Valentin Joly, Ph.D.

Investigador postdoctoral en biología molecular y bioinformática

♥ Universidad Yale, EE UU ☑ valentin.joly@yale.edu ☑ http://vjoly.net in valentinjoly

Durante mi doctorado en el Matton Lab de la Universidad de Montreal, me dediqué a la expresión génica ovárica y a la comunicación polen-pistilo en papas silvestres, utilizando la biología molecular y la bioinformática. En 2019, me uní al **Jacob Lab** de la Universidad de Yale como posdoc, con un nuevo proyecto destinado a revelar funciones ocultas de la heterocromatina de *Arabidopsis* con CRISPR/Cas9. Más información en vjoly.net.

Formación académica

Ph.D. | **Doctorado en ciencias biológicas, 2019** ("mention Exceptionnel", ≈ *summa cum laude*)

M.Sc. Maestría en ciencias biológicas, 2012 (transición acelerada al doctorado en enero 2013) Universidad de Montreal, Montreal, QC, Canadá

Director: Prof. Daniel P. Matton, Instituto de Investigación en Biología Vegetal (IRBV)

Tesis: Exploración bioinformática de las interacciones polen-pistilo en Solanum chacoense.

B.Sc. | Licenciatura en biología, programa internacional, 2011

Universidad Pierre y Marie Curie (UPMC), *París*, *Francia*: años 1 y 2 Universidad de Montreal (UdeM), *Montreal*, *QC*, *Canadá*: año 3

Experiencia científica

EE UU | Investigador postdoctoral becario, desde 2019

Prof. Yannick Jacob, MCDB, Universidad Yale

- ▲ Edición del genoma con CRISPR/Cas9.
- </> Transcriptómica y metilómica de alto rendimiento.

Canadá | Proyecto de doctorado, 2013-2019

Prof. Daniel P. Matton, IRBV, Universidad de Montreal

- A Manipulación de ADN y ARN. Clonación. Expresión y purificación de proteínas.
- △ Cultivo de células vegetales. Ensayos de atracción de tubos polínicos. Microfluídica.
- △ Microscopía: epifluorescencia, confocal, SEM, TEM.
- </> Programación Python y R. Desarrollo de la herramienta de detección de secuencias KAPPA.
- Transcriptómica: Ensambles RNA-seq. Análisis de microarreglos. DGE. Anotación.
- </> Proteómica: Análisis de datos LC-MS. Secretómica. Cuantificación label-free de proteínas.

Suecia | Colaboración internacional, 2016-2018

Dr. Johan Edgvist, Universidad de Linköping

- A Expresión y purificación de proteínas en Pichia pastoris.
- Desarrollo de una base de datos y de una herramienta de predicción de nsLTPs vegetales.

Programa de verano JSPS, junio-agosto 2016

Prof. Tetsuya Higashiyama, ITbM, Universidad de Nagoya

- △ Desarrollo de dispositivos microfluídicos para ensayos de atracción del tubo polínico.
- △ Introducción a la microscopía de excitación de dos fotones.

EE UU | Pasantía de investigación internacional, abril-mayo 2014

Prof. Willie J. Swanson, Universidad de Washington

- </> Variant calling (GATK).
- Análisis de evolución molecular y de selección positivas (codeml).

Argentina

Botanical transect, abril-mayo 2012

Colaboración con el Dr. Franco E. Chiarini, Universidad Nacional de Córdoba

△ Colecta de individuos de papas silvestres en la cordillera de los Andes.

Canadá

Pasantía de investigación, enero-agosto 2011

Prof. Daniel P. Matton, Universidad de Montreal

△ Clonación molecular. Biolística. Epifluorescencia y microscopía confocal.

Francia | Pasantía de investigación, junio-julio 2010

Prof. Christophe Bailly, CNRS/Universidad Pierre y Marie Curie, París

△ Biología de la dormancia y de la germinación de semillas.

Pasantía de introducción a la investigación, enero 2009

Prof. Chris Bowler, CNRS/École Normale Supérieure, París

Lectroforesis de proteínas. Imunoprecipitación. Western Blot.

Formación complementaria

Bioinformática

Especialización en bioinformática en línea, 2016-2018

Universidad de California San Diego, en Coursera

1. Encontrar mensajes escondidos en el ADN. 2. Secuenciación del genoma. 3. Comparar genes, proteínas y genomas. 4. Evolución molecular. 5. Ciencia de los datos genómicos y clustering. 6. Encontrar mutaciones en el ADN y las protínas. 7. Proyecto final: Big data en biología.

Certificado global de la especialización: H528Q2K9KYB6

Python/R

Cursos de bioinformática en línea, 2016

Universidad Johns Hopkins, en Coursera

- Python para la ciencia de datos genómicos. **Certificado:** XHKWDB4XD7
- Introducción a las tecnologías genómicas. **Certificado:** U88T89XKR2
- Programación con R. Certificado: X8NKEQAUU4

Anotación

Seminario internacional sobre la anotación funcional de proteínas, 2012

de secuencias | BLAST2GO, Universidad de California Davis

Publicaciones *Co-autores

Joly V*, Tebbji F*, Nantel A y Matton DP. Pollination type recognition from a distance by the ovary is revealed by a global transcriptomic analysis. *Plants*, 2019, 8(6), 185. DOI: 10.3390/plants8060185

Mazin BD, **Joly V** y Matton DP. (2019). The ScFRK2 mitogen-activated protein kinase kinase kinase (MAP3K) is involved in early embryo sac development in *Solanum chacoense*. *Plant Signaling & Behavior*, 14(8), 1620059. DOI: 10.1080/15592324.2019.1620059

- Salminen TA, Eklund DM, **Joly V**, Blomqvist K, Matton DP y Edqvist J. (2018). Deciphering the evolution and development of the cuticle by studying lipid transfer proteins in mosses and liverworts. *Plants*, 7(1), 6. DOI: 10.3390/plants7010006
- Joly V y Matton DP. (2015). KAPPA, a simple algorithm for the discovery and clustering of proteins defined by a key amino acid pattern. *Bioinformatics*, 31(11), 1716–1723. DOI: 10.1093/bioinformatics/btv047

Liu Y*, **Joly V***, Dorion S, Rivoal J y Matton DP. (2015). The plant ovule secretome: a different view toward pollen-pistil interactions. *Journal of Proteome Research*, 14(11):4763–75. DOI: 10.1021/acs.jproteome.5b00618

Lafleur É*, Kapfer C*, **Joly V**, Liu Y, Tebbji F, Daigle C, Gray-Mitsumune M, Cappadocia M, Nantel A y Matton DP. (2015). The ScFRK1 MAPK kinase kinase (MAPKKK) from *Solanum chacoense* is involved in embryo sac and pollen development. *Journal of Experimental Botany*, 66(7), 1833–1843. DOI: 10.1093/jxb/eru524

venideras Joly V*, Liu Y* y Matton DP. Transcriptomic profiling of Solanum chacoense mature, immature, and embryo sac-less ovules. Sumisión en abril de 2020.

Código informático

2015 Joly V y Matton DP. Key Aminoacid Pattern-based Protein Analyzer (KAPPA).

- Versión 1.1 publicada bajo licencia GPL en GitHub.
- Versión 1.0 publicada bajo licencia GPL en SourceForge.

- 2017 ★ Joly V, Viallet C, Liu Y, Zaro A, Ceriotti F y Matton DP. Deciphering species-specific pollen tube guidance in Solanum. CSPB Eastern Regional Meeting, Montreal, QC, Canadá; 24–25 noviembre 2017.
 - **Joly V**, Viallet C, Liu Y y Matton DP. Reproductive cysteine-rich proteins: key players in Solanum speciation? Plant Biology 2017, Honolulu, HI, EE UU; 23–28 junio 2017.
- 2015 ★ Joly V y Matton DP. Plants' secret words of love: rapid evolution of pollen-pistil recognition proteins drives reproductive isolation of wild potatoes. Botany 2015, Edmonton, AB, Canadá; 26-29 julio 2015.
- **★ Joly V** y Matton DP. Comment éviter les liaisons dangereuses : secrets d'alcôve des pommes de terre. Journées du Centre SÈVE, Wendake, QC, Canadá; 7–8 noviembre 2013.
 - ★ Joly V, Liu Y y Matton DP. Divergence des protéines reproductives et maintien des barrières de spéciation chez les pommes de terre sauvages. 23^e Symposium des Sciences biologiques, Universidad de Montreal, Montreal, QC, Canadá; 21 marzo 2013.

Presentaciones orales como orador invitado

- Joly V y Matton DP. Potato sexomics: deciphering species-specific pollen tube guidance in wild potatoes with high-throughput sequencing technologies. Dep. de biología molecular, celular y del desarrollo, Universidad Yale, New Haven, CT, EE UU; 22 octubre 2018.
- Joly V y Matton DP. Pollen tube guidance and reproductive isolation in wild potatoes. Dep. de genómica funcional, Universidad de Kanazawa, Japón; 18 agosto 2016.
 Joly V y Matton DP. Species-specific pollen tube guidance in wild potatoes. Laboratorio de biología molecular de plantas, Universidad de Kioto, Japón; 12 agosto 2016.
 Joly V y Matton DP. Deciphering potatoes' words of love. Institute for Transformative bio-Molecules (ITbM), Universidad de Nagoya, Japón; 13 julio 2016.
- Joly V y Matton DP. Sex among wild potatoes: ladies wear the pants. Centro de Genómica Estructural y Funcional, Universidad Concordia, Montreal, QC, Canadá; 16 julio 2015.
- Joly V y Matton DP. Cell-cell communication between gametophytes and reproductive isolation in wild potatoes. Dep. de Ciencias genómicas, Universidad de Washington, Seattle, WA, EE UU; 24 abril 2014.
- Joly V y Matton DP. Species-specificity of pollen-pistil interactions in wild potatoes. Instituto de Genética, Academia de Ciencias de China, Pekín, China; 24 octubre 2013.

- Joly V y Matton DP. Long-distance relationships: how the ovary perceives different pollination types at a distance. Plant Biology 2018, Montreal, QC, Canadá; 14–18 julio 2018.
- 2016 ★ Joly V, Liu Y, Dorion S, Rivoal J y Matton DP. Ovule secretomics reveal the importance of post-transcriptional regulation of reproductive proteins. Plant Reproduction 2016, Tucson, AZ, EE UU; 18–23 marzo 2016.
 - \bigstar **Joly V** y Matton DP. KAPPA: exploring -omics data to detect and cluster cysteine-rich proteins. [misma conferencia]
- 2015 ★ Joly V y Matton DP. KAPPA: meeting the challenge of proteome-wide detection and clustering of cysteine-rich proteins. High Performance Computing Symposium HPCS 2015, Montreal, QC, Canadá; 17–19 junio 2015.
- Joly V, Liu Y y Matton DP. Interspecific divergence of reproductive proteins: the keystone of species-specific fertilization in wild potatoes? 10th Solanaceae Conference (SOL 2013), Pekín, China; 13–17 octubre 2013.
 - **Joly V** y Matton DP. Speciation genes in pollen-pistil interactions. 9th Canadian Plant Genomics Workshop, Halifax, NS, Canadá; 12–15 agosto 2013.

- 2019 Mazin BD*, Daigle C, **Joly V** and Matton DP. The ScFRK2 and ScFRK3 MAP Kinase Kinase Kinase are involved in ovule development in Solanum chacoense. Plant Biology 2019, San José, CA, EE UU; Aug. 3–7, 2019.
- 2018 **Joly V** y Matton DP*. Pre-zygotic barriers in inter-specific crosses: a leading role for small cysteine-rich protein attractant in wild potatoes species? Plant Biology 2018, Montreal, QC, Canadá; 14–18 julio 2018.
- Joly V y Matton DP*. Pollination type recognition from a distance by the ovary is revealed by a global transcriptomic analysis. 5th International Symposium on Plant Signaling and Behavior, Matsue, Japón; 26 junio 1 julio 2017.
- 2013 Liu Y*, Bai F, **Joly V** y Matton DP. *Identification of female gametophyte-specific CRPs and isolation of pollen tube guidance attractant(s) in solanaceous species.* Journées du Centre SÈVE, Wendake, QC, Canadá; 7–8 noviembre 2013.
 - Tebbji F, **Joly V** y Matton DP*. *Pollination type recognition from a distance by the ovary is revealed by a global transcriptomic analysis*. 10th Solanaceae Conference (SOL 2013), Pekín, China; 13–17 octubre 2013.
 - Liu Y^* , **Joly V** y Matton DP. Isolation and characterization of the pollen tube attractant from Solanum chacoense. [misma conferencia]
- Daigle C*, **Joly V** y Matton DP. Discovering new MAPK signalling cascades involved in plant reproduction using co-expression analyses and deep transcriptomic sequencing of ovule and pollen tubes. 7th Canadian Plant Genomics Workshop, Niagara Falls, ON, Canadá; 22–25 agosto 2011.

Divulgación científica

- Joly V. Le sexe des plantes avec Valentin Joly. Entrevista de radio para el programa de divulgación científica Les années lumière en Radio-Canada. Emitido el 24 de abril de 2016.
- Joly V. Les mots d'amour des plantes à fleurs. Artículo escrito para L'ARN messager, el periódico en línea de los estudiantes de biología de la Universidad de Montreal. Publicado el 19 de diciembre de 2014.

Enseñanza

Fisiología vegetal

Jefe de asistentes de enseñanza, 2013-2018 Asistente de enseñanza, 2011-2012

Trabajos prácticos de fisiología vegetal, Prof. Jean Rivoal, Universidad de Montreal

- 140 horas por sesión, 70 estudiantes
- Sesiones semanales con un curso teorético (0:45) y un trabajo práctico (2:30)
- Supervisión de 1-2 asistentes de enseñanza

Biología molecular

Asistente de enseñanza, 2014-2016

Trabajos prácticos de biología molecular, Prof. D. P. Matton, Universidad de Montreal

• 110 horas per sesión, 10-20 estudiantes

Supervisión de pasantes

Posgrado

Los siguientes estudiantes latinoamericanos fueron recibidos en el laboratorio de mi profesor como parte del Programa de Futuros Líderes en las Américas (PFLA-ELAP) organizado por el Gobierno de Canadá. Supervisé su trabajo durante de 5 a 6 meses, con proyectos relacionados con mi proyecto de doctorado.

 Kelly Rodrigues 	2018-19	Ph.D.	UFRGS (Brasil)
Federico Ceriotti	2017-18	M.Sc.	Univ. Nac. de Cuyo (Argentina)
• Carlos Bravo	2016-17	Ph.D.	Univ. Nac. Autonoma de México (México)
• Laura González	2016	Ph.D.	Univ. Nac. de Córdoba (Argentina)
 Mariana Quiroga 	2015	Ph.D.	Univ. Nac. de Córdoba (Argentina)

Grado

Supervisé a estos estudiantes durante pasantías de 4 a 6 meses que formaban parte de sus carreras de grado.

Maude Dorval	2018	B.Sc.	Univ. de Montreal (Canadá)
	2017	DEC	Collège Ahuntsic (Canadá)
 Anna Zaro Sánchez 	2017	B.Sc.	Univ. de Barcelona (España)
 Francis Banville 	2017	B.Sc.	Univ. de Montreal (Canadá)
 Andréa Davrinche 	2014	B.Sc.	Univ. P. & M. Curie (Francia)
• Ella Gangbe	2013	B.Sc.	Univ. de Montreal (Canadá)
• Tissicca Hour	2012	B.Sc.	Univ. de Montreal (Canadá)

2019-21 ★ Beca de investigación postdoctoral (B3X)

Fonds de Recherche du Québec - Nature et Technologies (FRQNT) Gobierno de Québec, Canadá, 110 000 CAD

2018 | Beca de viaje Jacques-Rousseau

Instituto de Investigación en Biología Vegetal, Universidad de Montreal, 800 CAD

2017 | ★ Beca de excelencia Hydro-Québec (2° año)

Hydro-Québec (compañía nacional de electricidad), 25 000 CAD

Beca de fin de doctorado (BFED)

Facultad de Estudios de Grado y Posgrado, Universidad de Montreal, 8 400 CAD

Beca de viaje Jacques-Rousseau

Instituto de Investigación en Biología Vegetal, Universidad de Montreal, 1 500 CAD

Beca de viaje (Bourse d'appui à la diffusion des résultats de recherche)

Facultad de Estudios de Grado y Posgrado, Universidad de Montreal, 500 CAD

Mención honorífica para una presentación oral estudiante

CSPB Eastern Regional Meeting

2016 | ★ Beca de excelencia Hydro-Québec

Hydro-Québec (compañía nacional de electricidad), 25 000 CAD

★ Beca de doctorado

Gobierno de Québec (FRQNT), 13 333 CAD

★ Premio MITACS Globalink - Programa de verano de la JSPS

MITACS / Japanese Society for the Promotion of Science, 534 000 JPY

Premio del mejor poster estudiante

Frontiers in Plant Reproduction Biology, conf. Plant Reproduction 2016, 300 USD

Beca de viaje Jacques-Rousseau

Instituto de Investigación en Biología Vegetal, Universidad de Montreal, 1 500 CAD

Subvención de viaje PARSECS

FAÉCUM, Universidad de Montreal, 400 CAD

2015 | ★ Beca de excelencia Catherine-Frédette en ciencias biológicas y neurología

Facultad de Estudios de Grado y Posgrado, Universidad de Montreal, 5 000 CAD

★ Beca de doctorado FBSB del Departamento de Ciencias biológicas

Universidad de Montreal, 1 500 CAD

Premio del presidente para la mejor presentación oral

Sociedad Canadiense de Biología Vegetal (CSPB-SCBV), 500 CAD

Premio de la mejor presentación oral estudiante

Compute Canada, High Performance Computing Symposium HPCS 2015, 500 CAD

Beca de viaje G.-H. Duff

Sociedad Canadiense de Biología Vegetal (CSPB-SCBV), 340 CAD

2015 | Beca de viaje Jacques-Rousseau

Instituto de Investigación en Biología Vegetal, Universidad de Montreal, 775 CAD

★ Beca de excelencia de la Facultad de Estudios de Grado y Posgrado

Universidad de Montreal, 3 000 CAD

2014 | ★ Beca Pehr-Kalm

Jardín Botánico de Montreal, 2 000 CAD

Beca de viaje para pasantías internacionales

Gobierno de Québec (FRQNT) - Centre SÈVE, 3 815 CAD

Beca de viaje Jacques-Rousseau

Instituto de Investigación en Biología Vegetal, Universidad de Montreal, 1 760 CAD

2013 | ★ Beca de excelencia Marie-Victorin

Instituto de Investigación en Biología Vegetal, Universidad de Montreal, 3 000 CAD

Premio de la mejor presentación oral

Journées du Centre SÈVE, 300 CAD

Beca de viaje Jacques-Rousseau

Instituto de Investigación en Biología Vegetal, Universidad de Montreal, 850 CAD

Premio de la mejor presentación oral estudiante

Symposium of Biological Sciences, Universidad de Montreal, 100 CAD

2012 ★ Beca de maestría FBSB del Departamento de Ciencias biológicas

Universidad de Montreal, 1 200 CAD

★ Beca de transición maestría-doctorado acelerada

Facultad de Estudios de Grado y Posgrado, Universidad de Montreal, 14 000 CAD

2011 | Beca de viaje para un intercambio en Canadá

Ministerio francés de Investigación (CROUS), 1 600 EUR

Beca de excelencia PIL para intercambios en Canadá

Universidad Pierre y Marie Curie (París VI), 1 500 EUR

Beca de viaje AMIÉ para un intercambio en Canadá

Autoridad regional de París (Conseil régional), 2 800 EUR

Beca de viaje Campus'Trotter para un intercambio en Canadá

Autoridad local en Francia (Conseil général), 700 EUR

2010 Mejor estudiante en el departamento de biología, exámenes de junio 2010

Universidad Pierre y Marie Curie (París VI)

2008 | ★ Beca de excelencia para estudios de licenciatura

Gobierno francés (CROUS), 5 400 EUR

Servicio

Sociedades

Sociedad Estadounidense de Biología Vegetal (ASPB), desde 2016

Sociedad Canadiense de Biología Vegetal (SCBV-CSPB), desde 2014

Asociación Internacional de Investigación

en Reproducción Sexual de Plantas (IASPRR), 2015-2019

Asociación de Biólogos de Quebec (ABQ), 2013-2018

Sociedad Botánica de Francia (SBF), 2010-2011

Asociaciones de estudiantes

Asociación de estudiantes naturalistas Timarcha, 2010-2011

Universidad Pierre y Marie Curie (UPMC), París, Francia

Comité de acciones ambientales Éco-école, 2006-2008

Lycée Saint-Sauveur (≈ escuela secundaria), Redon, Francia

Voluntariado

Profesor voluntario de francés, 2015-2016

Centro comunitario La Casa de la Amistad, Montreal, QC, Canadá

• Lecciones de 3 horas cada semana con 10-20 estudiantes

Colaborador en diversos proyectos en línea:

- Escritor y traductor para Wikipedia (artículos relacionados con la biología), desde 2008
- Cartógrafo voluntario para OpenStreetMap, desde 2015
- Digitalización de herbarios para el Museo Nacional de Historia Natural de París (Proyecto "Les Herbonautes"), 2015

Otras competencias

Lenguas

Frencés, lengua materna

Inglés, avanzado Español, avanzado Italiano, intermedio

Esperanto y Japonés, principiante

Informática

Programación: Python y R. Bases de C y Perl.

Web: HTML/CSS, Jekyll.

Sistemas operativos: Linux (*Ubuntu*, *Fedora*, *CentOS*), Mac OS X, Windows.

Bioinformática: programas de ensamble (*Trinity*, *CLC*, etc.); alineadores de lécturas (*Bowtie*, *TopHat*, etc.); herremientas de búsqueda y alineamiento de secuencias (*BLAST*, etc.); anotadores (*BLAST2GO*, *PFAMscan*, *SignalP*, etc.)

Software de oficina: La Libre Office / Open Office, Microsoft Office

Procesamiento de imágenes: GIMP, Inkscape, ImageJ, Adobe Photoshop, Cytoscape

; AxioVision (programa de manejo de los microscopios Zeiss)