



logo

SeC (TCA) (-)	. GGAAGGCAATCACGCCCGGTGGCGTGGCCGGACTTCAAATCCGGTGGGGGACGGCAGCCGTTCTCTGG	GTG	GGTTCGAC	TCC	CACTGCCTTCC...	92					
Gln (TTG) ()	AGGGGCG. TCGCCAAGCGGTAAGGCA. GCAGGTTT	TGATCCTGCCATTG	CGTT	GGTTCGAATCC	AGCCGCGCCTTGCCA.	75				
Met (CAT) ()	GGGCCTATAGCTCAGTCGGTTAGAGCA. GAGGACTC	ATAATCCTTTGGT	CCAC	GGTTCGAG	TCCGTGTGGGCCCA	77				
Met (CAT) ()	GGCTACATAGCTCAGTCGGTTAGAGCG. CAGCATT	ATAATGCTGATGT	CCCA	GGTTC	AAGTCCCGGTGTAGCCACCA.	77				
Val (GAC) ()	AGGCACGTAGCTCAGTTGGTTAGAGCA. CCACCTTG	ACATGGTGGGGGT	CGTT	GGTTCGAATCC	AATCGTGCCTACCA.	77				
Ile (GAT) ()	GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTTAGAGCG. CACCCCTG	ATAAGGGTGAGGT	CGGC	AGTTCGAAT	TGCCCAGACCCACCA.	77				
Thr (GGT) (-)	. GCTCATGTAGCTCAGTTGGTAGAGCA. CACCCTTG	GTAAGGTTGAGGT	CAGC	GGTTC	AAATCCGCTCATGAGCTCCA.	76				
Asn (GTT) ()	. TGACGTGTAGCTCAGAGGTAGAGCG. GTCGGCTG	TTACCCGATTGGT	CGAT	GGTTCGAT	CCCATCCGCGTCAGCCA.	75				
Met (CAT) (-)	CGCGGGGTGGAGCAGTCTGGTAGCTCG. TCGGGCTC	ATAACCCGAAGGT	CGTT	GGTTC	AAATCCAGCCCCCGCAA	77				
Met (CAT) ()	CGCGGGATGGAGCAGTCTGGTAGCTCG. TCGGGCTC	ATAACCCGAAGGT	CGTT	GGTTC	AAATCCAGCTCCCGCAA	77				
Pro (GGG) ()	CGGGGCGTAGCGCAGCCTGGTAGCGCA. CTTGCATG	GGGTGCAAGGGGT	CGAGT	GTTTCGAAT	CACTCCGTCCCGACCA.	77				
Pro (TGG) ()	CGGGGTATAGCGCAGTCCGGTAGCGCG. CCTGCTTT	GGGAGCAGGATGT	CGGA	GTTTCGAAT	TCTCTACCCCGACCA.	77				
Pro (CGG) (-)	CGGAGCGTAGCGCAGCTTGGTAGCGCG. TCTCGTTT	GGGACGAGAAGGT	CGCT	GGTTCGAATCC	AGTCGCTCCGACCA.	77				
Leu (TAG) (-)	GCGGACGTGGTGAATTGGTAGACACA. CTGGATTT	... AGGTT	... CCAGCGCCGCAA	.. GGCGT	GAGAGTTCGAGT	TCTCCGTCCGCA	85				
Leu (GAG) (-)	GCCGAGGTGGTGAATTGGTAGACACG. CTACCTTG	... AGGTG	... GTAGTGGCCA	. TAGGCTGTAGG	GGTTCGAGT	TCCCTCTCGGTACCA.	86				
Leu (CAG) ()	GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCA. CTAGGTTC	... AGGTC	... CTAGCGGTGGCAACACCGT	GGAAGTTCGAGT	TCTCTCCTGGGCA	87					
Leu (CAG) ()	GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCA. CTAGGTTC	... AGGTC	... CTAGCGGTGGCAACACCGT	GGAAGTTCGAGT	TCTCTCCTGGGCA	87					
Leu (CAA) ()	GCCTCGGTGGCGGAATCGGTAGACGCG. GCGGATT	... AAAAT	... CCGTTCTGGCGACAGAGT	GAGAGTTCGAGT	TCTCCCGAGGCACCA.	87					
Glu (TTC) ()	GTCCCCCTTCGTCT	. AGTGGCCT	... AGGACACC	. GCCCTTTT	CACGGCGGTAA	CAGG	GGTTCGAGT	TCC	CCTAGGGGACG	76
Glu (TTC) ()	GTCCCCCTTCGTCT	. AGTGGCCT	... AGGACACC	. GCCCTTTT	CACGGCGGTAA	CAGG	GGTTCGAGT	TCC	CCTAGGGGACG	76
Glu (TTC) ()	GTCCCCCTTCGTCT	. AGTGGCCT	... AGGACACC	. GCCCTTTT	CACGGCGGTAA	CAGG	GGTTCGAGT	TCC	CCTAGGGGACG	76
Lys (TTT) (-)	. GGGGCTT	... TAAAACCCCTTCCTAG	. AGAGACCT	... AGGCCAATTGTCTTTT	TAACCAATTGGT	CGTAG	GGTTCGAAT	TCC	TACACGACCCACCA.	86	
Lys (TTT) ()	GGGTCTGTAGCT	. CAGTCGGT	... AGAGCAGTTGGCTTTT	TAACCAATTGGT	CGTAG	GGTTCGAAT	TCC	TACACGACCCACCA.	76	
Lys (TTT) (-)	GGGTCTGTAGCT	. CAGTCGGT	... AGAGCAGTTGGCTTTT	TAACCAATTGGT	CGTAG	GGTTCGAAT	TCC	TACACGACCCACCA.	76	
Val (TAC) ()	GGGTGATTAGCT	. CAGCTGGG	... AGAGCATCTGCCTT	ACAAGCAGAGGGT	CGGC	GGTTCGAT	TCC	GTCATCACCCACCA.	76	
Val (TAC) (-)	GGGTGATTAGCT	. CAGCTGGG	... AGAGCATCTGCCTT	ACAAGCAGAGGGT	CGGC	GGTTCGAT	TCC	GTCATCACCCACCA.	76	
Ala (GGC) ()	GGGGCTATAGCT	. CAGCTGGG	... AGAGCGCTTGCATGGCAT	GCAAGAGGT	CGAC	GGTTCGAT	TCC	GCTAGCTCCACCA.	76	
Ala (GGC) ()	GGGGCTATAGCT	. CAGCTGGG	... AGAGCGCTTGCATGGCAT	GCAAGAGGT	CGAC	GGTTCGAT	TCC	GCTAGCTCCACCA.	76	
Ala (TGC) ()	GGGGCCATAGCT	. CAGCTGGG	... AGAGCGCCTGCTTTG	CACGCAGGAGGT	CAGG	AGTTCGAT	CTC	CTTGGCTCCACCA.	76	
Gly (CCC) (-)	GCGGGCGTCGT	. ATAATGGC	... ATTACCTG	. AGCTTCCCAAGCTCATGA	CGAG	GGTTCGAT	TCC	CTTCGCCCCTCCA.	74	
Gly (TCC) (-)	GCGGGTATAGT	. TCAGTGGT	... AGAACCTC	. AGCCTTCCAAGCTGATGAT	GCG	GGTTCGAT	TCC	CGCTACCCGCTCCA.	74	
Cys (GCA) ()	GGCTGA	. GTAGC	. AGAGTGGT	... TATGCACC	. GGATTGCAATCCGTGAA	CGCC	GGTTCGAT	TCC	GACCTCAGCCTCCA.	74
Trp (CCA) (-)	AGGCCAGTAGCT	. CAATTGGC	... AGAGCGGCGGTCT	CCAAAACCGCAGGTT	GGG	GGTTCGAT	TCC	CTCCTGGCCCTGCCA.	76	
Gly (TCC) ()	GCGGCTTAGCT	. CAACCGGC	... AGAGCACTGTCTT	CCAAGTCAGATGTT	GCG	GGTTC	AAGTCC	CGCGAGCGCTCCA.	76	
Gly (GCC) ()	GCGGGAATAGCT	. CAGTTGGT	... AGAGCACGACCTT	GCCAAGGT	CGGGGT	CGCG	AGTTCGAGT	TCT	CGTTTTCCCGCTCCA.	76
Gly (GCC) ()	GCGGGAATAGCT	. CAGTTGGT	... AGAGCACGACCTT	GCCAAGGT	CGGGGT	CGCG	AGTTCGAGT	TCT	CGTTTTCCCGCTCCA.	76
Gly (GCC) ()	GCGGGAATAGCT	. CAGTTGGT	... AGAGCACGACCTT	GCCAAGGT	CGGGGT	CGCG	AGTTCGAGT	TCT	CGTTTTCCCGCTCCA.	76
His (GTG) (-)	GTGGGCGTAGCT	. CAGTTGGT	... AGAGCACAGGATT	GTGGCTCCTGGTGT	CGTG	GGTTCGAT	TCC	CATCGTCCACCCCA.	76	
His (GTG) (-)	GTGGGCGTAGCT	. CAGTTGGT	... AGAGCACAGGATT	GTGGCTCCTGGTGT	CGTG	GGTTCGAT	TCC	CATCGTCCACCCCA.	76	
Phe (GAA) ()	GCCCAGGTAGCT	. CAGTTGGT	... AGAGCAGGGGATT	GAAATCCCCGTGT	CGGC	GGTTCGAT	TCC	GTCCTGGGCAACCA.	76	
Thr (CGT) (-)	GCCGGATTAGCT	. CAGTCGGT	... AGAGCAGCTCATT	CGTAATGAGAAGGT	CGGG	GGTTCGAT	TCC	TCTATCCGGCACCA.	76	
Asn (GTT) (-)	TCCGCGATAGCT	. CAGTCGGT	... AGAGCAAATGACT	GTTAATCATTGGGT	CCCT	GGTTCGAGT	TCC	AGGTGCGGGAGCCA.	76	
Asn (GTT) ()	TCCGCGATAGCT	. CAGTCGGT	... AGAGCAAATGACT	GTTAATCATTGGGT	CCCT	GGTTCGAGT	TCC	AGGTGCGGGAGCCA.	76	
Thr (TGT) ()	GCCGGTATAGCT	. CAGCTGGT	... AGAGCAACTGACTT	GTAATCAGTAGGT	CCCG	GGTTCGAC	TCC	TGGTGCCGGCACCA.	76	
Thr (TGT) (-)	GCCGGTATGGCG	. CAACAGGG	... AGCGTGCTGATT	TGTAAATCAGAGGGTT	GCG	GGTTCGAC	TCC	TGCTGCCGGCACCA.	76	
Thr (TGT) ()	GCCGGTATGGCG	. CAACAGGG	... AGCGTGCTGATT	TGTAAATCAGAGGGTT	GCG	GGTTCGAC	TCC	TGCTGCCGGCACCA	77	
Arg (ACG) (-)	GGTTCGATAGCTC	. AGCCTGGT	... AGAGCAACCAT	CCACGAAATGGTCTGT	CGCG	GGTTCGAC	TCC	CGCTCGAACGT	...	74
Asp (GTC) ()	GCAGCGGTAGTTC	. AGTCGGTT	... AGAATACCGGCCT	GTCACGCCGGGGGT	CGCG	GGTTCGAGT	TCC	CGTCCGCTGCG	CCA.	77
Asp (GTC) ()	GCAGCGGTAGTTC	. AGTCGGTT	... AGAATACCGGCCT	GTCACGCCGGGGGT	CGCG	GGTTCGAGT	TCC	CGTCCGCTGCG	CCA.	77
Asp (GTC) (-)	GCAGCGGTAGTTC	. AGTCGGTT	... AGAATACCGGCCT	GTCACGCCGGGGGT	CGCG	GGTTCGAGT	TCC	CGTCCGCTGCG	CCA.	77
Asp (GTC) (-)	GCAGCGGTAGTTC	. AGTCGGTT	... AGAATACCGGCCT	GTCACGCCGGGGGT	CGCG	GGTTCGAGT	TCC	CGTCCGCTTCCG	CCA.	77
Arg (CCT) (-)	GTCCCGGTAGCTC	. AATTGGAT	... AGAGCATCCCCCT	CCTAAGGGGAAGGTT	GGA	GGTTCGAC	CC	TCTCCGGGACG	CCA.	77
Arg (TCT) (-)	GCGCCCGTAGCTC	. AGCTGGAT	... AGAGCATCCGCCTT	CCTAAGCGGATGGT	CGCA	GGTTCGAGT	TCC	TGCCGGGTGCG	CCA.	77
Arg (ACG) (-)	GCACTCATAGCTC	. AGCTGGAT	... AGAGTACTCGGCT	ACGAACCGAGCGGT	CGGA	GGTTCGAAT	TCC	TCTGAGTGCG	CCA.	77
Arg (ACG) (-)	GCACTCATAGCTC	. AGCTGGAT	... AGAGTACTCGGCT	ACGAACCGAGCGGT	CGGA	GGTTCGAAT	TCC	TCTGAGTGCG	CCA.	77
Arg (CCG) ()	GCACTCCGTAGCTC	. AGCTGGAT	... AGAGTACTCGCCT	CCGAAGGCAGGGGT	CGTG	GGTTCGAAT	TCC	CGCCGGATGCG	CCA.	77
Leu (GAG) ()	.. AGAGC	TGGC	. TAAGCATG	... TAGAACC	GATAGCGGAGAGCTGGCGGA	CGGG	GGTTC	AAATCC	CCCCGGCTCCA	73
Tyr (GTA) (-)	GGAGGGGATTCCCGAGTGGCCAAAGGGA	. TCAGACTG	... TAAATCTG	... ACGTCATAGACTT	CGAAG	GGTTCGAAT	TCC	TCTCCTCCACCA	85		

 non conserved
 $\geq 50\%$ conserved