

Preparazione dei Dati in Python con Pandas (parte 1)

Programmazione di Applicazioni Data Intensive

Laurea in Ingegneria e Scienze Informatiche
DISI – Università di Bologna, Cesena

Proff. Gianluca Moro, Roberto Pasolini
nome.cognome@unibo.it



Outline

Prima lezione

- Dati relazionali
 - tipi di dato
- Serie pandas
 - struttura e creazione
 - selezione di dati
 - operazioni
- DataFrame pandas
 - creazione, import da CSV
 - selezione di dati
 - statistiche
 - ordinamento

Seconda lezione

- Operazioni avanzate sui DF
 - join
 - indici a più livelli
 - pivoting
 - raggruppamento
- Database relazionali
 - Python DB API
 - esecuzione query da pandas
- Creazione di grafici con matplotlib



Preparazione dei Dati

- L'analisi dei dati è un'attività scientifica per comprendere e predire fenomeni di interesse aziendale, sociale, di ricerca ...
- Un processo di analisi di dati prevede diversi passaggi:
 - raccolta dei dati da una o più sorgenti (database, servizi Web, ...) Data Collection
 - comprensione della struttura e del significato dei dati
 - trasformazione e pulizia dei dati in una forma utile alle fasi successive Data PreProcessing e Feature Engineering
 - estrazione di conoscenza dai dati (statistiche, modelli predittivi, ...)
 - validazione e interpretazione della conoscenza estratta
 - deployment della conoscenza (es. predizioni) in applicazioni
- I primi tre punti costituiscono la fase di **preparazione** dei dati, che sarà l'oggetto di questa lezione



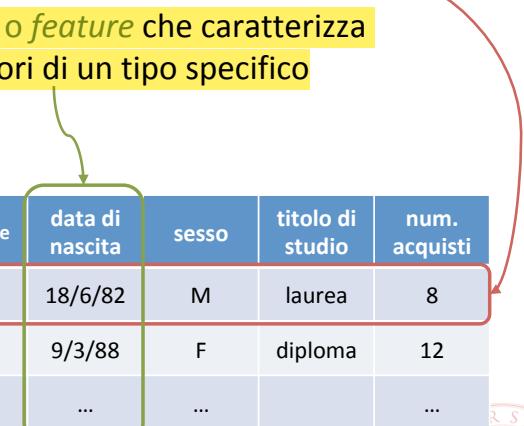
Preparazione dei Dati in Python

- Le caratteristiche di base di Python lo rendono adatto per operazioni di analisi (in particolare estrazione e pulizia)
 - semplice da imparare ed usare
 - utilizzabile sia in modo interattivo che per script e programmi completi
- Negli anni sono state sviluppate diverse librerie che rendono Python un ambiente completo di analisi dati
 - Python è sempre più usato in sostituzione di software ad hoc come R e Matlab, in particolare da chi ha esperienza nella programmazione
- Abbiamo visto come usare NumPy per la rappresentazione e l'elaborazione di dati in forma di vettori e matrici



Dati Tabulari

- Dati oggetto d'analisi sono comunemente reperiti o convertiti in forma **relazionale** o **tabulare**, cioè in forma di tabella dove
 - ogni riga rappresenta un'**osservazione** o **istanza**, ossia uno degli elementi su cui si compie l'analisi (una persona, un prodotto, ...)
 - ogni colonna è una **variabile**, **attributo** o **feature** che caratterizza ciascun oggetto; ciascuna contiene valori di un tipo specifico
- Esempi di dati in forma relazionale sono ad es. tabelle, viste e risultati di query in un database relazionale (SQL)



nome	cognome	data di nascita	sesso	titolo di studio	num. acquisti
Mario	Rossi	18/6/82	M	laurea	8
Maria	Verdi	9/3/88	F	diploma	12
...



Tipi di Dati: Nominali e Ordinali

- Colonne contenenti **testo arbitrario** (es. nome, cognome, testo di una recensione, ...) sono di solito **ignorate** nell'analisi
 - salvo usare metodi per il trattamento dei testi che vedremo poi ...
- Una colonna di tipo **nominal**e (o **categorico**) contiene **valori a scelta in un insieme finito**
 - es. sesso (M/F), regione di residenza, categoria di prodotto, ...
- Una colonna di tipo **ordinale** è simile, ma definisce inoltre una **relazione d'ordine** tra i valori possibili
 - un valore può essere **maggior**e o **minore** di un altro
 - es. titolo di studio (diploma < laurea triennale < laurea magistrale)

nome	cognome	data di nascita	sesso	titolo di studio	num. acquisti
Mario	Rossi	18/6/82	M	laurea	8
Maria	Verdi	9/3/88	F	diploma	12
...



Tipi di Dati: Intervallo e Ratio

- 4 • In colonne di tipo **intervallo**, oltre ad esistere una relazione d'ordine, è possibile quantificare le differenze tra valori
- su questi valori hanno senso somma, sottrazione e calcolo della media
 - es. date, temperature in °C e Fahrenheit, ...
- 5 • Le colonne di tipo **ratio** sono quelle in cui, in aggiunta alle proprietà delle intervallo, esiste un valore “zero” significativo
- solo su questi valori hanno senso anche moltiplicazione e divisione, ad es. dire che un valore è il doppio di un altro
 - es. quantità fisiche (massa, durata, ...), numero di acquisti, prezzo, fatturato, ...
 - temperatura in gradi Kelvin (zero assoluto)

nome	cognome	data di nascita	sesso	titolo di studio	num. acquisti
Mario	Rossi	18/6/82	M	laurea	8
Maria	Verdi	9/3/88	F	diploma	12
...



Attributi e Proprietà Numeriche

Tipo di attributo	Descrizione	Esempi	Operazioni
Categorico (qualitativo)	nominale	I suoi valori sono semplicemente nomi diversi, ovvero forniscono soltanto l'informazione sufficiente a distinguere un oggetto da un altro: = e ≠	Moda, entropia, contingenza, correlazione, test χ^2
	ordinale	I suoi valori forniscono informazione sufficiente per ordinare gli oggetti: <, ≤, ≥ e >	Mediana, percentili, correlazioni di rango, ...
Numerico (quantitativo)	intervallo	Sono significative somme e sottrazioni, quindi esiste un'unità di misura: + e -	Media, deviazione standard, correlazione di Pearson, test t e F
	Rapporto ("ratio")	Sono significative anche le operazioni di prodotto e divisione: * e /	Media geometrica, media armonica, variazione percentuale

La contingenza fornisce informazioni sull'indipendenza o dipendenza tra variabili, ma non sulla forza del legame. La correlazione, invece, fornisce informazioni sulla forza e direzione del legame lineare.

QUAL.

H

QUANT.

Formato CSV (*Comma Separated Values*)

- CSV è il formato più comune per rappresentare dati tabulari su semplici file di testo
 - Ogni riga del file costituisce una riga della tabella, le colonne in ogni riga sono separate da un carattere specifico
 - spesso virgola, punto e virgola oppure tabulazione; in quest'ultimo caso i file sono talvolta detti TSV (*Tab Separated Values*)
 - La prima riga del file di solito contiene i nomi delle colonne
- Nome;Cognome;Data nascita;Sesso;Titolo studio;N. acquisti
 Mario;Rossi;18/6/82;M;laurea;8
 Maria;Verdi;9/3/88;F;diploma;12
- In CSV non sono riportati esplicitamente i tipi delle colonne: sono dedotti o vanno specificati quando si carica il file



pandas

- **pandas** è una libreria Python di uso comune che offre svariate strutture dati e funzionalità per l'**analisi di dati strutturati**
 - strutture dati “smart” per tabelle relazionali, serie temporali, ...
 - selezione dati in stile NumPy per etichetta, posizione, condizione, ...
 - operazioni avanzate di ordinamento, raggruppamento, *join*, ...
 - import/export dati da/a file CSV, Excel, database relazionale, ...
 - funzioni per la generazione rapida di grafici (basati su matplotlib)
 - Per convenzione il package **pandas** si importa con nome “**pd**”
- ```
>>> import pandas as pd
```



# Serie

- Una **serie** (**Series**) è un vettore di valori dello stesso tipo, a ciascuno dei quali è associata un'etichetta
  - i tipi supportati, sia per i valori che per le etichette, sono quelli di NumPy (`float64`, `int64`, ... <https://docs.scipy.org/doc/numpy/user/basics.types.html>)
  - una serie è in pratica un `ndarray` a una dimensione (un vettore) con un'etichetta associata ad ogni elemento
- L'**indice** di una serie (attributo `index`) è la sequenza delle etichette associate ai valori
  - anche l'indice è un `ndarray`, che può essere di tipo diverso dai valori
  - le etichette sono spesso **identificatori univoci** di tipo numerico o stringa
    - ad es. per dati estratti da un DB possono essere le chiavi primarie
    - (*non è obbligatorio che siano univoche, ma molte operazioni richiedono che lo siano*)

Applicazioni Data Intensive - G. Moro, R. Pasolini - DISI, Università di Bologna, Cesena

11



## Esempi di Serie

- Una serie può rappresentare ad esempio:
  1. il numero di abitanti (in migliaia) di ciascuna città
  2. il numero di ordini effettuati da ciascun utente di un ecommerce
  3. il valore di chiusura giornaliero di un titolo azionario
- In tutti i casi abbiamo:
  - un insieme di **valori** che rappresentano i **dati** oggetto dell'analisi, di cui possiamo ad es. estrarre una media
  - le **etichette** che identificano ciascun singolo valore e indicano a cosa si riferisce
- È in pratica simile ad un dizionario Python (etichette = chiavi), ma con molte più funzioni...

|            |        |   |
|------------|--------|---|
| Roma       | 2.617  | 1 |
| Milano     | 1.242  |   |
| Napoli     | 962    |   |
| ...        | ...    |   |
| alice82    | 8      | 2 |
| bob86      | 12     |   |
| carol90    | 7      |   |
| ...        | ...    |   |
| 2018-09-01 | 535,43 | 3 |
| 2018-09-02 | 532,12 |   |
| 2018-09-03 | 536,28 |   |
| ...        | ...    |   |

Applicazioni Data Intensive - G. Moro, R. Pasolini - DISI, Università di Bologna, Cesena

12



## Creare una Serie

- Il costruttore di `Series` accetta i **valori** della serie e come attributo `index` opzionale le etichette corrispondenti
  - se non specificato, l'indice è la sequenza di interi da 0 a N-1, così che ogni elemento sia etichettato dalla posizione (come in liste e array)

```
>>> ser = pd.Series([4 , 7 , -5 , 3],
... index=["d", "b", "a", "c"])

>>> ser
d 4
b 7
a -5
c 3
dtype: int64
```

In fondo alla serie è stampato il tipo dei **valori** (in seguito sarà omesso per brevità)

|   |    |
|---|----|
| d | 4  |
| b | 7  |
| a | -5 |
| c | 3  |

- I valori e le etichette sono passati come sequenze di valori: sono validi tuple, liste e array NumPy



## Tipi di Dato

- Quando si crea una serie, come per gli `ndarray`, è possibile specificare il tipo di dato col parametro `dtype`
- I tipi di dati utilizzati più comunemente sono quelli numerici
  - i tipi `np.floatN` memorizzano numeri a virgola mobile
  - `np.intN`, `np.uintN` memorizzano numeri interi con o senza segno
  - `N` è il numero di bit usati, pari a 8, 16, 32 o 64
- Altri tipi di dato includono
  - `bool`: valori booleani
  - `datetime64`, `timedelta64`: timestamp e intervalli di tempo
  - `object`: generici oggetti Python, usato principalmente per stringhe
- Usare i tipi di dati appropriati è **importante per ottimizzare l'uso di memoria**, in particolare su dataset molto grandi



## Dati Categorici

- Una serie di tipo categorico (un valore in un insieme finito) può essere rappresentata semplicemente con stringhe

```
>>> weather_str = pd.Series(["Sunny", "Sunny",
 "Cloudy", "Rainy", "Rainy", "Cloudy"])
>>> weather_str
0 Sunny
1 Sunny
[...]
5 Cloudy
dtype: object
```

- Per efficienza pandas offre però un tipo di dato “category”, che memorizza una serie categorica in modo ottimizzato
  - i valori possibili vanno ovviamente determinati a priori



## Creare una Serie Categorica

- Si crea una serie `categoria` indicando `category` come `dtype`

```
>>> weather = pd.Series(["Sunny", "Sunny", "Cloudy",
 "Rainy", "Rainy", "Cloudy"], dtype="category")
>>> weather
0 Sunny
1 Sunny
[...]
5 Cloudy
dtype: category
Categories (3, object): [Cloudy, Rainy, Sunny]
```

- In alternativa si può convertire una serie esistente
  - il metodo `astype`, come in NumPy, crea un nuovo oggetto con gli stessi dati convertiti in un altro tipo

```
>>> weather = weather_str.astype("category")
```



## Dati Mancanti

- Nella pratica, un set di dati ha spesso dei valori mancanti
  - ad es. perché non esistono o non sono stati forniti
- Una serie può avere valori mancanti, detti NA (Not Available)
- Nel caso di serie numeriche, un dato mancante è rappresentato internamente dal valore nan (Not a Number)
- Come in altri linguaggi, il valore nan non risulta mai uguale, maggiore o minore di altri numeri (incluso se stesso!)

```
>>> np.nan == np.nan
```

**False**

- Qualsiasi espressione numerica con nan ha risultato nan

```
>>> 2 * np.nan - 1
```

nan



## Creare una Serie da un Dizionario (dict)

- Si può creare una Series copiando i dati di un dict
- Ad ogni coppia chiave-valore è fatta corrispondere una coppia etichetta-valore
- Specificando un index, si selezionano chiavi specifiche
  - se una chiave in index non è nel dict, il suo valore sarà NA
- Senza specificare un index si considera tutto il dict in ordine indefinito

```
>>> sdata = {
 'Ohio': 35000,
 'Texas': 71000,
 'Oregon': 16000,
 'California': 5000
}
>>> states = ['Utah',
 'Ohio','Oregon','Texas']
>>> pd.Series(sdata,
 index=states)
Utah NaN
Ohio 35000.0
Oregon 16000.0
Texas 71000.0
dtype: float64
```



## Accesso agli Elementi di una Serie

- Gli elementi di una serie si possono leggere e scrivere come se si trattasse di un `dict` in cui le chiavi sono le etichette
  - per leggere un valore, se ne specifica l'etichetta come indice
  - è possibile assegnare un nuovo valore ad un'etichetta esistente
  - si possono inserire nuove etichette che sono aggiunte alla fine
  - si può eliminare un valore con `del`

```
>>> ser["a"] # Leggi valore etichettato con a
-5
>>> ser["d"] = 6 # Imposta valore con etichetta d
>>> del ser["d"] # Elimina valore con etichetta d
```

- Si può in generale usare una serie come se fosse un `dict`
  - ad es. si può verificare la presenza di un'etichetta con l'operatore `in` o si possono iterare le coppie etichetta-valore col metodo `items`



## Accesso a Elementi Multipli

- Si può estrarre parte di una serie in modo simile ai `ndarray`
- Indicando come indice una **lista o array di etichette**, viene estratta una serie con i soli valori indicati

```
>>> ser[["c", "a"]]
c 3
a -5
```

|   |    |
|---|----|
| d | 4  |
| b | 7  |
| a | -5 |
| c | 3  |

- Indicando un **intervallo con due etichette**, si selezionano tutti gli elementi nel mezzo, **inclusi entrambi gli estremi**

```
>>> ser["d":"a"]
d 4
b 7
a -5
```



## Operazioni Comuni sulle Serie

- Le serie supportano in generale molte operazioni simili a quelle dei ndarray
- Si può applicare un'operazione con uno scalare a tutti i valori
- Si può applicare una funzione universale NumPy
- Con un confronto si ottiene una serie booleana, utilizzabile come filtro

```
>>> ser * 2
d 8
b 14
[...]
>>> np.exp(ser)
d 54.598150
b 1096.633158
[...]
>>> ser > 3
d True
b True
a False
c False
>>> ser[ser > 3]
d 4
b 7
```

|   |    |
|---|----|
| d | 4  |
| b | 7  |
| a | -5 |
| c | 3  |

Seleziona valori di **ser** le cui etichette sono quelle dei valori di **ser** maggiori di 3



## Operazioni Binarie sulle Serie

- Le serie supportano anche operazioni binarie tra esse
  - con operatori +, -, \*, ...
  - con funzioni universali
- L'operazione è applicata per elementi con pari etichetta
  - non viene considerato l'ordine dei valori
- Per ogni etichetta presente solo in un operando si avrà un valore NA nel risultato

```
>>> x = pd.Series({
 "b": 3,
 "a": 2,
 "c": 5})
>>> y = pd.Series({
 "a": 2,
 "b": 4,
 "d": 8})
>>> x + y
a 4.0
b 7.0
c NaN
d NaN
dtype: float64
```



## Metodi di Riduzione delle Serie

- Le serie offrono metodi per calcolare statistiche aggregate sui valori, simili a quelli degli ndarray di NumPy
    - `sum` (somma), `mean` (media), `min` (minimo), `max` (massimo), ...
  - Di default, eventuali valori mancanti vengono ignorati
- ```
>>> pd.Series([2, np.nan, 6, 4]).mean()
4.0
```
- Specificando `skipna=False` invece i NA invalidano il calcolo
- ```
>>> pd.Series([2, np.nan, 6, 4]).mean(skipna=False)
nan
```
- Rispetto a NumPy sono aggiunti i metodi `idxmin` e `idxmax`, che restituiscono l'etichetta del valore minimo o massimo
- ```
>>> pd.Series({"a": 6, "b": 10, "c": 7}).idxmax()
'b'
```



Valori Distinti in una Serie

- Il metodo `unique` restituisce un vettore con tutti i valori distinti in una serie
- `nunique` ne restituisce direttamente la quantità
- `value_counts` restituisce una nuova serie che associa ad ogni valore distinto (usato come etichetta) il suo numero di occorrenze, ordinandoli dal più al meno frequente (con `ascending=False` si cambia l'ordine)

```
>>> x = pd.Series([6, 2, 1, 2, 5, 1, 1])
>>> x.unique()
array([6, 2, 1, 5])
>>> x.nunique()
4
>>> x.value_counts()
1    3
2    2
6    1
5    1
dtype: int64
>>> x.value_counts(
        ascending=True)
```



Verifica e Rimozione dei Valori Mancanti

- I metodi `isna` e `notna` verificano quali elementi (non) sono mancanti e restituiscono una serie `bool`
- `count` restituisce il numero di valori non NA nella serie
- `dropna` rimuove i valori mancanti dalla serie
 - di default, viene creata una copia della serie
 - indicando `inplace=True` viene invece modificata la serie stessa

```
>>> s = pd.Series([1,2, np.nan, 4], index=list("abcd"))
>>> s.isna()
a    False
b    False
c     True
d    False
>>> s.count()
3
>>> s.dropna()
a    1.0
b    2.0
d    4.0
>>> s.dropna(inplace=True)
[...]
```

a	1
b	2
c	NA
d	4



Sostituzione dei Valori Mancanti

- Il metodo `fillna` permette di rimpiazzare i valori NA
 - anche qui viene creata una copia a meno che non si specifichi `inplace=True`
- Indicando un valore, tutti gli NA sono sostituiti con esso
 - è comune usare la media
- Usando invece il parametro `method` pari a `ffill` o `bfill` ogni NA è sostituito col valore non NA prima o dopo (se esiste!)
 - utile per serie temporali

(A) `s.fillna(s.mean())`
 (B) `s.fillna(method="ffill")`
 (C) `s.fillna(method="bfill")`

	s	(A)	(B)	(C)
a	1	1	1	1
b	NA	2	1	2
c	NA	2	1	2
d	2	2	2	2
e	3	3	3	3
f	NA	2	3	NA

Non essendoci alcun valore valido successivo, rimane NA



La discretizzazione serve per trasformare una variabile numerica continua in una variabile categorica, suddividendo i suoi valori in intervalli (detti bin o bucket). Questo può essere utile per:

- Raggruppare i dati in categorie (es. età -> giovani, adulti, anziani).
- Visualizzazioni (es. istogrammi).
- Algoritmi di apprendimento automatico che lavorano meglio con feature categoriche.

Discretizzazione (binning)

- Una serie numerica può contenere molti valori distinti, ma in alcuni casi serve avere un insieme discreto e finito di valori
 - ad es. per raggruppare i dati o per alcuni algoritmi di apprendimento
- Per rendere discreti valori numerici è comune suddividere l'intervallo di valori possibili in parti più piccole (*bin* o *bucket*)
- pandas offre funzioni per creare una serie categorica da una numerica, che usa gli intervalli di valori come categorie
- La funzione `cut` suddivide i valori dati

Suddivide l'intervallo dei dati in bin con limiti fissi (uguale larghezza o definiti da te). Utile se vuoi controllare i limiti esatti degli intervalli.

 - in un numero dato di intervalli di larghezza fissa # Creo 4 intervalli di larghezza uguali `pd.cut(data, bins=4)`
 - oppure in intervalli con limiti specificati manualmente
- La funzione `qcut` (*quantile cut*) suddivide invece i dati in modo che ogni bucket abbia (circa) la stessa quantità di valori

Divide i dati in quantili, quindi ogni bin contiene (quasi) lo stesso numero di elementi.

Utile per dati non distribuiti uniformemente.

Applicazioni Data Intensive - G. Moro, R. Pasolini - DISI, Università di Bologna, Cesena

27



Discretizzazione: Esempi

```
>>> x
0    1
1    1
2    1
3    2
4    2
5    3
6    4
7    5
dtype: int64
```

una serie
numerica con
valori
sbilanciati
(valori piccoli
più frequenti)

```
>>> pd.cut(x, [0, 1, 3, 6])
0    (0, 1]
1    (0, 1]
2    (0, 1]
3    (1, 3]
4    (1, 3]
5    (1, 3]
6    (3, 6]
7    (3, 6]
dtype: category
```

3 intervalli di
larghezza
variabile con
limiti indicati
dall'utente

```
>>> pd.cut(x, 3)
0    (0.996, 2.333]
1    (0.996, 2.333]
2    (0.996, 2.333]
3    (0.996, 2.333]
4    (0.996, 2.333]
5    (2.333, 3.667]
6    (3.667, 5.0]
7    (3.667, 5.0]
dtype: category
```

3 intervalli di
larghezza
fissa: molti
elementi
vanno nel
primo
intervalle

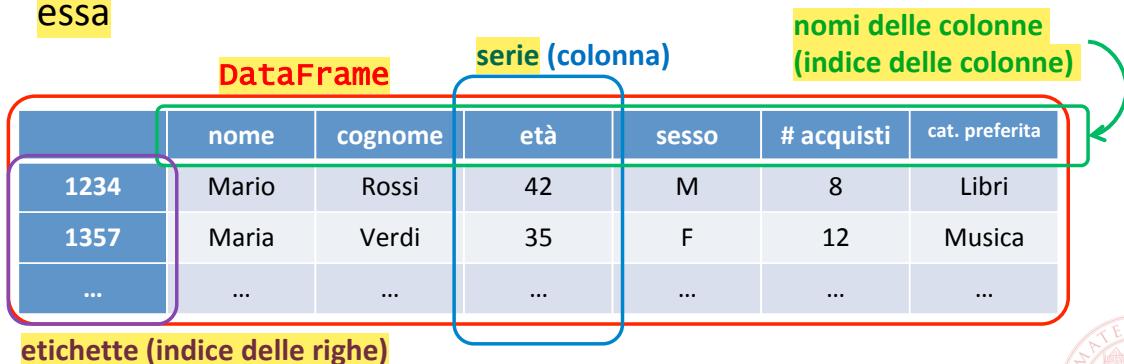
```
>>> pd.qcut(x, 3)
0    (0.999, 1.333]
1    (0.999, 1.333]
2    (0.999, 1.333]
3    (1.333, 2.667]
4    (1.333, 2.667]
5    (2.667, 5.0]
6    (2.667, 5.0]
7    (2.667, 5.0]
dtype: category
```

3 intervalli
con numero
di elementi
bilanciato: il
primo
intervallo è
più stretto



DataFrame

- Un **DataFrame** rappresenta un set di dati in forma relazionale
- Può essere visto come una sequenza di colonne rappresentate da **serie** di diverso tipo con etichette condivise
 - le etichette sono di solito identificatori univoci delle righe
- Ogni serie (colonna) ha un **nome**, utilizzabile per accedere ad essa



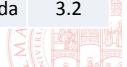
Creare un DataFrame

- Si può creare un **DataFrame** da un **dict** con la lista o serie di valori di ciascuna colonna mappati al suo nome
 - con **columns** si indica l'**ordine delle colonne** (default: alfabetico)
 - si può specificare l'indice delle righe come parametro **index**

```
data = {
    'state': ['Ohio', 'Ohio', 'Ohio', 'Nevada',
              'Nevada', 'Nevada'],
    'year': [2000, 2001, 2002, 2001, 2002, 2003],
    'pop': [1.5, 1.7, 3.6, 2.4, 2.9, 3.2]}
```

```
df = pd.DataFrame(data,
                   columns=['year', 'state', 'pop'],
                   index=['one', 'two', 'three',
                          'four', 'five', 'six'])
```

	year	state	pop
one	2000	Ohio	1.5
two	2001	Ohio	1.7
three	2002	Ohio	3.6
four	2001	Nevada	2.4
five	2002	Nevada	2.9
six	2003	Nevada	3.2



Creare un DataFrame da una Matrice

- Un DataFrame con colonne tutte dello stesso tipo può essere creato da un ndarray con 2 dimensioni

– il parametro columns è usato per indicare i nomi delle colonne

```
>>> values = np.arange(9).reshape((3, 3))
```

```
>>> values
```

```
array([[0, 1, 2],
       [3, 4, 5],
       [6, 7, 8]])
```

```
>>> df = pd.DataFrame(values,
                      columns=["A", "B", "C"])
```

	A	B	C
0	0	1	2
1	3	4	5
2	6	7	8

- In questo esempio, non specificando index, le righe sono etichettate automaticamente con gli interi da 0 a N-1



Attributi di Base di un DataFrame

- Un DataFrame fornisce molti attributi simili a quelli di un ndarray a due dimensioni (una matrice)

- shape fornisce una tupla col numero di righe e di colonne

```
>>> df.shape  
(6, 3)
```

- Le liste dei nomi di righe e colonne costituiscono gli *indici* del DataFrame, accessibili con gli attributi index e columns

– si ottengono oggetti Index, utilizzabili in genere come liste o vettori

```
>>> df.index  
Index(['one', 'two', 'three', 'four', ...] ...)
```

- L'attributo T fornisce (come per gli ndarray) una vista trasposta del DataFrame, con righe e colonne scambiate



Leggere Dati da CSV

- pandas fornisce varie funzioni per importare dati da sorgenti esterne di diverso tipo e caricarli in un DataFrame
 - Tra queste `read_csv` consente di creare un DataFrame caricando i dati da un file CSV
 - `read_csv` carica l'intero file in memoria; per caricare e processare una riga alla volta si usa invece il modulo `csv` di Python
 - Va passato un oggetto file da cui leggere, oppure direttamente il nome o l'URL di un file da aprire
- ```
>>> data = pd.read_csv("mydata.csv")
```
- I dati letti in forma testuale sono convertiti nei tipi appropriati (numeri interi, reali, ...), dedotti automaticamente da pandas
    - si può però controllare con i parametri, vedi prossima slide



## Opzioni di Lettura dei CSV

- Il metodo `read_csv` ha diversi parametri opzionali, ad es.:
  - `sep`: separatore di colonna da usare (default ",")
  - `names`: nomi delle colonne (di default letti dalla prima riga)
  - `index_col`: numero/nome della colonna da usare come indice
    - se non specificata, viene generato un indice numerico 0...N-1
  - `dtype`: tipo di dati delle colonne o dizionario che associa il tipo corretto al nome di ciascuna colonna
  - `nrows`: massimo numero di righe da leggere
- Usando questi parametri opportunamente è possibile importare i dati in modo da ottimizzare l'uso della memoria
  - con `dtype` possiamo definire tipi di dati efficienti da usare
  - con `nrows` si possono importare poche righe per verificare preventivamente i tipi di dati da usare, per poi caricare l'intero file



## Estrarre una Colonna di un DataFrame

- Una colonna di DataFrame può essere estratta in forma di serie usando il suo nome come indice
- Se il nome è un identificatore valido non usato da pandas, si può accedere alla colonna come se fosse un attributo
- I nomi delle righe sono usati come etichette della serie

Le serie possono avere un nome (attributo `name`): in questo caso è usato il nome della colonna

```
>>> df
 year state pop
one 2000 Ohio 1.5
two 2001 Ohio 1.7
[...]
six 2003 Nevada 3.2
>>> df["year"]
one 2000
two 2001
[...]
six 2003
Name: year, dtype: int64
>>> df.year # equivalente
```



## Assegnare Valori ad una Colonna

- Assegnando una sequenza di valori ad una colonna, si modificano i valori presenti in quella colonna del DataFrame
  - se una colonna col nome dato non esiste, viene creata
- Il valore assegnato ad una colonna (anche quando si crea il DataFrame) può essere
  - una qualsiasi **sequenza** (tupla, lista, vettore NumPy, ...), i cui valori sono considerati nel loro ordine
  - una **serie** le cui etichette combacino con quelle del DataFrame (cioè etichette serie = etichette righe df)
    - per etichette assenti si avranno valori NA nella nuova colonna
  - un **valore scalare**, che sarà replicato in tutte le righe
- Ad es. “`df["foo"] = 0`” imposta a 0 tutti i valori nella colonna “foo”, creandola come ultima se non esiste
- Per eliminare una colonna, usare “`del df[colonna]`”



## Colonne con Valori Derivati

- Usando le operazioni e funzioni valide per le serie, è facile aggiungere colonne i cui valori sono derivati dalle altre
- Possibili esempi includono

– somme, differenze, ... tra colonne diverse

```
acct["profit"] = acct["revenue"] - acct["expense"]
```

```
items["total_price"] = \
 items["quantity"] * items["unit_price"]
```

– variabili booleane da condizioni su colonne

```
people["is_adult"] = people["age"] >= 18
```

– suddivisione di valori in intervalli

```
people["age_range"] = \
 pd.cut(people["age"], [0, 18, 30, 45, 60, 100])
```



## Accedere a Valori Singoli di un DataFrame

- Per accedere a valori singoli o porzioni dei dati, i DataFrame forniscono diversi oggetti “selettori” (*accessors*)
- Con `at`, si accede ad un **valore singolo**, dando come indici le **etichette (nomi)** della riga e della colonna

|   | 0     | 1     | 2      |
|---|-------|-------|--------|
| 0 | year  | state | pop    |
| 1 | one   | 2000  | Ohio   |
| 2 | two   | 2001  | Ohio   |
| 3 | three | 2002  | Ohio   |
| 4 | four  | 2001  | Nevada |
| 5 | five  | 2002  | Nevada |
| 6 | six   | 2003  | Nevada |

```
>>> df.at["one", "year"] # riga "one", col. "year"
2000
```

```
>>> df.at["one", "year"] = 2001 # cambia il valore
```

- Con `iat` si utilizzano invece gli indici per posizione

```
>>> df.iat[1, 0] # seconda riga, prima colonna
2001
```



## Estrarre Parti di DataFrame

- `at` e `iat` permettono di estrarre solo valori singoli
- Con i selettori `loc` e `iloc` è possibile selezionare per etichette o per posizioni righe e colonne multiple
- Si selezionano righe e colonne come negli `ndarray`
  - si può indicare un intervallo o una lista di etichette o posizioni (negli intervalli di etichette, entrambi gli estremi sono inclusi)
  - indicando un array o serie di valori booleani, si selezionano le etichette o posizioni con valori `True` (ad es. che soddisfino una condizione)
  - l'indice delle colonne si può omettere per selezionarle tutte
- Selezionando una singola riga o colonna, si ottiene una serie le cui etichette sono i nomi delle colonne o delle righe
  - proprio come in NumPy selezionando una singola riga o colonna di matrice si ottiene un vettore

Applicazioni Data Intensive - G. Moro, R. Pasolini - DISI, Università di Bologna, Cesena

39



## Estrarre Parti di DataFrame: Esempi

- Una riga data l'etichetta o la posizione  

```
>>> df.loc["one"]
>>> df.iloc[0]
year 2000
state Ohio
pop 1.5
Name: one, dtype: object
```
- Intervallo di righe  

```
>>> df.loc["one":"three"]
>>> df.iloc[:3]
```

|       | year | state | pop |
|-------|------|-------|-----|
| one   | 2000 | Ohio  | 1.5 |
| two   | 2001 | Ohio  | 1.7 |
| three | 2002 | Ohio  | 3.6 |
- Alcune colonne  

```
>>> df.loc[:, ["state", "pop"]]
>>> df.iloc[:, [1, 2]]
```

SQL:  
`SELECT state, pop FROM df`



|       | state  | pop |
|-------|--------|-----|
| one   | Ohio   | 1.5 |
| two   | Ohio   | 1.7 |
| three | Ohio   | 3.6 |
| four  | Nevada | 2.4 |
| five  | Nevada | 2.9 |
| six   | Nevada | 3.2 |



## Selezionare Intervalli di Righe da un DataFrame

- Si può selezionare un intervallo di righe per posizione (non per etichetta) anche usandolo come indice del DataFrame
  - ovvero senza bisogno di utilizzare `i.loc`

```
>>> df[10:20] # seleziona righe dall'11a alla 20a
```
- Esistono inoltre i metodi `head` e `tail` per selezionare le prime o ultime  $N$  righe (default: 5)
  - sono utilizzabili anche sulle serie
  - usati spesso in modalità interattiva per visualizzare alcune righe d'esempio di un DataFrame caricato esternamente

```
>>> df.head() # prime 5 righe
>>> df.tail(10) # ultime 10 righe
```

**SQL:**  
SELECT \*  
FROM df  
LIMIT 5



## Selezionare Righe tramite Condizioni

- Possiamo selezionare le righe anche tramite array o serie booleane, che possono essere ricavate da condizioni sui dati

```
>>> df[df.year >= 2002]
```

|       | year | state  | pop |
|-------|------|--------|-----|
| three | 2002 | Ohio   | 3.6 |
| five  | 2002 | Nevada | 2.9 |
| six   | 2003 | Nevada | 3.2 |

**SQL:**  
SELECT \*  
FROM df  
WHERE year >= 2002

|       | year | state  | pop |
|-------|------|--------|-----|
| one   | 2000 | Ohio   | 1.5 |
| two   | 2001 | Ohio   | 1.7 |
| three | 2002 | Ohio   | 3.6 |
| four  | 2001 | Nevada | 2.4 |
| five  | 2002 | Nevada | 2.9 |
| six   | 2003 | Nevada | 3.2 |

- Su array/serie booleane è possibile usare gli operatori `&` (AND), `|` (OR) e `~` (NOT)

```
>>> df[(df.state == "Ohio") & (df["pop"] < 2)]
```

|     | year | state | pop |
|-----|------|-------|-----|
| one | 2000 | Ohio  | 1.5 |
| two | 2001 | Ohio  | 1.7 |

**SQL:**  
SELECT \*  
FROM df  
WHERE state = 'ohio'  
AND pop < 2

Non si può usare `df.pop` in quanto `pop` è già un metodo di pandas



## Metodi di Riduzione sui DataFrame

- I DataFrame offrono gli stessi metodi delle serie per calcolare statistiche aggregate (`sum`, `mean`, `min`, `max`, ...)
- Di default restituiscono una serie col risultato dell'operazione per ogni colonna dove sia applicabile
  - si può anche qui specificare `skipna=False` per non ignorare gli NA

```
>>> df.mean()
year 2001.50
pop 2.55
```

SQL:

```
SELECT MEAN(year), MEAN(pop)
FROM df
```

- Specificando `axis=1`, l'operazione si applica per righe cioè si aggregano i valori delle colonne

```
>>> df.sum(axis=1)
one 2001.5
two 2002.7
[...]
```

In questo caso specifico l'aggregazione per righe non ha senso, ma può essere utile quando tutte le colonne hanno valori confrontabili tra loro (es. popolazione in diversi anni)



## Sommario di un DataFrame

- Col metodo `describe` si ottengono le principali statistiche aggregate delle colonne di un DataFrame (o di una serie)
  - utile in modalità interattiva per un'analisi ad alto livello delle colonne presenti in un dataset caricato

```
>>> df.describe()
```

|       | year        | pop      |
|-------|-------------|----------|
| count | 6.000000    | 6.000000 |
| mean  | 2001.500000 | 2.550000 |
| std   | 1.048809    | 0.836062 |
| min   | 2000.000000 | 1.500000 |
| 25%   | 2001.000000 | 1.875000 |
| 50%   | 2001.500000 | 2.650000 |
| 75%   | 2002.000000 | 3.125000 |
| max   | 2003.000000 | 3.600000 |

← num. valori non NA

← media

← deviazione standard

percentili

es. il 25% dei valori di pop è inferiore a 1,875 ed il restante 75% è superiore a questa soglia



## Riordinare i Dati in un DataFrame

- Il metodo `sort_index` ordina le righe di un DataFrame in ordine crescente di etichetta
- `sort_values` ordina le righe invece secondo una o più colonne indicate (per nome o per posizione)
- Entrambi i metodi forniscono alcuni parametri:
  - di default è restituito un nuovo DataFrame, con `inplace=True` si modifica quello esistente
  - con `ascending=False` si usa l'ordine decrescente (se si ordina su  $N$  colonne, si può indicare una lista di  $N$  booleani per differenziarle)
  - con `axis=1` si ordinano le colonne invece delle righe
  - `na_position` indica se collocare eventuali valori NA per ultimi ("last", default) o per primi ("first")



## Riordinare i Dati: Esempi

**SQL:**  
`SELECT *  
 FROM df  
 ORDER BY  
 pop DESC`

DataFrame originale

`df`

Ordinamento per etichette (in ordine alfabetico)

`df.sort_index()`

Ordinamento per popolazione decrescente

`df.sort_values("pop", ascending=False)`

|       | year | state  | pop |
|-------|------|--------|-----|
| one   | 2000 | Ohio   | 1.5 |
| two   | 2001 | Ohio   | 1.7 |
| three | 2002 | Ohio   | 3.6 |
| four  | 2001 | Nevada | 2.4 |
| five  | 2002 | Nevada | 2.9 |
| six   | 2003 | Nevada | 3.2 |

|       | year | state  | pop |
|-------|------|--------|-----|
| five  | 2002 | Nevada | 2.9 |
| four  | 2001 | Nevada | 2.4 |
| one   | 2000 | Ohio   | 1.5 |
| six   | 2003 | Nevada | 3.2 |
| three | 2002 | Ohio   | 3.6 |
| two   | 2001 | Ohio   | 1.7 |

|       | year | state  | pop |
|-------|------|--------|-----|
| three | 2002 | Ohio   | 3.6 |
| six   | 2003 | Nevada | 3.2 |
| five  | 2002 | Nevada | 2.9 |
| four  | 2001 | Nevada | 2.4 |
| two   | 2001 | Ohio   | 1.7 |
| one   | 2000 | Ohio   | 1.5 |



# Download da Web di File Dati e Utilizzo in Pandas: Esempio

```
In [209]: import os
if not os.path.exists("covid19-regioni.json"):
 from urllib.request import urlretrieve
 urlretrieve("https://raw.githubusercontent.com/pcm-dpc/COVID-19/master/dati-json/dpc-covid19-ita-regioni.json",
 "covid19-regioni.json")

In [210]: covid19_regioni = pd.read_json("covid19-regioni.json")

In [212]: covid19_regioni.columns
Out[212]: Index(['data', 'stato', 'codice_regione', 'denominazione_regione', 'lat',
 'long', 'ricoverati_con_sintomi', 'terapia_intensiva',
 'totale_ospedalizzati', 'isolamento_domiciliare',
 'totale_attualmente_positivi', 'nuovi_attualmente_positivi',
 'dimessi_guariti', 'deceduti', 'totale_casi', 'tamponi'],
 dtype='object')

In [213]: covid19_regioni.iloc[:, :]

Out[213]:
 data stato codice_regione denominazione_regione lat long ricoverati_con_sintomi terapia_intensiva total
0 2020-02-24:18:00:00 ITA 13 Abruzzo 42.351222 13.398438 0 0
1 2020-02-24:18:00:00 ITA 17 Basilicata 40.639471 15.805148 0 0
2 2020-02-24:18:00:00 ITA 4 P.A. Bolzano 46.499335 11.356624 0 0
3 2020-02-24:18:00:00 ITA 18 Calabria 38.905976 16.594402 0 0
4 2020-02-24:18:00:00 ITA 15 Campania 40.839566 14.250850 0 0
```

In [ ]: # ordina i dati per regione e poi per data  
covid19\_regioni.sort\_values(['codice\_regione', 'data'], inplace=True)

Aplicazioni Data Intensive - G. Moro, R. Pasolini - DISI, Università di Bologna, Cesena

47



## Esercizi Facoltativi con Pandas

- riprodurre il file jupyter come mostrato nella slide precedente
  - il file con i dati è aggiornato ogni giorno alle 18 circa a questo indirizzo <https://raw.githubusercontent.com/pcm-dpc/COVID-19/master/dati-json/dpc-covid19-ita-regioni.json>
- interpretare i dati con `describe` e selezionare
  - solo i dati di Emilia Romagna, Lombardia e Veneto
  - solo i dati gli ultimi 5 giorni
  - calcolare per ogni giorno la percentuale del valore accumulato dei deceduti sui positivi
  - confrontare media e deviazione standard dei nuovi attualmente positivi di Lombardia, Veneto ed Emilia Romagna dell'ultima settimana con i rispettivi nuovi positivi degli ultimi tre giorni
  - come sopra ma per guariti
  - il giorno con il maggior numero di nuovi positivi

