#Instalamos la libreria tflearn

```
!pip install tflearn
#Importamos todo lo que necesitamos de tflearn
import tflearn
from tflearn.layers.core import input data, fully connected
from tflearn.layers.estimator import regression
from tflearn.data utils import to categorical
#Importamos el dataset y la funcion para separar el dataset en entrenamiento y prueba
from sklearn.datasets import load_breast_cancer
from sklearn.model_selection import train_test_split
#Cargamos el dataset
breast cancer = load breast cancer()
#Lo separamos en entrenamiento y prueba
X train, X test, Y train, Y test = train test split(breast cancer.data, breast cancer.target)
#Convertimos las variables Y train y Y test en cateforicas de dos clases
Y train = to categorical(Y train, nb classes=2)
Y test = to categorical(Y test, nb classes=2)
#Definimos la estructura de la red neuronal
net = input data(shape=[None, 30])
net = fully_connected(net, 32, activation='ReLU', regularizer='L2')
net = fully_connected(net, 32, activation='ReLU', regularizer='L2')
net = fully_connected(net, 2, activation='softmax')
net = regression(net, optimizer='sgd', learning rate=0.001, loss='categorical crossentropy')
model = tflearn.DNN(net)
#Entrenamos el modelo y lo validamos
model.fit(X_train,Y_train, validation_set=(X_test, Y_test), show_metric=True, n_epoch=100)
```