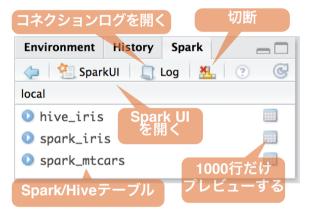
Data Science in Spark with Sparklyr:: CHEAT SHEET

イントロ

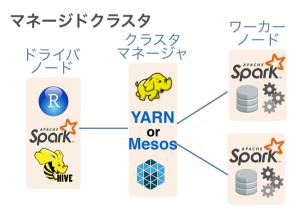
sparklyrとはApache SparkTMへのインタ フェースです、これはdplvrの完全なバックエ ンド機能や. Spark SQLステートメントを用 いたクエリの直接発行もオプションとして提 供します. sparklyrによってSpark MLibや H2O Sparkling Waterといった分散機械学習 をオーケストレーションする事ができます.

RStudioデスクトップ版, サーバ版, Pro版の version 1.044からsparklyrパッケージへの統 合サポートが開始されます. これによって SparkクラスタやローカルのSparkインスタ ンスの作成や接続管理をIDE内で行うことが できます.

sparklyrとRStudioの統合



クラスタの展開





コミュニケート 可視化 • Rデータフレームを dplyrの文法 Rヘデータを収集 変換関数 エクスポート プロット、ドキュ メント、アプリの Spark SQLを直接 ファイル読み込み 操作(DBI) 共有 • 既存のHiveテーブル モデリング SDF関数(Scala 加工 の読み込み Spark MLlib · H2O拡張 R for Data Science, Grolemund & Wickham

事始め

ローカルモード (クラスタは不要)

- 1. Sparkのローカル版をインストール: spark_install ("2.0.1")
- 2. コネクションを開く sc <- spark_connect (master = "local")</pre>

Mesos管理クラスタ

- 1. RStudio ServerまたはProを既存のノードへ インストール
- 2. クラスタのSparkディレクトリを指定する
- 3. コネクションを開く

spark connect(master="[mesos URL]" version = "1.6.2", spark_home = [Cluster's 1. RStudio ServerまたはProを既存のノード, Spark path])

LIVYの利用 (実験段階)

- 1. Livy RESTアプリケーションをクラスタ上で 起動させておく
- 2. コネクションを開く sc <- spark_connect(method = "livy", master = "http://host:port")

YARN管理クラスタ

- 1. RStudio ServerまたはProを既存のノードへ へもインストールする.
- 2. クラスタのSparkディレクトリを指定する.
- 3. コネクションを開く version = "1.6.2", spark home = [Cluster's Spark path])

- 2. ローカルバージョンのSparkを次のコマンド でインストールする

spark connect(master="spark:// host:port", version = "2.0.1", spark home = spark home dir())

- インストールし. 可能であればエッジノード
- 通常、パスは次の場所である. "/usr/lib/spark"
- spark connect(master="varn-client",

Sparkスタンドアローンクラスタ

または同じLAN上のサーバへインストールす

pred iris <- sdf predict(model_iris, test_iris) %>% collect

model iris <- tidy iris %>%

sparklyr 0

データ分析を行う例

spark install("2.0.1")

overwrite = TRUE)

partition_iris <- sdf_partition(</pre>

sdf register(partition iris.

library(sparklyr); library(dplyr);

Apache Spark, R. sparklyrをローカルモードで

library(ggplot2); library(tidyr); sparkをローカルに インストール

sc <- spark connect(master = "local")

import iris.training=0.5, testing=0.5)

c("spark_iris_training", "spark_iris_test"))

各パーティションにhiveメタデータを作成

tidy_iris <- tbl(sc,"spark_iris_training") %>%

ml_decision_tree(response="Species", features=c("Petal Length"."Petal Width"))

test iris <- tbl(sc, "spark iris test")

select(Species, Petal_Length, Petal_Width)

import iris <- copy to(sc, iris, "spark iris",

ローカルのSparkに接続

データをSparkメモリヘコピー

活用

set.seed(100)

決定木モデル

pred_iris %>%

inner join(data.frame(prediction=0:2, lab=model iris\$model.parameters\$labels))

ggplot(aes(Petal Length, Petal Width, col=lab)) + geom_point()

spark_install (version = "2.0.1")

3. コネクションを開く

Tuning Spark

設定例

config <- spark_config() config\$spark.executor.cores <- 2 config\$spark.executor.memory <- "4G" sc <- spark_connect (master="yarn-client", • spark.executor.memory 1g

> config = config, version = "2.0.1")

重要なチューニングパラメータ *オレンジ文字はデフォルト値

spark.varn.am.cores

spark.executor.cores 1

- spark.yarn.am.memory 512m
 spark.executor.extraJavaOptions
- spark.network.timeout 120s spark.executor.heartbeatInterval 10s
 - sparklyr.shell.executor-memory
 - sparklyr.shell.driver-memory

spark.executor.instances

spark_disconnect(sc)

Reactivity

Sparkヘデータをコピー

sdf copy to(sc, iris, "spark iris")

sdf copy to(sc, x, name, memory, repartition, overwrite)

ファイルからSparkへインポート

全関数共通の引数:

sc, name, path, options = list(), repartition = 0, memory = TRUE, overwrite = TRÚE

CSV spark read csv(header = TRUE, columns = NULL, infer schema =

> TRUE, delimiter = ",", quote = "\"", escape = "\\", charset = "UTF-8",

null value = NULL) **JSON** spark read ison()

PARQUET spark_read parquet()

Spark SQLコマンド

DBI::dbWriteTable(sc, "spark iris", iris)

DBI::dbWriteTable(conn, name, value)

Hiveテーブルの操作

my var <- tbl cache(sc,

name= "hive iris")

tbl cache(sc, name, force = TRUE)

メモリにテーブルを読み込む

my var <- dplyr::tbl(sc,

name="hive_iris")

dplyr::tbl(scr, ...)

メモリに読み込まずに テーブルへの参照を作成する

DPLYRの文法でSPARK SQLを利用

Spark SQLへ翻訳されます

my table <- my var %>% filter(Species=="setosa") %>% sample n(10)

Spark SQLコマンドの直接発行

my table <- DBI::dbGetQuery(sc , "SELECT * FROM iris LIMIT 10")

DBI::dbGetQuery(conn, statement)

SDF関数を用いたScala APIの利用

sdf mutate(.data)

dplyrのmutate関数と等価

sdf_partition(x, ..., weights = NULL, seed ft_index_to_string() = sample (.Machine\$integer.max, 1)) **sdf** partition(x, training = 0.5, test = 0.5)

sdf_register(x, name = NULL) Spark DataFrameに名前を付ける

TRUE, seed = NULL)

sdf_sort(x, columns)

1つ以上のカラムについて昇順にソート

sdf_with_unique_id(x, id = "id")

ユニークIDカラムを追加

sdf_predict(object, newdata)

予測値を含むSpark DataFrame

ML 変換関数

ft binarizer(my table,input.col="Petal Le ngth", output.col="petal large", threshold=1.2)

全関数共通の引数:

x, input.col = NULL, output.col = NULL

ft_binarizer(threshold = 0.5) 閾値に基いて値を割り当て

ft bucketizer(splits)

数値カラムを離散値カラムへ

ft_discrete_cosine_transform(invers e = FALSE

時間領域から周波数領域へ変換 (離散コサイン変換)

ft_elementwise_product(scaling.col) 要素ごとの積を求める

インデックスを文字列に変換

ft one hot encoder() ラベルインデックスのカラムをバイナリ ベクトルのカラムに変換

sdf_sample(x, fraction = 1, replacement = ft_quantile_discretizer(n.buckets=5L) 連続値からビン幅毎のカテゴリ値へ変換

ft sql transformer(sql)

ft_string_indexer(params = NULL) ラベルカラムをラベルインデックスの カラムに変換

ft vector assembler()

複数のベクトルを1つに連結する

可視化&通信

Rのメモリヘデータをダウンロード

r_table <- collect(my_table) plot(Petal Width~Petal Length, data=r table)

dplvr::collect(x)

CSV

R DataFrameにSpark DataFrameをダウンロードする

sdf read column(x, column)

Rへ1カラムの要素を返す

Sparkからファイルシステムへ保存

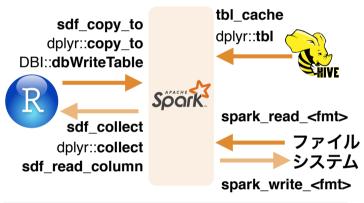
全関数へ適用される引数: x, path

spark read csv(header = TRUE. delimiter = ",", quote = "\"", escape = "\\", charset = "UTF-8", null value = NULL)

JSON spark read ison(mode = NULL)

PARQUET spark read parquet(mode = NULL)

データの読み書き Apache Sparkから



全Spark APIを呼び出しSparkパッケージへの インタフェースを提供するRパッケージを作成

コア機能

spark connection()RとSparkシェルプロセスとの

リモートのSparkオブジェクト へのインタフェース spark_jobj()

リモートのSpark DataFrameオブジェクトへのインタフェース spark_dataframe()

RからSparkの呼び出し

Javaオブジェクトのメソッドを呼び invoke()

invoke_new()

invoke_static()オブジェクトの静的メソッドを呼び

機械学習エクステンション

ml options() ml create dummy variables() ml prepare dataframe() ml model() ml_prepare_response_features_intercept()

モデリング(MLlib)

ml decision tree(my table, response = "Species", features = c("Petal Length", "Petal Width"))

ml als factorization(x, user.column = "user", rating.column = "rating". item.column = "item". rank = 10L, regularization.parameter = 0.1, iter.max = 10L, ml.options = ml_options())

ml decision tree(x, response, features, max.bins = 32L, max.depth = 5L. type = c("auto", "regression", "classification"). ml.options = ml options())

*ml_gradient_boosted_treesとオプションは同じ

ml generalized linear regression(x, response, features, intercept = TRUE, family = gaussian(link = "identity"), iter.max = 100L, ml.options = ml_options())

ml_kmeans(x, centers, iter.max = 100, features = dplyr::tbl_vars(x), compute.cost = TRUE, tolerance = 1e-04, ml.options = ml options())

ml lda(x, features = dplyr::tbl vars(x), k = length(features), alpha = (50/k) + 1, beta = 0.1 + 1, ml.options = ml options())

ml linear regression(x, response, features, intercept = TRUE, alpha = 0, lambda = 0, iter.max = 100L, ml.options = ml options()) *ml logistic regressionとオプションは同じ

ml multilayer perceptron(x, response, features, layers, iter.max = 100, seed = sample(.Machine\$integer.max, 1), ml.options = ml options())

ml_naive_bayes(x, response, features, lambda = 0, ml.options = ml options())

ml one vs rest(x, classifier, response, features, ml.options = ml options())

ml_pca(x, features = dplyr::tbl_vars(x), ml.options = ml_options())

ml_random_forest(x, response, features, max.bins = 32L, max.depth = 5L, num.trees = 20L, type = c("auto", "regression", "classification"), ml.options = ml_options())

ml survival regression(x, response, features, intercept = TRUE,censor = "censor", iter.max = 100L, ml.options = ml options())

ml_binary_classification_eval(predicted_tbl_spark, label, score, metric = "areaUnderROC")

ml_classification_eval(predicted_tbl_spark, label, predicted_lbl, metric = "f1")

ml tree feature importance(sc, model)

