicializado

```
Fib(n)

se n \le 1 então
retorne n

senão

se \mathbf{F}[n] está indefinido
\mathbf{F}[n] \leftarrow \mathrm{Fib}(n-1) + \mathrm{Fib}(n-2)
retorne \mathbf{F}[n]

// recursividade
```



Fibonacci **Abordagem** *bottom-up*

```
Fib(n)
\mathbf{F[0]} = 0
\mathbf{F[1]} = 1
\text{para } i \leftarrow 2 \text{ até } n
\mathbf{F[i]} = \text{F}[i - 2] + \text{F}[i - 1]
\text{retorne } \mathbf{F[n]}
```



Problema do Melhor Troco não canônico

Como visto anteriormente, para sistemas monetários **não canônicos** a abordagem gulosa pode não resultar no melhor resultado!

Nesse caso, podemos usar programação dinâmica como um método eficiente para encontrar o melhor troco:

Exemplo Trivial: Moedas disponíveis: 0.01, 0.03, 0.04

Valor do troco: \$ 0.06

Qual é o número mínimo de moedas para o troco?



Problema do Melhor Troco não canônico

Exemplo Trivial: Moedas disponíveis: 0.01, 0.03, 0.04

Valor do troco: \$ 0.06

Considere as moedas como um vetor: $M = \{1, 3, 4\}$ Inicialmente assumimos que o troco para 0.00 precisa de zero moedas T(0) = 0

E seguimos iterativamente até o troco desejado usando a fórmula:

$$T(n) = min(1+T(n-M[0]), 1+T(n-M[1]), 1+T(n-M[2])$$



Problema do Melhor Troco não canônico

Exemplo Trivial: Moedas disponíveis: 1, 3, 4

Valor do troco: \$ 0.06

$$T(0) = 0$$

$$T(n) = min(1+T(n-M[0]), 1+T(n-M[1]), 1+T(n-M[2]))$$

$$T(1) = min(1+T(1-1), 1+\frac{T(1-3)}{1+T(2-3)}, 1+\frac{T(1-4)}{1+T(2-4)}) = 1$$

$$T(2) = min(1+T(2-1), 1+\frac{T(2-3)}{1+T(3-3)}, 1+\frac{T(3-4)}{1+T(3-4)}) = 1$$

$$(...)$$

Complexidade de tempo => Θ (n * |M|) Complexidade de espaço => Θ (n)



Dark Version: Um ladrão está assaltando uma loja e possui uma mochila que pode carregar até **P** kg sem arrebentar. Sabendo os pesos e valores dos itens, qual é o maior valor possível que o ladrão conseguirá roubar?

- Na versão da mochila binária os elementos só podem ser pegos como um todo (não podemos pegar metade de um item – ou pega, ou não pega).
- Exemplo: Mochila com capacidade 9 kg

Objetos	1	2	3	4	5	6
Peso	1	3	2	5	7	9
Valor	3	2	4	7	9	12



Solução Matricial

Montamos uma matriz para armazenar as melhores soluções intermediárias e as usamos para gerar as próximas soluções;

Objetos	1	2	3	4	5	6
Peso	1	3	2	5	7	9
Valor	3	2	4	7	9	12



Solução Matricial

Objetos	1	2	3	4	5	6
Peso	1	3	2	5	7	9
Valor	3	2	4	7	9	12

Item / Capacidade	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
1	0	3	3	3	3	3	3	3	3	3
2	0	3	3	3	5	5	5	5	5	5
3	0	3	4	7	7	7	9	9	9	9
4	0	3	4	7	7	7	10	11	14	14
5	0	3	4	7	7	7	10	11	14	14
6	0	3	4	7	7	7	10	11	14	14

Solução Matricial

```
Complexidade de tempo \Rightarrow \Theta ( peso * qtd-itens )
```

Complexidade de espaço $\Rightarrow \Theta$ (peso * qtd-itens)



Maior Subsequência Comum

Longest Common Subsequence

Dadas duas strings S e T, qual é maior subsequência (sequencia não necessariamente contígua), da esquerda para a direita, entre estas strings?

• Exemplo: S = ABAZDC

T = BACBAD

Resposta?

Resolução similar a abordagem matricial para resolver o problema da mochila.



Maior Subsequência Comum

Longest Common Subsequence

Solução Matricial

pA/pB		A	В	A	Z	D	С	
	0	0	0	0	0	0	0	1 - Preenche linha
В	0							e coluna fictícia
Α	0							
С	0					2	– u	sar regra:
В	0		SE] Aq	i] =	== p	B[j]	:
А	0			m [[-1][j-1] + 1
D	0		SENÃO $m[i][j] = max(m[i-1][j],$					
							m	[i][j-1])



Maior Subsequência Comum

Longest Common Subsequence

Solução Matricial

pA/pB		A	В	Α	Z	D	С
	0	0	0	0	0	0	0
В	0	0	1	1	1	1	1
А	0	1	1	2	2	2	2
С	0	1	1	2	2	2	3
В	0	1	2	2	2	2	3
Α	0	1	2	3	3	3	3
D	0	1	2	3	3	4	4



Matrix Chain Multiplication

Dadas uma sequencia de n matrizes, qual é a melhor ordem para multiplicá-las a fim de realizar menos multiplicações.

OBS: a multiplicação entre matrizes é associativa, logo
$$(AB)(CD) = A(B(CD)) = (AB)C)D = (A(BC))D = A((BC)D)$$

$$M_1 = (2,3)$$

$$M_2 = (3,6)$$

$$M_3 = (6,4)$$

$$M_4 = (4,5)$$

$$M_{1*}M_{2} = 2*3*6 = 36$$

$$M_{2*}M_{3} = 3*6*4 = 72$$

$$M_{3*} M_{4} = 6 * 4 * 5 = 120$$



Matrix Chain Multiplication

$$M_1 = (2,3)$$

$$M_2 = (3,6)$$

$$M_3 = (6,4)$$

$$M_4 = (4,5)$$

$$M_{1*}M_{2} = 2*3*6 = 36$$

$$M_2 * M_3 = 3 * 6 * 4 = 72$$

$$M_{3*} M_{4} = 6 * 4 * 5 = 120$$

MATRIZ	1	2	3	4
1	0	36		
2		0	72	
3			0	120
4				0

MATRIZ	1	2	3	4
1	0	1		
2		0	2	
3			0	3
4				0



Matrix Chain Multiplication

$$M_1 = (2,3)$$
 $(M_1 * M_2) M_3 = 36 + 2 * 6 * 4 = 84$
 $M_2 = (3,6)$ $M_1 (M_2 * M_3) = 2 * 3 * 4 + 72 = 96$
 $M_3 = (6,4)$ $(M_2 * M_3) M_4 = 72 + 3 * 4 * 5 = 132$
 $M_4 = (4,5)$ $M_2 (M_3 * M_4) = 3 * 6 * 5 + 120 = 210$

MATRIZ	1	2	3	4
1	0	36	84	
2		0	72	132
3			0	120
4				0

MATRIZ	1	2	3	4
1	0	1	2	
2		0	2	3
3			0	3
4				0



Matrix Chain Multiplication

$$M_1 = (2,3)$$
 $(M_1 M_2 M_3) M_4 = 84 + 2 * 4 * 5 = 124$
 $M_2 = (3,6)$ $(M_1 M_2)^* (M_3 M_4) = 36 + 2 * 6 * 5 + 120 = 216$
 $M_3 = (6,4)$ $M_1 (M_2 M_3 M_4) = 2 * 3 * 5 + 132 = 162$
 $M_4 = (4,5)$

MATRIZ	1	2	3	4
1	0	36	84	124
2		0	72	132
3			0	120
4				0

MATRIZ	1	2	3	4
1	0	1	2	3
2		0	2	3
3			0	3
4				0



Matrix Chain Multiplication

PSEUDOCÓDIGO



Matrix Chain Multiplication

PSEUDOCÓDIGO

```
PRINT-EQUACAO ( s[n][n], i, j )
    se i == j
        print "M" + i
    senão
        print "("
        PRINT-EQUACAO( s, i, s[i, j])
        PRINT-EQUACAO( s, s[i, j] + 1, j)
        print ")"
```

MATRIZ	1	2	3	4
1	0	1	2	3
2		0	2	3
3			0	3
4				0

```
P-E (1,4)
P-E(1,3)
P-E(1,2)
P-E(1,1) => "M1"
P-E(2,2) => "M2"
P-E(3,3) => "M3"
P-E(4,4) => "M4"

(M1 M2) M3) M4)
```



Sokoban

Abordagem usando programação dinâmica

Posição do jogador (x,y) | Posição das caixas (x,y)

(1,2) | (2,2) = > [1][2][2][2] = 0 (movimentos)





Algoritmos de Aproximação

(Approximation Algorithms)

Existem alguns problemas os quais não se conhece uma solução eficiente. Dizemos que estes problemas são "difíceis" ou intratáveis pois, para instâncias grandes, o tempo de processamento seria inviável.

Nestas situações é comum remover a exigência de procurar pela solução ótima e passamos a procurar por uma solução próxima da ótima (solução boa / razoável)



Algoritmos de Aproximação

(Approximation Algorithms)

Existem duas abordagens principais:

- **Heurística/Metaheurísticas**: algoritmo que buscam soluções próximas a solução ótima. Utilizam alguma informação (ou intuição) sobre a instância do problema para resolvê-lo de forma eficiente. Podem ser genéricas (servem p/ vários problemas).
- Algoritmo Aproximado: algoritmo que resolve um problema de forma eficiente e ainda garante a qualidade da solução. É necessário provar que a solução está próxima da ótima. Geralmente únicos para cada problema.

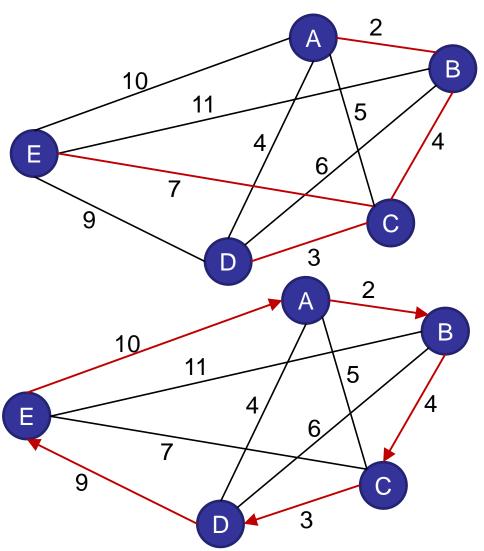


Metaheurísticas

- Algoritmos Bio-inspirados: algoritmo baseados no comportamento de seres vivos:
 - Algoritmos genéticos: gera soluções, escolhe as melhores (seleção natural) e gera um novo ciclo, oferecendo espaço para mutações (alterações nos componentes das soluções).
 - Colônia de formigas: modela a geração de soluções baseado no comportamento das formigas com comunicação através do ambiente (como elas sempre encontram um doce?!).
 - Enxame de partículas: se baseia em princípios da revoada de pássaros com influência local (histórico de cada partícula) e global/social (histórico geral)



Algoritmos Aproximados



Caixeiro Viajante

Dado o grafo G = (V, A) e o custo c:

- 1. Selecione um vértice $r \in V$ para ser o vértice raiz.
- 2. Obtenha a ávore geradora mínima a partir de *r*.
- 3. Faça *H* ser a lista de vertices ordenados de acordo com a primeira visita, considerando um percurso em pré-ordem, retornando a *r*.

Se a função custo satisfaz a desigualdade de triângulos: c(u, w) < c(u, v) + c(v, w)

$$c(H) < 2c(\acute{o}timo)$$



Exercícios 1

• O pequeno Turing exagerou na quantidade de disciplinas neste semestre. Para passar nas provas finais ele precisa estudar uma quantidade de tempo para cada disciplina. Se ele estudar o tempo necessário com certeza será aprovado, caso contrário, certamente reprovará. Cada disciplina tem a sua importância subjetiva (is) para o menino, sendo que ele quer maximizar este índice de importância uma vez que sabe que não tem tempo viável para estudar para todas as disciplinas. Dada a lista de disciplinas e sua importância subjetiva, descubra qual o melhor cronograma de estudo para Turing a fim de maximizar a importância subjetiva (is) na aprovação (mostre a tabela utilizada na solução).



Exercícios 1

- Tempo disponível: 16 horas
- o Disciplinas:

```
- ALP (3h - 5is); - PAP (5h - 3is);
```

$$- CAL (6h - 6is); - BAN (4h - 4is);$$

$$- REC (9h - 5is); - PPR (3h - 2is);$$

$$-$$
 TEC (8h $-$ 6is); $-$ SOP (4h $-$ 4is);



Exercícios 2

• Considere as strings *genoma* e *feature* que representam, respectivamente, uma parte do genoma de uma criatura e uma determinada característica de interesse. Deseja-se descobrir qual é a maior subsequência comum (sequencia de caracteres iguais, mas não necessariamente contíguas) entre essas duas cadeias de caracteres:

genoma: ACCUGTATAUCGUCACTU

feature: GCAUTTC