Minicurso de Análise de Algoritmos

 $http://www.ime.usp.br/\sim pf/livrinho-AA/$

Paulo Feofiloff
Departamento de Ciência da Computação
Instituto de Matemática e Estatística
Universidade de São Paulo

26 de julho de 2011

Sumário

1	Intr	odução	9			
	1.1	Problemas e instâncias	9			
	1.2	Consumo de tempo de algoritmos	10			
	1.3	Recursão e algoritmos recursivos	11			
	1.4	Convenções de notação	12			
2	Comparação assintótica de funções 1					
	2.1	Notação O	13			
	2.2	Notação Ômega	14			
	2.3	Notação Teta	15			
	2.4	Consumo de tempo de algoritmos	15			
3	Solução de recorrências					
	3.1	Exemplo 1	17			
	3.2	Exemplo 2	18			
	3.3	Exemplo 3	18			
	3.4	Exemplo 4	20			
	3.5	Teorema mestre	22			
4	Ordenação de vetor					
	4.1	Algoritmo Mergesort	25			
	4.2	Divisão e conquista	26			
5	Segmento de soma máxima					
	5.1	O problema	27			
	5.2	Primeiro algoritmo	28			
	5.3	Segundo algoritmo: divisão e conquista	29			
	5.4	Terceiro algoritmo: programação dinâmica	30			
	5.5	Observações sobre programação dinâmica	32			

6	O p	roblema da maioria	33
	6.1	O problema	33
	6.2	Um algoritmo linear	34
7	Mul	ltiplicação de números naturais	37
	7.1	O problema	37
	7.2	O algoritmo usual	37
	7.3	Divisão e conquista	38
	7.4	Algoritmo de Karatsuba	40
	7.5	Detalhes de implementação	41
	7.6	Divisão e conquista	42
8	Esca	alonamento de intervalos	43
	8.1	O problema	43
	8.2	A estrutura recursiva do problema	44
	8.3	Algoritmo de programação dinâmica	44
9	As 1	inhas de um parágrafo	47
	9.1	O problema	47
	9.2	A estrutura recursiva do problema	48
	9.3	Um algoritmo de programação dinâmica	49
10	Mod	chila de valor máximo	51
	10.1	O problema	51
	10.2	A estrutura recursiva do problema	51
	10.3	Algoritmo de programação dinâmica	52
	10.4	Instâncias especiais do problema da mochila	54
11	Mod	chila de valor quase máximo	55
	11.1	O problema	55
		Algoritmo de aproximação	55
	11.3	Observações sobre algoritmos de aproximação	57
12	A co	obertura de um grafo	59
	12.1	Grafos	59
	12.2	O problema da cobertura	59
	12.3	Um algoritmo de aproximação	60
	12.4	Comentários sobre o método primal-dual	62
	12.5	Instâncias especiais do problema	62

13 Conjuntos independentes em grafos	63	
13.1 O problema	63	
13.2 Algoritmo probabilístico	64	
13.3 Comentários sobre algoritmos probabilísticos	66	
14 Busca em largura num grafo	67	
14.1 O problema do componente	67	
14.2 Busca em largura: versão preliminar	67	
14.3 Busca em largura: versão mais concreta	69	
15 Busca em profundidade num grafo	71	
15.1 Busca em profundidade	71	
Posfácio		
Bibliografia		
Índice remissivo		

Prefácio

A Análise de Algoritmos (veja o verbete *Analysis of Algorithms* na Wikipedia) é uma disciplina bem-estabelecida, coberta por um bom número de excelentes livros (a maioria em inglês). Este livrinho faz uma modesta introdução ao assunto. Depois de tratar brevemente de alguns pré-requisitos (como notação assintótica e resolução de recorrências), o texto analisa alguns algoritmos clássicos, discute sua eficiência, e chama a atenção para as estratégias (divisão e conquista, programação dinâmica, método primaldual) que levaram à sua concepção.

Este livrinho é uma versão corrigida do minicurso que ministrei nas JAI (Jornadas de Atualização em Informática) de 2009 da SBC (Sociedade Brasileira de Computação), ocorridas em Bento Gonçalves, RS, em julho de 2009. O minicurso foi publicado no livro organizado por André P. L. F. de Carvalho e Tomasz Kowaltowski [5].

O texto deve muito a Cristina Gomes Fernandes e José Coelho de Pina Jr., ambos do Departamento de Ciência da Computação do Instituto de Matemática e Estatística da USP, que contribuíram com material, ideias e valiosas sugestões.

IME–USP, São Paulo, agosto de 2009 P. F.

Capítulo 1

Introdução

A Análise de Algoritmos¹ estuda certos problemas computacionais recorrentes, ou seja, problemas que aparecem, sob diversos disfarces, em uma grande variedade de aplicações e de contextos. A análise de um algoritmo para um dado problema trata de

- 1. provar que o algoritmo está correto e
- 2. estimar o tempo que a execução do algoritmo consome.

(A estimativa do espaço de memória usado pelo algoritmo também é importante em muitos casos.) Dados dois algoritmos para um mesmo problema, a análise permite decidir qual dos dois é mais eficiente.

Pode-se dizer que a Análise de Algoritmos é uma disciplina de engenharia, pois ela procura prever o comportamento de um algoritmo antes que ele seja efetivamente implementado e colocado "em produção".

Num nível mais abstrato, a análise de algoritmos procura identificar aspectos estruturais comuns a algoritmos diferentes e estudar paradigmas de projeto de algoritmos (como a divisão e conquista, a programação dinâmica, o método primal-dual, etc.)

Este texto é uma breve introdução à Análise de Algoritmos, baseada nos excelentes livros de Cormen, Leiserson, Rivest e Stein [3], de Brassard e Bratley [2], de Bentley [1], de Kleinberg e Tardos [10] e de Manber [14].

No restante desta introdução, faremos uma rápida revisão de conceitos básicos e fixaremos a notação e a terminologia empregadas no texto.

1.1 Problemas e instâncias

Da mesma forma que distinguimos um algoritmo de sua aplicação a uma particular "entrada", convém distinguir problemas de suas instâncias. Todo problema computacional é uma coleção de **instâncias**.² Cada instância do problema é definida por um particular conjunto de dados.

¹ A expressão foi cunhada por D. E. Knuth [12].

² A palavra *instância* é um neologismo importado do inglês. Ela está sendo empregada aqui no sentido de *exemplo*, *espécime*, *amostra*, *ilustração*.

Considere, por exemplo, o problema de encontrar a média dos elementos de um vetor A[1..n] de números. Uma das instâncias deste problema consiste em encontrar a média dos elementos do vetor (876, -145, 323, 112, 221).

Em discussões informais, é aceitável dizer "problema" quando "instância do problema" seria mais correto. Em geral, entretanto, é importante manter clara a distinção entre os dois conceitos.

O tamanho de uma instância de um problema é a quantidade de dados necessária para descrever a instância. O tamanho de uma instância é descrito, em geral, por um só número natural, mas às vezes é conveniente usar dois ou até mais números. A ideia de tamanho permite dizer que uma instância é menor ou maior que outra.

No problema da média citado acima, por exemplo, é razoável dizer que o tamanho da instância (876, -145, 323, 112, 221) é 5 e, em geral, que o tamanho de uma instância $A[1 \dots n]$ é n. (Dependendo das circunstâncias, entretanto, pode ser mais apropriado adotar o número total de dígitos decimais de $A[1 \dots n]$ como tamanho da instância. Nesse caso, a instância (876, -145, 323, 112, 221) terá tamanho 15 ou, se o leitor assim preferir, 16.)

1.2 Consumo de tempo de algoritmos

Dizemos que um algoritmo resolve um problema se, ao receber a descrição de uma instância do problema, devolve uma solução da instância (ou informa que a instância não tem solução). Para cada instância do problema, o algoritmo consome uma quantidade de tempo diferente. Digamos que o algoritmo consome T(I) unidades de tempo para processar a instância I. A relação entre T(I) e o tamanho de I dá uma medida da eficiência do algoritmo.

Em geral, um problema tem muitas instâncias diferentes de um mesmo tamanho. Isto exige a introdução dos conceitos de "pior caso" e "melhor caso". Dado um algoritmo $\mathcal A$ para o problema e um número natural n, seja $T^*(n)$ o máximo de T(I) para todas as instâncias I de tamanho n do problema. Dizemos que

 T^* mede o consumo de tempo de \mathcal{A} no pior caso.

De modo análogo, seja $T_*(n)$ o mínimo de T(I) para todas as instância I de tamanho n. Dizemos que T_* mede o consumo de \mathcal{A} no melhor caso.

Por exemplo, um algoritmo pode consumir 200n unidades de tempo no melhor caso e $10n^2 + 100n$ unidades no pior. (Estou ignorando os valores pequenos de n, para os quais 200n é maior que $10n^2 + 100n$.)

Nas nossas análises, suporemos quase sempre (o Capítulo 7 é uma exceção) que uma execução de cada linha de pseudocódigo consome uma quantidade de tempo que não depende do tamanho da instância submetida ao algoritmo. (Para isso, será necessário descrever os algoritmos de maneira suficientemente detalhada.) Em particular, suporemos quase sempre que o consumo de tempo das operações aritméticas (adição, multiplicação, comparação, atribuição, etc.) não depende do tamanho dos números envolvidos.

1.3 Recursão e algoritmos recursivos

Muitos problemas computacionais têm a seguinte propriedade: cada solução de uma instância do problema contém soluções de instâncias menores do mesmo problema. Dizemos que tais problemas têm *estrutura recursiva*. Para resolver um problema desse tipo, aplique o seguinte método: se a instância dada é pequena, resolva-a diretamente (use força bruta se necessário); se a instância é grande,

- 1. reduza-a a uma instância menor.
- 2. encontre uma solução S da instância menor,
- 3. use S para construir uma solução da instância original.

A aplicação desse método produz um algoritmo recursivo.

Para provar que um algoritmo recursivo está correto, basta fazer uma indução matemática no tamanho das instâncias. Antes de empreender a prova, é essencial colocar no papel, de maneira precisa e completa, a relação entre o que o algoritmo recebe e o que devolve.

Exemplo 1: soma dos elementos positivos de um vetor. O seguinte algoritmo recursivo recebe um vetor A[1..n] de números inteiros, com $n \ge 0$, e devolve a soma dos elementos positivos do vetor:³

A prova da correção do algoritmo é uma indução em n. Se n=0, é evidente que o algoritmo dá a resposta correta. Agora tome $n\geq 1$. Podemos supor, por hipótese de indução, que SOMAPOSITIVOS com argumentos A e n-1 produz o resultado prometido. Portanto, no início da linha 4, s é a soma dos elementos positivos de $A[1\dots n-1]$. A partir de s, as linhas 4 a 6 calculam corretamente a soma dos elementos positivos de $A[1\dots n]$.

Exemplo 2: logaritmo truncado. O **piso** de um número não negativo x é o único número natural i tal que $i \le x < i + 1$. O piso de x é denotado por $\lfloor x \rfloor$.

Para todo número natural $n \ge 1$, o **piso do logaritmo** de n na base 2, denotado por $|\lg n|$, é o único número natural k tal que $2^k \le n < 2^{k+1}$.

O seguinte algoritmo recursivo recebe um número natural $n \ge 1$ e devolve $\lfloor \lg n \rfloor$:

³ Usaremos a excelente notação do livro de Cormen *et al.* [3] para descrever algoritmos.

```
PISODELOG (n)

1 se n=1

2 então devolva 0

3 senão devolva PISODELOG (\lfloor n/2 \rfloor)+1
```

Prova da correção do algoritmo: Se n=1, é evidente que o algoritmo devolve o valor correto de $\lfloor \lg n \rfloor$. Agora tome $n \geq 2$ e seja k o número $\lfloor \lg n \rfloor$. Queremos mostrar que o algoritmo devolve k.

Como $2^k \le n < 2^{k+1}$, temos $2^{k-1} \le n/2 < 2^k$. Como 2^{k-1} é um número natural, temos $2^{k-1} \le \lfloor n/2 \rfloor < 2^k$ e portanto $\lfloor \lg \lfloor n/2 \rfloor \rfloor = k-1$. Como $\lfloor n/2 \rfloor < n$, podemos supor, por hipótese de indução, que o valor da expressão PISODELOG $(\lfloor n/2 \rfloor)$ é k-1. Portanto, o algoritmo devolve k-1+1=k, como queríamos provar.

1.4 Convenções de notação

Para concluir esta introdução, estabelecemos algumas convenções de notação. Denotaremos por $\mathbb N$ o conjunto $\{0,1,2,3,\ldots\}$ dos números naturais (que coincide com o dos inteiros não negativos). O conjunto $\mathbb N-\{0\}$ será denotado por $\mathbb N^>$. O conjunto dos números reais será denotado por $\mathbb R$. O conjunto dos reais não negativos e o dos reais estritamente positivos serão denotados por $\mathbb R^>$ e por $\mathbb R^>$ respectivamente.

Como já dissemos acima, o **piso** de um número x em \mathbb{R}^{\geq} é o único número i em \mathbb{N} tal que $i \leq x < i+1$. O **teto** de x é o único número j em \mathbb{N} tal que $j-1 < x \leq j$. O piso e o teto de x são denotados por $\lfloor x \rfloor$ e $\lceil x \rceil$ respectivamente.

Denotaremos por $\lg n$ o logaritmo de um número n na base 2. Portanto, $\lg n = \log_2 n$.

Capítulo 2

Comparação assintótica de funções

É desejável exprimir o consumo de tempo de um algoritmo de uma maneira que não dependa da linguagem de programação, nem dos detalhes de implementação, nem do computador empregado. Para tornar isto possível, é preciso introduzir um modo grosseiro de comparar funções. (Estou me referindo às funções — no sentido matemático da palavra — que exprimem a dependência entre o consumo de tempo de um algoritmo e o tamanho de sua "entrada".)

Essa comparação grosseira só leva em conta a "velocidade de crescimento" das funções. Assim, ela despreza fatores multiplicativos (pois a função $2n^2$, por exemplo, cresce tão rápido quanto $10n^2$) e despreza valores pequenos do argumento (a função n^2 cresce mais rápido que 100n, embora n^2 seja menor que 100n quando n é pequeno). Dizemos que esta maneira de comparar funções é **assintótica**.

Há três tipos de comparação assintótica: uma com sabor de " \leq ", outra com sabor de " \geq ", e uma terceira com sabor de "=".

2.1 Notação O

Dadas funções F e G de $\mathbb N$ em $\mathbb R^{\geq}$, dizemos que F está em $\operatorname{O}(G)$ se existem c e n_0 em $\mathbb N^{>}$ tais que

$$F(n) < c \cdot G(n)$$

para todo $n \ge n_0$. A mesma coisa pode ser dita assim: existe c em $\mathbb{N}^>$ tal que $F(n) \le c \cdot G(n)$ para todo n suficientemente grande. Em lugar de "F está em $\mathrm{O}(G)$ ", podemos dizer "F é $\mathrm{O}(G)$ ", " $F \in \mathrm{O}(G)$ " e até " $F = \mathrm{O}(G)$ ".

Exemplo 1: 100n está em $O(n^2)$, pois $100n \le n \cdot n = n^2$ para todo $n \ge 100$.

Exemplo 2: $2n^3+100n$ está em $O(n^3)$. De fato, para todo $n \ge 1$ temos $2n^3+100n \le 2n^3+100n^3 \le 102n^3$. Eis outra maneira de provar que $2n^3+100n$ está em $O(n^3)$: para todo $n \ge 100$ tem-se $2n^3+100n \le 2n^3+n\cdot n\cdot n=3n^3$.

Exemplo 3: $n^{1.5}$ está em $O(n^2)$, pois $n^{1.5} < n^{0.5} n^{1.5} = n^2$ para todo $n \ge 1$.

Exemplo 4: $n^2/10$ não está em $\mathrm{O}(n)$. Eis uma prova deste fato. Tome qualquer c

em $\mathbb{N}^>$. Para todo n>10c temos $n^2/10=n\cdot n/10>10c\cdot n/10=cn$. Logo, não é verdade que $n^2/10\leq cn$ para todo n suficientemente grande.

Exemplo 5: 2n está em $\mathrm{O}(2^n)$. De fato, $2n \le 2^n$ para todo $n \ge 1$, como provaremos por indução em n. Prova: Se n=1, a afirmação é verdadeira pois $2\cdot 1=2^1$. Agora tome $n\ge 2$ e suponha, a título de hipótese de indução, que $2(n-1)\le 2^{n-1}$. Então $2n\le 2(n+n-2)=2(n-1)+2(n-1)\le 2^{n-1}+2^{n-1}=2^n$, como queríamos demonstrar.

A seguinte **regra da soma** é útil: se F e F' estão ambas em $\mathrm{O}(G)$ então F+F' também está em $\mathrm{O}(G)$. Eis uma prova da regra. Por hipótese, existem números c e n_0 tais que $F(n) \leq cG(n)$ para todo $n \geq n_0$. Analogamente, existem c' e n'_0 tais que $F'(n) \leq c'G(n)$ para todo $n \geq n'_0$. Então, para todo $n \geq \max(n_0, n'_0)$, tem-se $F(n) + F'(n) \leq (c+c')G(n)$.

 $\it Exemplo 6$: Como $2n^3$ e 100n estão ambas em ${\rm O}(n^3)$, a função $2n^3+100n$ também está em ${\rm O}(n^3)$.

Nossa definição da notação O foi formulada para funções de \mathbb{N} em \mathbb{R}^{\geq} , mas ela pode ser estendida, da maneira óbvia, a funções que não estão definidas ou são negativas para valores pequenos do argumento.

Exemplo 7: Embora n^2-100n não esteja em \mathbb{R}^{\geq} quando n<100, podemos dizer que n^2-100n é $\mathrm{O}(n^2)$, pois $n^2-100n\leq n^2$ para todo $n\geq 100$.

Exemplo 8: Embora $\lg n$ não esteja definida quando n=0, podemos dizer que $\lg n$ está em $\mathrm{O}(n)$. De fato, se tomarmos o logaritmo da desigualdade $n\leq 2^n$ do Exemplo 5, veremos que $\lg n\leq n$ para todo $n\geq 1$.

Exemplo 9: $n \lg n$ está em $O(n^2)$. Segue imediatamente do Exemplo 8.

Exercícios

- 2.1 Critique a afirmação " $n^2 100n$ está em $O(n^2)$ para todo $n \ge 100$ ".
- 2.2 Mostre que $\lg n$ está em $O(n^{0.5})$.

2.2 Notação Ômega

Dadas funções F e G de $\mathbb N$ em $\mathbb R^{\geq}$, dizemos que F está em $\Omega(G)$ se existe c em $\mathbb N^{>}$ tal que

$$F(n) \ge \frac{1}{c} \cdot G(n)$$

para todo n suficientemente grande. É claro que Ω é "inversa" de O, ou seja, uma função F está em $\Omega(G)$ se e somente se G está em O(F).

Exemplo 10: $n^3 + 100n$ está em $\Omega(n^3)$, pois $n^3 + 100n \ge n^3$ para todo n.

A definição da notação Ω pode ser estendida, da maneira óbvia, a funções F ou G que estão definidas e são não negativas apenas para valores grandes de n.

Exemplo 11: n^2-2n é $\Omega(n^2)$. De fato, temos $2n\leq \frac{1}{2}n^2$ para todo $n\geq 4$ e portanto $n^2-2n\geq n^2-\frac{1}{2}n^2=\frac{1}{2}n^2$.

Exemplo 12: $n \lg n$ está em $\Omega(n)$. De fato, para todo $n \geq 2$ tem-se $\lg n \geq 1$ e portanto $n \lg n \geq n$.

Exemplo 13: 100n não está em $\Omega(n^2)$. Tome qualquer c em $\mathbb{N}^>$. Para todo n>100c, tem-se $100<\frac{1}{c}n$ e portanto $100n<\frac{1}{c}n^2$.

Exemplo 14: n não é $\Omega(2^n)$. Basta mostrar que para qualquer c em $\mathbb{N}^>$ tem-se $n<\frac{1}{c}2^n$ para todo n suficientemente grande. Como todo c é menor que alguma potência de 2, basta mostrar que, para qualquer k em $\mathbb{N}^>$, tem-se $n\leq 2^{-k}2^n$ para todo n suficientemente grande. Especificamente, mostraremos que $n\leq 2^{n-k}$ para todo $n\geq 2k$.

A prova é por indução em n. Se n=2k, temos $k \le 2^{k-1}$ conforme o Exemplo 5 com k no papel de n, e portanto $n=2k \le 2 \cdot 2^{k-1}=2^k=2^{2k-k}=2^{n-k}$. Agora tome $n \ge 2k+1$ e suponha, a título de hipótese de indução, que $n-1 \le 2^{n-1-k}$. Então $n \le n+n-2=n-1+n-1=2\cdot (n-1) \le 2\cdot 2^{n-1-k}=2^{n-k}$, como queríamos demonstrar.

Exercícios

- 2.3 Mostre que 2^{n-1} está em $\Omega(2^n)$.
- 2.4 Mostre que $\lg n$ não é $\Omega(n)$.

2.3 Notação Teta

Dizemos que F está em $\Theta(G)$ se F está em O(G) e também em $\Omega(G)$, ou seja, se existem c e c' em $\mathbb{N}^{>}$ tais que

$$\frac{1}{c} \cdot G(n) \leq F(n) \leq c' \cdot G(n)$$

para todo n suficientemente grande. Se F está em $\Theta(G)$, diremos que F é **proporcional** a G, ainda que isto seja um tanto incorreto.

Exemplo 15: Para qualquer a em $\mathbb{R}^{>}$ e qualquer b em \mathbb{R} , a função $an^2 + bn$ está em $\Theta(n^2)$.

Exercício

2.5 Mostre que n(n+1)/2 e n(n-1)/2 estão em $\Theta(n^2)$.

2.4 Consumo de tempo de algoritmos

Seja \mathcal{A} um algoritmo para um problema cujas instâncias têm tamanho n. Se a função que mede o consumo de tempo de \mathcal{A} no pior caso está em $O(n^2)$, por exemplo, podemos

usar expressões como

" \mathcal{A} consome $\mathrm{O}(n^2)$ unidades de tempo no pior caso"

e " \mathcal{A} consome tempo $O(n^2)$ no pior caso". Podemos usar expressões semelhantes com Ω ou Θ no lugar de O e "melhor caso" no lugar de "pior caso".

(Se $\mathcal A$ consome tempo $\mathrm O(n^2)$ no pior caso, também consome $\mathrm O(n^2)$ em qualquer caso. Analogamente, se consome $\Omega(n^2)$ no melhor caso, também consome $\Omega(n^2)$ em qualquer caso. Mas não podemos dispensar a cláusula "no pior caso" em uma afirmação como " $\mathcal A$ consome tempo $\Omega(n^2)$ no pior caso".)

Linear, quadrático, ene-log-ene. Um algoritmo é linear se consome tempo $\Theta(n)$ no pior caso. É fácil entender o comportamento de um tal algoritmo: quando o tamanho da "entrada" dobra, o algorimo consome duas vezes mais tempo; quando o tamanho é multiplicado por uma constante c, o consumo de tempo também é multiplicado por c. Algoritmos lineares são considerados muito rápidos.

Um algoritmo é **ene-log-ene** se consome tempo $\Theta(n \lg n)$ no pior caso. Se o tamanho da "entrada" dobra, o consumo dobra e é acrescido de 2n; se o tamanho é multiplicado por uma constante c, o consumo é multiplicado por c e acrescido de um pouco mais que cn.

Um algoritmo é **quadrático** se consome tempo $\Theta(n^2)$ no pior caso. Se o tamanho da "entrada" dobra, o consumo quadruplica; se o tamanho é multiplicado por uma constante c, o consumo é multiplicado por c^2 .

Polinomial e exponencial. Um algoritmo é **polinomial** se consome tempo $\mathrm{O}(n^k)$ no pior caso, sendo k um número natural. Por exemplo, é polinomial qualquer algoritmo que consome $\mathrm{O}(n^{100})$ unidades de tempo. Apesar desse exemplo, algoritmos polinomiais são considerados rápidos.

Um algoritmo é **exponencial** se consome tempo $\Omega(a^n)$ no pior caso, sendo a um número real maior que 1. Por exemplo, é exponencial qualquer algoritmo que consome $\Omega(1.1^n)$ unidades de tempo. Se n é multiplicado por 10, por exemplo, o consumo de tempo de um tal algoritmo é elevado à potência 10. Algoritmos exponenciais não são polinomiais.

Exercício

2.6 Suponha que dois algoritmos, \mathcal{A} e \mathcal{B} , resolvem um mesmo problema. Suponha que o tamanho das instâncias do problema é medido por um parâmetro n. Em quais dos seguintes casos podemos afirmar que \mathcal{A} é mais rápido que \mathcal{B} ? Caso 1: \mathcal{A} consome tempo $O(\lg n)$ no pior caso e \mathcal{B} consome tempo $O(n^3)$ no pior caso. Caso 2: \mathcal{A} consome $O(n^2 \lg n)$ unidades de tempo no pior caso e \mathcal{B} consome $O(n^2)$ unidades de tempo no pior caso. Caso 3: No pior caso, \mathcal{A} consome $O(n^2)$ unidades de tempo e \mathcal{B} consome $O(n^2 \lg n)$ unidades de tempo.

Capítulo 3

Solução de recorrências

A habilidade de resolver recorrências é importante para a análise do consumo de tempo de algoritmos recursivos. Uma *recorrência* é uma fórmula que define uma função, digamos F, em termos dela mesma. Mais precisamente, define F(n) em termos de F(n-1), F(n-2), F(n-3), etc.

Uma solução de uma recorrência é uma fórmula que exprime F(n) diretamente em termos de n. Para as aplicações à análise de algoritmos, uma fórmula exata para F(n) não é necessária: basta mostrar que F está em $\Theta(G)$ para alguma função G definida explicitamente em termos de n.

3.1 Exemplo 1

Seja F uma função de \mathbb{N} em $\mathbb{R}^{>}$. Suponha que F(1)=1 e F satisfaz a recorrência

$$F(n) = 2F(n-1) + 1 \tag{3.1}$$

para todo $n \ge 2$. Eis alguns valores da função: F(2) = 3, F(3) = 7, F(4) = 15. É fácil "desenrolar" a recorrência:

$$F(n) = 2F(n-1) + 1$$

$$= 2(2F(n-2) + 1) + 1$$

$$= 4F(n-2) + 3$$

$$= \cdots$$

$$= 2^{j}F(n-j) + 2^{j} - 1$$

$$= 2^{n-1}F(1) + 2^{n-1} - 1.$$

Concluímos assim que

$$F(n) = 2^n - 1 (3.2)$$

para todo $n \ge 1$. (Não temos informações sobre o valor de F(0).) Portanto, F está em $\Theta(2^n)$.

Exercícios

- 3.1 Confira a fórmula (3.2) por indução em n.
- 3.2 Sejam a, b e n_0 três números naturais e suponha que $F(n_0) = a$ e F(n) = 2F(n-1) + b para todo $n > n_0$. Mostre que F está em $\Theta(2^n)$.

3.2 Exemplo 2

Suponha que uma função F de \mathbb{N} em $\mathbb{R}^{>}$ satisfaz a seguinte recorrência:

$$F(n) = F(n-1) + n (3.3)$$

para todo $n \ge 2$. Suponha ainda que F(1) = 1. Teremos, em particular, F(2) = 2F(1) + 2 = 3 e F(3) = 2F(2) + 3 = 6.

A recorrência pode ser facilmente "desenrolada": $F(n)=F(n-1)+n=F(n-2)+(n-1)+n=\cdots=F(1)+2+3+\cdots+(n-1)+n=1+2+3+\cdots+(n-1)+n$. Concluímos assim que

$$F(n) = \frac{1}{2}(n^2 + n) \tag{3.4}$$

para todo $n \ge 1$. (Não temos informações sobre o valor de F(0).) Portanto, F está em $\Theta(n^2)$.

Recorrências semelhantes. O valor de F(1) tem pouca influência sobre o resultado. Se tivéssemos F(1)=10, por exemplo, a fórmula (3.4) seria substituída por $F(n)=\frac{1}{2}(n^2+n)+9$, e esta função também está em $\Theta(n^2)$.

O ponto a partir do qual (3.3) começa a valer também tem pouca influência sobre a solução da recorrência. Se (3.3) valesse apenas a partir de n=5, por exemplo, teríamos $F(n)=\frac{1}{2}(n^2+n)+F(4)-10$ no lugar de (3.4), e esta função também está em $\Theta(n^2)$.

Exercícios

- 3.3 Confira (3.4) por indução em n.
- 3.4 Suponha que F satisfaz a recorrência F(n)=F(n-1)+3n+2 para $n=2,3,4,\ldots$ Mostre que se F(1)=1 então $F(n)=3n^2/2+7n/2-4$ para todo $n\geq 2$. Conclua que F está em $\Theta(n^2)$.
- 3.5 Sejam a, b e c três números naturais e suponha que F satisfaz as seguintes condições: $F(n_0) = a$ e F(n) = F(n-1) + bn + c para todo $n > n_0$. Mostre que F está em $\Theta(n^2)$.
- 3.6 Suponha que F(n) = F(n-1) + 7 para n = 2, 3, 4, ... Mostre que se F(1) = 1 então F(n) = 7n 6 para todo $n \ge 1$. Conclua que F está em $\Theta(n)$.

3.3 Exemplo 3

Seja F uma função que leva \mathbb{N} em $\mathbb{R}^{>}$. Suponha que F satisfaz a recorrência

$$F(n) = 2F(|n/2|) + n \tag{3.5}$$

para todo $n \ge 2$. (Não faz sentido trocar " $\lfloor n/2 \rfloor$ " por "n/2" pois n/2 não está em $\mathbb N$ quando n é ímpar.) Suponha ainda que F(1) = 1 (e portanto F(2) = 4, F(3) = 5, etc.)

É mais fácil entender (3.5) quando n é uma potência de 2, pois nesse caso $\lfloor n/2 \rfloor$ se reduz a n/2. Se $n=2^j$, temos

$$F(2^{j}) = 2F(2^{j-1}) + 2^{j}$$

$$= 2^{2}F(2^{j-2}) + 2^{1}2^{j-1} + 2^{j}$$

$$= 2^{3}F(2^{j-3}) + 2^{2}2^{j-2} + 2^{1}2^{j-1} + 2^{j}$$

$$= 2^{j}F(2^{0}) + 2^{j-1}2^{1} + \dots + 2^{2}2^{j-2} + 2^{1}2^{j-1} + 2^{0}2^{j}$$

$$= 2^{j}2^{0} + 2^{j-1}2^{1} + \dots + 2^{2}2^{j-2} + 2^{1}2^{j-1} + 2^{0}2^{j}$$

$$= (j+1)2^{j}$$

$$= j2^{j} + 2^{j}.$$
(3.6)

Para ter certeza, podemos conferir esta fórmula por indução em j. Se j=1, temos $F(2^j)=4=(j+1)2^j$. Agora tome $j\geq 2$. De acordo com (3.5), $F(2^j)=2F(2^{j-1})+2^j$. Por hipótese de indução, $F(2^{j-1})=2^{j-1}j$. Logo, $F(2^j)=2\cdot 2^{j-1}j+2^j=2^jj+2^j$, como queríamos mostrar.

Como $2^j = n$, a expressão (3.6) pode ser reescrita assim:

$$F(n) = n \lg n + n \tag{3.7}$$

quando n é potência de 2. Embora esta fórmula só se aplique às potências de 2, podemos usá-la para obter cotas superior e inferior válidas para todo n suficientemente grande. O primeiro passo nessa direção é verificar que F é crescente, ou seja, que

$$F(n) < F(n+1) \tag{3.8}$$

para todo $n \ge 1$. A prova é uma indução em n. Se n = 1, temos F(n) = 1 < 4 = F(n+1). Agora tome $n \ge 2$. Se n é par então $F(n) < F(n) + 1 = 2F(\frac{n}{2}) + n + 1 = 2F(\frac{n+1}{2}) + n + 1 = F(n+1)$, em virtude de (3.5). Agora suponha n ímpar. Por hipótese de indução, $F(\frac{n-1}{2}) \le F(\frac{n-1}{2}+1) = F(\frac{n+1}{2})$. Logo, por (3.5),

$$F(n) = 2F(\frac{n-1}{2}) + n \le 2F(\frac{n+1}{2}) + n < 2F(\frac{n+1}{2}) + n + 1 = F(n+1).$$

Mostramos assim que F é crescente.

Agora podemos calcular uma boa cota superior para F a partir de (3.7). Mostraremos que

$$F(n) \le 6n \lg n \tag{3.9}$$

para todo $n \ge 2$. Tome o único j em \mathbb{N} tal que $2^j \le n < 2^{j+1}$. Em virtude de (3.8), $F(n) < F(2^{j+1})$. Em virtude de (3.6), $F(2^{j+1}) = (j+2)2^{j+1} \le 3j2^{j+1} = 6j2^j$. Como $j \le \lg n$, temos $6j2^j \le 6n \lg n$.

Uma boa cota inferior para F também pode ser calculada a partir de (3.7): mostraremos que

$$F(n) \ge \frac{1}{2}n \lg n \tag{3.10}$$

para todo $n \ge 2$. Tome o único j em $\mathbb N$ tal que $2^j \le n < 2^{j+1}$. Em virtude de (3.8) e (3.6), temos $F(n) \ge F(2^j) = (j+1)2^j = \frac{1}{2}(j+1)2^{j+1}$. Como $\lg n < j+1$, temos $\frac{1}{2}(j+1)2^{j+1} > \frac{1}{2}n\lg n$.

De (3.9) e (3.10), concluímos que F está em $\Theta(n \lg n)$.

Recorrências semelhantes. O ponto n_0 a partir do qual a recorrência (3.5) começa a valer, bem como os valores de F(1), F(2), ..., $F(n_0-1)$, têm pouca influência sobre a solução da recorrência: quaisquer que sejam esses valores iniciais, F estará em $\Theta(n \lg n)$. Se (3.5) vale apenas para $n \geq 3$, por exemplo, teremos $n \lg n + \frac{F(2)-2}{2}n$ no lugar de (3.7).

A parcela n na expressão $2F(\lfloor n/2 \rfloor) + n$ também pode ser ligeiramente alterada sem que F saia de $\Theta(n \lg n)$. Assim, quaisquer que sejam c > 0 e d, se $F(n) = 2F(\lfloor n/2 \rfloor) + cn + d$ então F está em $\Theta(n \lg n)$.

Finalmente, podemos trocar " $2F(\lfloor n/2 \rfloor)$ " por " $2F(\lceil n/2 \rceil)$ " ou até mesmo por " $F(\lfloor n/2 \rfloor) + F(\lceil n/2 \rceil)$ " sem que F saia de $\Theta(n \lg n)$.

Mas o fator 2 que multiplica " $F(\lfloor n/2 \rfloor)$ " é crítico: se este fator for alterado, a função F deixará de pertencer a $\Theta(n \lg n)$.

Exercícios

- 3.7 Suponha que um função F de \mathbb{N} em $\mathbb{R}^>$ satisfaz a recorrência $F(n) = F(\lfloor n/2 \rfloor) + 1$ para todo $n \geq 2$. Mostre que F está em $\Theta(\lg n)$.
- 3.8 Seja F uma função de $\mathbb N$ em $\mathbb R^>$ tal que $F(n)=2F(\lfloor n/2\rfloor)+1$ para todo $n\geq 2$. Mostre que F está em $\Theta(n)$.
- 3.9 Seja F um função de \mathbb{N} em $\mathbb{R}^>$ tal que $F(n)=4F(\lfloor n/2\rfloor)+n$ quando $n\geq 2$. Mostre que F está em $\Theta(n^2)$. Sugestão: mostre que $\frac{1}{4}n^2\leq F(n)\leq 8n^2$ para todo n suficientemente grande.

3.4 Exemplo 4

Seja F um função de \mathbb{N} em $\mathbb{R}^{>}$. Suponha que

$$F(n) = 3F(\lfloor n/2 \rfloor) + n \tag{3.11}$$

para todo $n \ge 2$. Suponha ainda que F(1) = 1. Para começar a entender o comportamento de F, considere os valores de n que são potências de 2. Quando $n = 2^j$, temos

$$F(2^{j}) = 3F(2^{j-1}) + 2^{j}$$

$$= 3^{2}F(2^{j-2}) + 3^{1}2^{j-1} + 2^{j}$$

$$= 3^{3}F(2^{j-3}) + 3^{2}2^{j-2} + 3^{1}2^{j-1} + 2^{j}$$

$$= 3^{j}F(2^{0}) + 3^{j-1}2^{1} + \dots + 3^{2}2^{j-2} + 3^{1}2^{j-1} + 3^{0}2^{j}$$

$$= 3^{j}2^{0} + 3^{j-1}2^{1} + \dots + 3^{2}2^{j-2} + 3^{1}2^{j-1} + 3^{0}2^{j}$$

$$= 2^{j} \left((3/2)^{j} + (3/2)^{j-1} + \dots + (3/2)^{2} + (3/2)^{1} + (3/2)^{0} \right)$$

$$= 2^{j} \frac{(3/2)^{j+1} - 1}{3/2 - 1}$$

$$= 2^{j+1} \left((3/2)^{j+1} - 1 \right)$$

$$= 3^{j+1} - 2^{j+1}. \tag{3.12}$$

Observe que $3^j = (2^{\lg 3})^j = (2^j)^{\lg 3} = n^{\lg 3}$. (A título de curiosidade, $\lg 3$ fica entre 1.584 e 1.585.) Portanto, a fórmula (3.12) pode ser reescrita assim:

$$F(n) = 3n^{\lg 3} - 2n$$

para toda potência n de 2. Embora esta fórmula só valha para as potências de 2, podemos usá-la para obter cotas superior e inferior válidas para todo n suficientemente grande. A primeira providência nessa direção é certificar-se de que F é crescente:

$$F(n) < F(n+1)$$

para todo $n \ge 1$. A prova é análoga à de (3.8). Agora estamos em condições de calcular uma boa cota superior para F:

$$F(n) \le 9n^{\lg 3} \tag{3.13}$$

para todo $n \ge 1$. Tome j em $\mathbb N$ tal que $2^j \le n < 2^{j+1}$. Como F é crescente, (3.12) garante que $F(n) < F(2^{j+1}) = 3^{j+2} - 2^{j+2} \le 3^{j+2} = 9 \cdot (2^j)^{\lg 3} \le 9n^{\lg 3}$, como queríamos mostrar. Também podemos calcular uma boa cota inferior:

$$F(n) \ge \frac{1}{3} n^{\lg 3} \tag{3.14}$$

para todo $n \geq 1$. Tome j em $\mathbb N$ tal que $2^j \leq n < 2^{j+1}$. Como F é crescente, (3.12) garante que $F(n) \geq F(2^j) = 3^{j+1} - 2^{j+1} = 3^j + 2 \cdot 3^j - 2 \cdot 2^j \geq 3^j = \frac{1}{3} 3^{j+1} = \frac{1}{3} (2^{j+1})^{\lg 3} > \frac{1}{3} n^{\lg 3}$, como queríamos demonstrar.

As relações (3.13) e (3.14) mostram que F está em $\Theta(n^{\lg 3})$.

Recorrências semelhantes. Se (3.11) valesse apenas quando $n \ge n_0$, a função F continuaria em $\Theta(n^{\lg 3})$ quaisquer que fossem os valores de $F(\lfloor n_0/2 \rfloor)$, $F(\lfloor n_0/2 \rfloor + 1)$, ..., $F(n_0 - 1)$.

Além disso, F continuará em $\Theta(n^{\lg 3})$ se (3.11) for substituída por $F(n) = 3F(\lfloor n/2 \rfloor) + cn + d$, quaisquer que sejam c > 0 e d. Também continuará em $\Theta(n^{\lg 3})$ se " $3F(\lfloor n/2 \rfloor)$ " for trocado por " $2F(\lfloor n/2 \rfloor) + F(\lceil n/2 \rceil)$ " ou até mesmo por " $2F(\lfloor n/2 \rfloor) + F(\lceil n/2 \rceil + 1)$ ".

Exercício

3.10 Confira a formula (3.12) por indução em j.

3.5 Teorema mestre

O seguinte teorema dá a solução de muitas recorrências semelhantes às das Seções 3.3 e 3.4. Sejam a, k e c números em $\mathbb{N}^>$, \mathbb{N} e $\mathbb{R}^>$ respectivamente. Seja F uma função de \mathbb{N} em $\mathbb{R}^>$ tal que

$$F(n) = aF\left(\frac{n}{2}\right) + cn^k \tag{3.15}$$

para $n=2^1, 2^2, 2^3, \ldots$ Suponha ainda que F é assintoticamente não decrescente, ou seja, que existe n_1 tal que $F(n) \leq F(n+1)$ para todo $n \geq n_1$. Nessas condições,

se
$$\lg a > k$$
 então F está em $\Theta(n^{\lg a})$, (3.16)

se
$$\lg a = k$$
 então F está em $\Theta(n^k \lg n)$, (3.17)

se
$$\lg a < k$$
 então F está em $\Theta(n^k)$. (3.18)

(Recorrências como (3.15) aparecem na análise de algoritmos baseados na estratégia da divisão e conquista: dada uma instância de tamanho n, divida a instância em a partes de tamanho n/2, resolva essas subinstâncias, e combine as soluções em tempo limitado por cn^k .)

Generalização. O teorema pode ser generalizado como segue. Sejam $a \ge 1$, $b \ge 2$, $k \ge 0$ e $n_0 \ge 1$ números em \mathbb{N} e seja c um número em $\mathbb{R}^>$. Seja F é uma função de \mathbb{N} em $\mathbb{R}^>$ tal que

$$F(n) = aF\left(\frac{n}{b}\right) + cn^k \tag{3.19}$$

para $n=n_0b^1$, n_0b^2 , n_0b^3 , ... Suponha ainda que F é assintoticamente não decrescente. Nessas condições,

se
$$\lg a / \lg b > k$$
 então F está em $\Theta(n^{\lg a / \lg b})$, (3.20)

se
$$\lg a / \lg b = k$$
 então F está em $\Theta(n^k \lg n)$, (3.21)

se
$$\lg a / \lg b < k$$
 então F está em $\Theta(n^k)$. (3.22)

A prova deste teorema pode ser encontrada na Seção 4.7 do livro de Brassard e Bratley [2] e na Seção 4.4 do livro de Cormen *et al.* [3].

Exemplo A. Seja c um número em $\mathbb{R}^>$ e seja F uma função de \mathbb{N} em $\mathbb{R}^>$ tal que $F(n) = F(\lfloor n/2 \rfloor) + 2F(\lceil n/2 \rceil) + cn$ para todo $n \geq 2$. Nessas condições, F é não decrescente e portanto (3.16) garante que F está em $\Theta(n^{\lg 3})$. (Compare com o resultado da Seção 3.4.)

Exemplo B. Sejam a e k números em $\mathbb N$ tais que $a>2^k$ e seja c um número em $\mathbb R^>$. Seja F é uma função de $\mathbb N$ em $\mathbb R^>$ tal que $F(n)=aF\left(\lfloor n/2\rfloor\right)+cn^k$ para todo $n\geq 1$. Nessas condições, F é não decrescente e portanto (3.16) garante que F está em $\Theta(n^{\lg a})$.

Notas bibliográficas

Este capítulo foi baseada na Seção 4.7 do livro de Brassard e Bratley [2]. Veja também o verbete *Master theorem* na Wikipedia.

Capítulo 4

Ordenação de vetor

Um vetor A[p..r] é **crescente** se $A[p] \le A[p+1] \le \cdots \le A[r]$. A tarefa de colocar um vetor em ordem crescente é um dos problemas computacionais mais conhecidos e bem-estudados.

Problema da Ordenação: Rearranjar um vetor A[p ... r] em ordem crescente.

4.1 Algoritmo Mergesort

O seguinte algoritmo é uma solução eficiente do Problema da Ordenação:

```
\begin{array}{ll} \text{MERGESORT} \; (A,\; p,\; r) \\ 1 \quad \text{se} \; p < r \\ 2 \quad \quad \text{então} \; q \leftarrow \lfloor (p+r)/2 \rfloor \\ 3 \quad \qquad \quad \text{MERGESORT} \; (A,\; p,\; q) \\ 4 \quad \qquad \quad \text{MERGESORT} \; (A,\; q{+}1,\; r) \\ 5 \quad \qquad \text{INTERCALA} \; (A,\; p,\; q,\; r) \end{array}
```

A rotina INTERCALA rearranja o vetor $A[p\mathinner{.\,.} r]$ em ordem crescente supondo que os subvetores $A[p\mathinner{.\,.} q]$ e $A[q+1\mathinner{.\,.} r]$ são ambos crescentes.

O algoritmo está correto. Adote o número n:=r-p+1 como tamanho da instância (A,p,r) do problema. Se $n\leq 1$, o vetor tem no máximo 1 elemento e portanto não fazer nada é a ação correta. Suponha agora que $n\geq 2$. Nas linhas 3 e 4, o algoritmo é aplicado a instâncias do problema que têm tamanho estritamente menor que n (tamanho $\lceil n/2 \rceil$ na linha 3 e tamanho $\lfloor n/2 \rfloor$ na linha 4). Assim, podemos supor, por hipótese de indução, que no início da linha 5 os vetores $A[p\mathinner{.\,.} q]$ e $A[q+1\mathinner{.\,.} r]$ estão em ordem crescente. Graças à ação de INTERCALA, $A[p\mathinner{.\,.} r]$ estará em ordem crescente no fim da linha 5.



Figura 4.1: Vetor *A* no início da linha 5 do algoritmo.

Consumo de tempo. Seja T(n) o tempo que o algoritmo consome, no pior caso, para processar uma instância de tamanho n. Então

$$T(n) = T(\lceil n/2 \rceil) + T(\lceil n/2 \rceil) + n$$
.

As parcelas $T(\lceil \frac{n}{2} \rceil)$ e $T(\lfloor \frac{n}{2} \rfloor)$ correspondem às linhas 3 e 4. A parcela n representa o consumo de tempo da linha 5, uma vez que o algoritmo INTERCALA pode ser implementado de maneira a consumir tempo proporcional a n. (Veja o Exercício 4.1 abaixo.) Como vimos nas Seções 3.3 e 3.5, a função T está em

$$\Theta(n \lg n)$$
.

O consumo de tempo do algoritmo no melhor caso também está em $\Theta(n \lg n)$.

Exercício

4.1 Descreva em pseudocódigo o algoritmo INTERCALA mencionado acima. Mostre que o consumo de tempo do algoritmo é $\Theta(n)$.

4.2 Divisão e conquista

O algoritmo MERGESORT emprega a estratégia da divisão e conquista: a instância original do problema é dividida em duas instâncias menores, essas instâncias são resolvidas recursivamente, e as soluções são combinadas para produzir uma solução da instância original.

O segredo do sucesso está no fato de que o processo de divisão (que está na linha 2, nesse caso) e o processo da combinação (que acontece na linha 5) consomem pouco tempo.

A estratégia da divisão e conquista rende algoritmos eficientes para muitos problemas. Veremos exemplos nos capítulos seguintes.

Capítulo 5

Segmento de soma máxima

Imagine uma grandeza que evolui com o tempo, aumentando ou diminuindo uma vez por dia, de maneira irregular. Dado o registro das variações diárias desta grandeza ao longo de um ano, queremos encontrar um intervalo de tempo em que a variação acumulada tenha sido máxima. Este capítulo, inspirado no livro de Bentley [1], estuda três algoritmos para o problema. Cada algoritmo é mais eficiente que o anterior; cada algoritmo usa uma estratégia diferente.

5.1 O problema

Um **segmento** de um vetor A[p ... r] é qualquer subvetor da forma A[i ... k], com $p \le i \le k \le r$. A condição $i \le k$ garante que o segmento não é vazio. A **soma** de um segmento A[i ... k] é o número $A[i] + A[i + 1] + \cdots + A[k]$.

A **solidez** de um vetor A[p..r] é a soma de um segmento de soma máxima. (O termo "solidez" é apenas uma conveniência local e não será usado fora deste capítulo.)

Problema do Segmento de Soma Máxima: Calcular a solidez de um vetor $A[p\mathinner{.\,.} r]$ de números inteiros.

Se o vetor não tem elementos negativos, sua solidez é a soma de todos os elementos. Por outro lado, se todos os elementos são negativos então a solidez do vetor é o valor de seu elemento menos negativo.



Figura 5.1: A cor mais clara destaca um segmento de soma máxima. A solidez do vetor é 35.

¹ Teria sido mais "limpo" e natural aceitar segmentos vazios. Mas a discussão fica ligeiramente mais simples se nos limitarmos aos segmentos não vazios.

5.2 Primeiro algoritmo

Se aplicarmos cegamente a definição de solidez, teremos que examinar todos os pares ordenados (i,j) tais que $p \le i \le j \le r$. Esse algoritmo consumiria $\Theta(n^3)$ unidades de tempo. Mas é possivel fazer algo mais eficiente:

```
SOLIDEZI (A, p, r)

1 x \leftarrow A[r]

2 para q \leftarrow r - 1 decrescendo até p faça

3 s \leftarrow 0

4 para j \leftarrow q até r faça

5 s \leftarrow s + A[j]

6 se s > x então x \leftarrow s

7 devolva x
```

O algoritmo está correto. A cada passagem pela linha 2, imediatamente antes da comparação de q com p,

```
x é a solidez do vetor A[q+1..r].
```

Este invariante mostra que o algoritmo está correto, pois na última passagem pela linha 2 teremos q=p-1 e então x será a solidez do $A[p\mathinner{.\,.} r]$.

Consumo de tempo. Adote n:=r-p+1 como medida do tamanho da instância $A[p\mathinner{.\,.} r]$ do nosso problema. O consumo de tempo do algoritmo será medido em relação a n.

Podemos supor que uma execução de qualquer das linhas do algoritmo consome uma quantidade de tempo que não depende de n. Para cada valor fixo de q, o bloco de linhas 5-6 é repetido r-q+1 vezes. Como q decresce de r-1 até p, o número total de repetições do bloco de linhas 5-6 é

$$\sum_{q=p}^{r-1} (r-q+1) = n + (n-1) + \dots + 3 + 2 = \frac{1}{2} (n^2 + n - 2).$$

Portanto, o consumo de tempo está em $\Theta(n^2)$, tanto no pior quanto no melhor caso.

O algoritmo é ineficiente porque a soma de cada segmento é recalculada muitas vezes. Por exemplo, a soma de $A[10\mathinner{.\,.} r]$ é refeita durante o cálculo das somas de $A[9\mathinner{.\,.} r]$, etc. O algoritmo da próxima seção procura remediar esta ineficiência.

Exercícios

- 5.1 Modifique o algoritmo SOLIDEZI de modo que ele devolva um par (i,k) de índices tal que a soma $A[i]+\cdots+A[k]$ é a solidez de $A[p\mathinner{.\,.} r]$.
- 5.2 Escreva um algoritmo análogo a SOLIDEZI para tratar da variante do problema que admite segmentos vazios. Nessa variante, um segmento $A[i\mathinner{.\,.} k]$ é **vazio** se i=k+1. A **soma** de um segmento vazio é 0.

5.3 Segundo algoritmo: divisão e conquista

Nosso segundo algoritmo usa a estratégia da divisão e conquista (veja a Seção 4.2), que consiste em dividir a instância dada ao meio, resolver cada uma das metades e finalmente juntar as duas soluções. O algoritmo devolve a solidez do vetor A[p..r] supondo $p \le r$:

```
SOLIDEZII (A, p, r)
 1
      se p = r
 2
           então devolva A[p]
           senão q \leftarrow \lfloor (p+r)/2 \rfloor
 3
                    x' \leftarrow \text{SOLIDEZII}(A, p, q)
 4
                    x'' \leftarrow \text{SOLIDEZII}(A, q+1, r)
 5
 6
                    y' \leftarrow s \leftarrow A[q]
 7
                    para i \leftarrow q-1 decrescendo até p faça
 8
                         s \leftarrow A[i] + s
 9
                         se s > y' então y' \leftarrow s
10
                    y'' \leftarrow s \leftarrow A[q+1]
                    para j \leftarrow q + 2 até r faça
11
12
                         s \leftarrow s + A[j]
                         se s > y'' então y'' \leftarrow s
13
                    x \leftarrow \max(x', y' + y'', x'')
14
15
                    devolva x
```

O algoritmo está correto. Seja n:=r-p+1 o número de elementos do vetor $A[p\mathinner{.\,.} r]$. Se n=1, é claro que a resposta do algoritmo está correta. Suponha agora que $n\geq 2$. Depois da linha 4, por hipótese de indução, x' é a solidez de $A[p\mathinner{.\,.} q]$. Depois da linha 5, x'' é a solidez de $A[q+1\mathinner{.\,.} r]$. Depois do bloco de linhas 6-13, y'+y'' é a maior soma da forma $A[i]+\cdots+A[j]$ com $i\leq q< j$. (Veja o Exercício 5.3.)

Em suma, y' + y'' cuida dos segmentos que contêm A[q] e A[q+1], enquanto x' e x'' cuidam de todos os demais segmentos. Concluímos assim que o número x calculado na linha 14 é a solidez de $A[p \dots p]$.

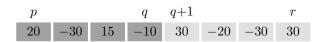


Figura 5.2: Início da linha 14 do algoritmo SOLIDEZII. Nesse ponto, x'=20, x''=30, y'=5 e y''=30.

Consumo de tempo. Seja T(n) o consumo de tempo do algoritmo no pior caso quando aplicado a um vetor de tamanho n. O bloco de linhas 6 a 13 examina todos os

elementos de A[p...r] e portanto consome tempo proporcional a n. Temos então

$$T(n) = T(\lceil n/2 \rceil) + T(\lceil n/2 \rceil) + n.$$

A parcela $T(\lceil n/2 \rceil)$ descreve o consumo da linha 4 e a parcela $T(\lfloor n/2 \rfloor)$ descreve o consumo da linha 5. Esta recorrência já foi discutida nas Seções 3.3 e 3.5, onde mostramos que T está em

$$\Theta(n \lg n)$$
.

O algoritmo SOLIDEZII é mais eficiente que SOLIDEZI pois $n \lg n$ é $O(n^2)$ enquanto n^2 não é $O(n \lg n)$. Mas SOLIDEZII tem suas próprias ineficiências, pois refaz alguns cálculos diversas vezes (por exemplo, a soma de $A[i\mathinner{.\,.} q]$ nas linhas 6-9 já foi calculada durante a execução da linha 4). A próxima seção procura eliminar estas ineficiências.

Exercício

5.3 Prove que depois do bloco de linhas 6-13 do algoritmo SOLIDEZII, y' + y'' é a maior soma dentre todas as que têm a forma $A[i] + \cdots + A[j]$ com $i \le q < j$.

5.4 Terceiro algoritmo: programação dinâmica

Nosso terceiro algoritmo usa a técnica da programação dinâmica, que consiste em armazenar os resultados de cálculos intermediários numa tabela para evitar que eles sejam repetidos.

Mas a técnica não pode ser aplicada diretamente ao nosso problema. Será preciso tratar do seguinte problema auxiliar, que restringe a atenção aos segmentos *terminais* do vetor: dado um vetor $A[p\mathinner{.\,.} r]$, encontrar a maior soma da forma

$$A[i] + \dots + A[r] ,$$

com $p \le i \le r$. Para facilitar a discussão, diremos que a maior soma desta forma é a **firmeza** do vetor A[p ... r]. A solidez do vetor é o máximo das firmezas de A[p ... r], A[p ... r-1], A[p ... r-2], etc.

A firmeza do vetor tem uma propriedade recursiva que a solidez não tem. Suponha que $A[i]+\cdots+A[r]$ é a firmeza de $A[p\mathinner{.\,.} r]$. Se $i\le r-1$ então $A[i]+\cdots+A[r-1]$ é a firmeza de $A[p\mathinner{.\,.} r-1]$. (De fato, se $A[p\mathinner{.\,.} r-1]$ tivesse firmeza maior então existiria $h\le r-1$ tal que $A[h]+\cdots+A[r-1]>A[i]+\cdots+A[r-1]$ e portanto teríamos $A[h]+\cdots+A[r]>A[i]+\cdots+A[r]$, o que é impossível.)

Se denotarmos a firmeza de $A[p\mathinner{.\,.} q]$ por F[q], podemos resumir a propriedade recursiva por meio de uma recorrência: para qualquer vetor $A[p\mathinner{.\,.} r]$,

$$F[r] = \max(F[r-1] + A[r], A[r]). \tag{5.1}$$

Em outras palavras, F[r] = F[r-1] + A[r] e menos que F[r-1] seja negativo, caso em que F[r] = A[r].

A recorrência (5.1) serve de base para o seguinte algoritmo, que calcula a solidez de A[p ... r] supondo $p \le r$:

```
SOLIDEZIII (A, p, r)
     F[p] \leftarrow A[p]
1
2
     para q \leftarrow p + 1 até r faça
3
         se F[q-1] > 0
              então F[q] \leftarrow F[q-1] + A[q]
4
              senão F[q] \leftarrow A[q]
5
6
     x \leftarrow F[p]
7
     para q \leftarrow p + 1 até r faça
8
         se F[q] > x então x \leftarrow F[q]
     devolva x
```

O algoritmo está correto. A cada passagem pela linha 2, imediatamente antes que q seja comparado com r, F[q-1] é a firmeza de A[p . . q-1]. Mais que isso,

$$F[j]$$
 é a firmeza de $A[p..j]$ (5.2)

para $j=q-1, q-2, \ldots, p+1, p$. Logo, no início da linha 6, o fato (5.2) vale para $j=p, p+1, \ldots, r$.

O bloco de linhas 6-8 escolhe a maior das firmezas. Portanto, no fim do algoritmo, x é a solidez de A[p ... r].

Consumo de tempo. O algoritmo consome tempo proporcional ao número de elementos n:=r-p+1 do vetor. O consumo de tempo do algoritmo está em

$$\Theta(n)$$

e o algoritmo é, portanto, linear.

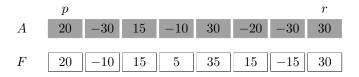


Figura 5.3: Vetores *A* e *F* no fim da execução do algoritmo SOLIDEZIII.

Exercícios

- 5.4 Os dois processos iterativos de SOLIDEZIII podem ser fundidos num só, evitando-se assim o uso do vetor $F[p\mathinner{.\,.} r]$. Uma variável f pode fazer o papel de um elemento genérico do vetor F. Implemente essa ideia.
- 5.5 Suponha dada uma matriz A[1..n, 1..n] de números inteiros (nem todos não negativos). Encontrar uma submatriz quadrada de A que tenha soma máxima. (Veja o livro de Bentley [1, p.84].)

5.5 Observações sobre programação dinâmica

O algoritmo SOLIDEZIII é um exemplo de **programação dinâmica**. A técnica só se aplica a problemas dotados de estrutura recursiva: qualquer solução de uma instância deve conter soluções de instâncias menores. Assim, o ponto de partida de qualquer algoritmo de programação dinâmica é uma recorrência.

A característica distintiva da programação dinâmica é a tabela que armazena as soluções das várias subinstâncias da instância original. (No nosso caso, trata-se da tabela $F[p\mathinner{.\,.} r]$.) O consumo de tempo do algoritmo é, em geral, proporcional ao tamanho da tabela.

Os Capítulos 8, 9 e 10 exibem outros exemplos de programação dinâmica.

Notas bibliográficas

Este capítulo foi baseado no livro de Bentley [1].

² Aqui, a palavra *programação* não tem relação direta com programação de computadores. Ela significa *planejamento* e refere-se à construção da tabela que armazena os resultados intermediários usados para calcular a solução do problema.

Capítulo 6

O problema da maioria

Imagine uma eleição com muitos candidatos e muitos eleitores. Como é possível determinar, em tempo proporcional ao número de eleitores, se algum dos candidatos obteve a maioria dos votos?

6.1 O problema

Seja A[1 ... n] um vetor de números naturais. Para qualquer número x, a cardinalidade do conjunto $\{i: 1 \le i \le n, \ A[i] = x\}$ é o **número de ocorrências** de x em A[1 ... n]. Diremos que x é um **valor majoritário** de A[1 ... n] se o número de ocorrências de x em A[1 ... n] é maior que n/2. Assim, um valor majoritário ocorre exatamente $\frac{1}{2}(n+y)$ vezes, sendo y um número natural não nulo que é par se n é par e ímpar de n é impar.

Problema da Maioria: Encontrar um valor majoritário em um dado vetor A[1..n].

Nem todo vetor tem um valor majoritário. Mas se um valor majoritário existe, ele é único.

Poderíamos ordenar o vetor $A[1\mathinner{.\,.} n]$, contar o número de ocorrências de cada elemento, e verificar se alguma dessas contagens supera n/2. A ordenação do vetor consome $\Omega(n\lg n)$ unidades de tempo se usarmos o algoritmo MERGESORT (veja o Capítulo 4). As contagens no vetor ordenado consomem $\Omega(n)$. Portanto, o algoritmo todo consumirá $\Omega(n\lg n)$ unidades de tempo. À primeira vista, parece ímpossível resolver o problema em menos tempo. Mas existe um algoritmo que consome apenas O(n) unidades de tempo, como mostraremos a seguir.

¹ A popular expressão "metade dos votos mais um" é incorreta pois a metade de um número ímpar não é um número inteiro.

² Sabe-se que *todo* algoritmo baseado em comparações consome $\Omega(n \lg n)$ unidades tempo.

³ Se o número de possíveis valores de A[1..n] fosse pequeno, conhecido a priori e independente de n, poderíamos usar um algoritmo do tipo *bucket sort*, que consome O(n) unidades de tempo.



Figura 6.1: Este vetor tem um valor majoritário?

6.2 Um algoritmo linear

Um algoritmo eficiente para o problema começa com a seguinte observação: se $A[1\mathinner{.\,.} n]$ tem um valor majoritário e se $A[n-1] \neq A[n]$ então $A[1\mathinner{.\,.} n-2]$ também tem um valor majoritário. (A observação se aplica igualmente a quaisquer dois elementos: se $A[i] \neq A[j]$ e A tem um valor majoritário então o vetor que se obtém pela eliminação das posições i e j também tem um valor majoritário.) Embora a intuição aceite esta observação como verdadeira, sua demonstração exige algum cuidado (veja a prova da correção do algoritmo abaixo).

A recíproca da observação não é verdadeira. Por exemplo, (2,5,5,1,3) não tem valor majoritário, mas se retirarmos os dois últimos elementos então 5 passará a ser um valor majoritário.

Eis outra observação simples mas importante: para qualquer k no intervalo $1\ldots n$, um número x é valor majoritário de $A[1\ldots n]$ se e somente se x é majoritário em $A[1\ldots k-1]$ ou em $A[k\ldots n]$ ou em ambos. (É possível, entretanto, que $A[1\ldots k-1]$ e $A[k\ldots n]$ tenham valores majoritários sem que $A[1\ldots n]$ tenha um valor majoritário.)

Usaremos as duas observações para obter um bom candidato a valor majoritário. Um **bom candidato** é um número x com a seguinte propriedade: se o vetor tem um valor majoritário então x é esse valor. É fácil verificar se um bom candidato é, de fato, majoritário: basta percorrer o vetor e contar o número de ocorrências do candidato. A dificuldade está em obter um bom candidato em tempo O(n).

O seguinte algoritmo recebe um vetor A[1..n] de números naturais, com $n \ge 1$, e devolve um valor majoritário se tal existir. Se o vetor não tem valor majoritário, devolve -1 (note que o vetor não tem elementos negativos):

```
MAJORITÁRIO (A, n)
    x \leftarrow A[1]
2
    y \leftarrow 1
3
    para m \leftarrow 2 até n faça
4
         se y > 1
              então se A[m] = x
5
6
                            então y \leftarrow y + 1
7
                            senão y \leftarrow y - 1
8
              senão x \leftarrow A[m]
9
                       y \leftarrow 1
```

```
\begin{array}{lll} 10 & c \leftarrow 0 \\ 11 & \mathsf{para} \ m \leftarrow 1 \ \mathsf{at\'e} \ n \ \mathsf{faça} \\ 12 & \mathsf{se} \ A[m] = x \\ 13 & \mathsf{ent\~ao} \ c \leftarrow c + 1 \\ 14 & \mathsf{se} \ c > n/2 \\ 15 & \mathsf{ent\~ao} \ \mathsf{devolva} \ x \\ 16 & \mathsf{sen\~ao} \ \mathsf{devolva} -1 \end{array}
```

O algoritmo está correto. A cada passagem pela linha 3, imediatamente antes da comparação de m com n, temos os seguintes invariantes:

```
i. y \ge 0 e
ii. existe k no intervalo 1 ... m-1 tal que A[1 ... k-1] não tem valor majoritário
e x ocorre exatamente \frac{1}{2} (m-k+y) vezes em A[k ... m-1].
```

(Note que m-k é o número de elementos de $A[k\mathinner{.\,.} m-1]$.) A validade de i é óbvia. A validade de ii pode ser verificada como segue. No início da primeira iteração, o invariante ii vale com k=1. Suponha agora que ii vale no início de uma iteração qualquer. Seja k um índice com as propriedades asseguradas por ii. Se $y\geq 1$ então o invariante vale no início da próxima iteração com o mesmo k da iteração corrente, quer A[m] seja igual a x, quer seja diferente. Suponha agora que y=0. Como o número de ocorrências de x em $A[k\mathinner{.\,.} m]$ é exatamente $\frac{1}{2}$ (m-k), o vetor $A[k\mathinner{.\,.} m]$ não tem valor majoritário. Como $A[1\mathinner{.\,.} k-1]$ também não tem valor majoritário, $A[1\mathinner{.\,.} m]$ não tem valor majoritário. Assim, no início da próxima iteração, o invariante ii valerá com k=m-1.

Na última passagem pela linha 3 temos m=n+1 e portanto existe k no intervalo $1\dots n$ tal que $A[1\dots k-1]$ não tem valor majoritário e x ocorre exatamente $\frac{1}{2}\left(n-k+1+y\right)$ vezes em $A[k\dots n]$. Suponha agora que $A[1\dots n]$ tem um valor majoritário a. Como $A[1\dots k-1]$ não tem valor majoritário, a é majoritário em $A[k\dots n]$. Portanto, a=x e $y\geq 1$. Concluímos assim que, no começo da linha 10,

x é um bom candidato.

As linhas 10 a 13 verificam se x é de fato majoritário.

Consumo de tempo. É razoável supor que o consumo de tempo de uma execução de qualquer das linhas do algoritmo é constante, ou seja, não depende de n. Assim, podemos estimar o consumo de tempo total contando o número de execuções das diversas linhas.

O bloco de linhas 4-9 é executado n-1 vezes. O bloco de linhas 12-13 é executado n vezes. As linhas 1 e 2 e o bloco de linhas 14-16 é executado uma só vez. Portanto, o consumo de tempo total do algoritmo está em

 $\Theta(n)$

(tanto no melhor quanto no pior caso). O algoritmo é linear.

Como se vê, a análise do consumo de tempo do algoritmo é muito simples. A dificuldade do problema está em inventar um algoritmo que seja mais rápido que o algoritmo óbvio.

Notas bibliográficas

Este capítulo foi baseado nos livros de Bentley [1] e Manber [14].

Multiplicação de números naturais

Quanto tempo é necessário para multiplicar dois números naturais? Se os números têm m e n dígitos respectivamente, o algoritmo usual consome tempo proporcional a mn. No caso m=n, o consumo de tempo é, portanto, proporcional a n^2 .

É difícil imaginar um algoritmo mais rápido que o usual se m e n forem pequenos (menores que duas ou três centenas, digamos). Mas existe um algoritmo que é bem mais rápido quando m e n são grandes (como acontece em criptografia, por exemplo).

7.1 O problema

Usaremos notação decimal para representar números naturais. (Poderíamos igualmente bem usar notação binária, ou notação base 2^{32} , por exemplo.) Diremos que um **dígito** é qualquer número menor que 10. Diremos que um número natural u **tem** n **dígitos**¹ se $u < 10^n$. Com esta convenção, podemos nos restringir, sem perder generalidade, ao caso em que os dois multiplicandos têm o mesmo número de dígitos:

Problema da Multiplicação: Dados números naturais u e v com n dígitos cada, calcular o produto $u \cdot v$.

Você deve imaginar que cada número natural é representado por um vetor de dígitos. Mas nossa discussão será conduzida num nível de abstração alto, sem manipulação explícita desse vetor. (Veja a Seção 7.5.)

7.2 O algoritmo usual

Preliminarmente, considere a operação de adição. Sejam u e v dois números naturais com n dígitos cada. A soma u+v tem n+1 dígitos e o algoritmo usual de adição calcula u+v em tempo proporcional a n.

Considere agora o algoritmo usual de multiplicação de dois números u e v com n

 $^{^1}$ Teria sido melhor dizer "tem no máximo n dígitos".

dígitos cada. O algoritmo tem dois passos. O primeiro passo calcula todos os n produtos de u por um dígito de v (cada um desses produtos tem n+1 dígitos). O segundo passo do algoritmo desloca para a esquerda, de um número apropriado de casas, cada um dos n produtos obtidos no primeiro passo e soma os n números resultantes. O produto $u \cdot v$ tem 2n dígitos.

O primeiro passo do algoritmo consome tempo proporcional a n^2 . O segundo passo também consome tempo proporcional a n^2 . Assim, o consumo de tempo do algoritmo usual de multiplicação está em $\Theta(n^2)$.

9999	Α
<u>7777</u>	В
69993	C
69993	D
69993	E
69993	F
77762223	G

Figura 7.1: Algoritmo usual de multiplicação de dois números naturais. Aqui estamos multiplicando 9999 por 7777 para obter o produto 77762223. A linha C é o resultado da multiplicação da linha A pelo dígito menos significativo da linha B. As linhas D, E e F são definidas de maneira semelhante. A linha G é o resultado da soma das linhas C a F.

Exercício

- 7.1 Descreva o algoritmo usual de adição em pseudocódigo. O algoritmo deve receber números u e v com n dígitos cada e devolver a soma u+v.
- 7.2 Descreva algoritmo usual de multiplicação em pseudocódigo. O algoritmo deve receber números u e v com n dígitos cada e devolver o produto $u \cdot v$.

7.3 Divisão e conquista

Sejam u e v dois números com n dígitos cada. Suponha, por enquanto, que n é par. Seja p o número formado pelos n/2 primeiros dígitos de u e seja q o número formado pelos n/2 últimos dígitos de u. Assim,

$$u = p \cdot 10^{n/2} + q .$$

Defina r e s analogamente para v, de modo que $v=r\cdot 10^{n/2}+s$. Teremos então

$$u \cdot v = p \cdot r \cdot 10^n + (p \cdot s + q \cdot r) \cdot 10^{n/2} + q \cdot s.$$
 (7.1)

Esta expressão reduz a multiplicação de dois números com n dígitos cada a quatro multiplicações (a saber, p por r, p por r, q por r e q por s) de números com n/2 dígitos

cada.²

Se n for uma potência de 2, o truque pode ser aplicado recursivamente a cada uma das quatro multiplicações menores. O resultado é o seguinte algoritmo recursivo, que recebe números naturais u e v com n dígitos cada e devolve o produto $u \cdot v$:

```
RASCUNHO (u, v, n)
 1
      se n=1
 2
           então devolva u \cdot v
 3
           senão m \leftarrow n/2
 4
                    p \leftarrow |u/10^m|
 5
                    q \leftarrow u \bmod 10^m
                    r \leftarrow \lfloor v/10^m \rfloor
 6
 7
                    s \leftarrow v \bmod 10^m
 8
                    pr \leftarrow \text{RASCUNHO}(p, r, m)
 9
                    qs \leftarrow \text{RASCUNHO}(q, s, m)
10
                    ps \leftarrow \text{RASCUNHO}(p, s, m)
11
                    qr \leftarrow \text{RASCUNHO}(q, r, m)
                    x \leftarrow pr \cdot 10^{2m} + (ps + qr) \cdot 10^m + qs
12
                    devolva x
13
```

O algoritmo está correto. É claro que o algoritmo produz o resultado correto se n=1. Suponha agora que $n\geq 2$. Como m< n, podemos supor, por hipótese de indução, que a linha 8 produz o resultado correto, ou seja, que $pr=p\cdot r$. Analogamente, podemos supor que $qs=q\cdot s$, $ps=p\cdot s$ e $qr=q\cdot r$ no início da linha 12. A linha 12 não faz mais que implementar (7.1). Portanto, $x=u\cdot v$.

Consumo de tempo. As linhas 4 a 7 envolvem apenas o deslocamento de casas decimais, podendo portanto ser executadas em não mais que n unidades de tempo. As multiplicações por 10^{2m} e 10^m na linha 12 também consomem no máximo n unidades de tempo, pois podem ser executadas com um mero deslocamento de casas decimais. As adições na linha 12 consomem tempo proporcional ao número de dígitos de x, igual a 2n.

Portanto, se denotarmos por ${\cal T}(n)$ o consumo de tempo do algoritmo no pior caso, teremos

$$T(n) = 4T(n/2) + n. (7.2)$$

As quatro parcelas T(n/2) se referem às linhas 8 a 11 e a parcela n se refere ao consumo das demais linhas. Segue daí que T está em $\Theta(n^2)$, como já vimos no Exercício 3.9. Assim, o algoritmo RASCUNHO não é mais eficiente que o algoritmo usual de multiplicação.

 $^{^2}$ Minha calculadora de bolso não é capaz de exibir/armazenar números que tenham mais que n dígitos. Para calcular o produto de dois números com n dígitos cada, posso recorrer à equação (7.1): uso a máquina para calcular os quatro produtos e depois uso lápis e papel para fazer as três adições.

```
\begin{array}{cccc} 99998888 & u \\ 77776666 & v \\ \\ 9999 & p \\ & 8888 & q \\ 7777 & r \\ & 6666 & s \\ \\ 77762223 & pr \\ & 59247408 & qs \\ & 135775310 & ps+qr \\ \\ 7777580112347408 & x \\ \end{array}
```

Figura 7.2: Multiplicação de u por v calculada pelo algoritmo RASCUNHO. Neste exemplo temos n=8. O resultado da operação é x.

7.4 Algoritmo de Karatsuba

Para tornar o algoritmo da seção anterior muito mais rápido, basta observar que os três números de que precisamos do lado direito de (7.1) — a saber, $p \cdot r$, $(p \cdot s + q \cdot r)$ e $q \cdot s$ — podem ser obtidos com apenas três multiplicações. De fato,

$$p \cdot s + q \cdot r = y - p \cdot r - q \cdot s,$$

sendo $y = (p+q) \cdot (r+s)$. Assim, a equação (7.1) pode ser substituída por

$$u \cdot v = p \cdot r \cdot 10^{n} + (y - p \cdot r - q \cdot s) \cdot 10^{n/2} + q \cdot s. \tag{7.3}$$

(É bem verdade que (7.3) envolve duas adições e duas subtrações adicionais, mas essas operações consomem muito menos tempo que as multiplicações.) Se n não é par, basta trocar n/2 por $\lceil n/2 \rceil$: teremos $u=p\cdot 10^{\lceil n/2 \rceil}+q$ e $v=r\cdot 10^{\lceil n/2 \rceil}+s$ e portanto

$$u \cdot v \ = \ p \cdot r \cdot 10^{2\lceil n/2 \rceil} + (y - p \cdot r - q \cdot s) \cdot 10^{\lceil n/2 \rceil} + q \cdot s \ .$$

Segue daí o seguinte algoritmo de Karatsuba, que recebe números naturais u e v com n dígitos cada e devolve o produto $u \cdot v$:

```
KARATSUBA (u, v, n)
      se n \leq 3
 1
 2
           então devolva u \cdot v
 3
           senão m \leftarrow \lceil n/2 \rceil
 4
                    p \leftarrow |u/10^m|
 5
                    q \leftarrow u \bmod 10^m
                    r \leftarrow |v/10^m|
 6
 7
                    s \leftarrow v \bmod 10^m
 8
                    pr \leftarrow \text{Karatsuba}(p, r, m)
 9
                    qs \leftarrow \text{Karatsuba}(q, s, m)
10
                    y \leftarrow \text{Karatsuba}(p+q, r+s, m+1)
                    x \leftarrow pr \cdot 10^{2m} + (y - pr - qs) \cdot 10^m + qs
11
                    devolva x
12
```

O algoritmo está correto. A prova da correção do algoritmo é análoga à prova da correção do algoritmo RASCUNHO. As instâncias em que n vale 1, 2 ou 3 devem ser tratadas na base da recursão porque o algoritmo é aplicado, na linha 10, a uma instância de tamanho $\lceil n/2 \rceil + 1$, e este número só é menor que n quando n > 3.

Consumo de tempo. Seja T(n) o consumo de tempo do algoritmo KARATSUBA no pior caso. Então

$$T(n) = 2T(\lceil n/2 \rceil) + T(\lceil n/2 \rceil + 1) + n.$$
(7.4)

As duas parcelas $T(\lceil n/2 \rceil)$ e a parcela $T(\lceil n/2 \rceil + 1)$ se referem às linhas 8, 9 e 10 respectivamente. A parcela n representa o consumo de tempo das demais linhas.

Como sugerimos na Seção 3.5, a função T está na mesma classe assintótica que a função T' que satisfaz a recorrência $T'(n) = 3T'(\lfloor n/2 \rfloor) + n$. De acordo com a Seção 3.4, T' está em $\Theta(n^{\lg 3})$. Portanto

$$T$$
 está em $\Theta(n^{\lg 3})$. (7.5)

Como $\lg 3 < 1.6$, o algoritmo Karatsuba é mais rápido que o algoritmo usual. (Observe que $n^{\lg 3}$ é apenas um pouco maior que $n\sqrt{n}$.) Mas, em virtude da constante multiplicativa escondida sob a notação Θ , esta superioridade só se manifesta quando n é maior que algumas centenas.

Figura 7.3: Multiplicação de u por v calculada pelo algoritmo KARATSUBA. O resultado da operação é x. Se u e v tivessem n dígitos cada, pr e qs teriam n+1 dígitos cada, y teria n+2 (mais precisamente, só n+1) dígitos e x teria 2n dígitos.

7.5 Detalhes de implementação

Para implementar os algoritmos que discutimos acima, é preciso representar cada número por um vetor de dígitos, ou seja, um vetor $U[1\mathinner{.\,.} n]$ cujos componentes pertencem ao conjunto $\{0,1,\ldots,9\}$. Um tal vetor representa o número natural $U[n]\cdot 10^{n-1}+U[n-1]\cdot 10^{n-2}+\cdots+U[2]\cdot 10+U[1]$.

O algoritmo KARATSUBA recebe os vetores $U[1\mathinner{.\,.} n]$ e $V[1\mathinner{.\,.} n]$ que representam u e v respectivamente e devolve o vetor $X[1\mathinner{.\,.} 2n]$ que representa x. Nas linhas 4 e 5, p é representado por $U[m+1\mathinner{.\,.} n]$ e q é representado por $U[1\mathinner{.\,.} m]$. A implementação das

9	8	7	6	5	4	3	2	1
9	9	9	9	8	8	8	8	8

Figura 7.4: Vetor U[1...9] que representa o número 999988888.

linhas 6 e 7 é análoga. Nas linhas 8 e 9, pr é representado por um vetor PR[1..2m] e qs é representado por um vetor QS[1..2m].

Na linha 10, para calcular p+q basta submeter U[m+1..n] e U[1..m] ao algoritmo usual de adição, que produz um vetor A[1..m+1]. Algo análogo vale para a subexpressão r+s. O número y é representado por um vetor Y[1..2m+1].

Na linha 11, o valor de y-pr-qs é calculado pelo algoritmo usual de subtração (não é preciso cuidar de números negativos pois $y-pr-qs\geq 0$). Para calcular o valor da expressão $pr\cdot 10^{2m}+(y-pr-qs)\cdot 10^m+qs$, basta concatenar os vetores PR[1..2m] e QS[1..2m] que representam pr e qs respectivamente e somar o resultado com y-pr-qs (deslocado de m posições) usando o algoritmo usual de adição.

7.6 Divisão e conquista

O algoritmo KARATSUBA é um bom exemplo de aplicação da estratégia de divisão e conquista, que já encontramos nos Capítulos 4 e 5. O segredo do sucesso da estratégia neste caso está no fato de que o processo de divisão da instância original (linhas 3 a 7 do algoritmo) e o processo de combinação das soluções das instâncias menores (linha 11) consomem relativamente pouco tempo.

Notas bibliográficas

Este capítulo foi baseada na Seção 7.1 do livro de Brassard e Bratley [2]. O assunto também é discutido nos livros de Knuth [11], Dasgupta, Papadimitriou e Vazirani [4] e Kleinberg e Tardos [10].

O algoritmo KARATSUBA foi publicado em 1962 pelos matemáticos russos Anatolii Karatsuba e Yurii Ofman. Veja o verbetes *Multiplication algorithm* e *Karatsuba algorithm* na Wikipedia.

Escalonamento de intervalos

Imagine que vários eventos querem usar um certo centro de convenções. Cada evento gostaria de usar o centro durante o intervalo de tempo que começa numa data a e termina numa data b. Dois eventos são considerados compatíveis se os seus intervalos de tempo são disjuntos. Cada evento tem um certo valor e a administração do centro precisa selecionar um conjunto de eventos mutuamente compatíveis que tenha o maior valor total possível.

8.1 O problema

Sejam a_1, a_2, \ldots, a_n e b_1, b_2, \ldots, b_n números naturais tais que $a_i \leq b_i$ para cada i. Cada índice i representa o intervalo que tem origem a_i e término b_i , ou seja, o conjunto $\{a_i, a_i+1, \ldots, b_i-1, b_i\}$.

Dois intervalos distintos i e j são **compatíveis** se $b_i < a_j$ ou $b_j < a_i$. Um conjunto de intervalos é **viável** se seus elementos são compatíveis dois a dois.

A cada intervalo i está associado um número natural v_i que representa o **valor** do intervalo. O **valor** de um conjunto S de intervalos é o número $v(S) := \sum_{i \in S} v_i$. Um conjunto viável S **tem valor máximo** se $v(S) \geq v(S')$ para todo conjunto S' de intervalos que seja viável.

Problema dos Intervalos Compatíveis de Valor Máximo: Dados números naturais $a_1, \ldots, a_n, b_1, \ldots, b_n$ e v_1, \ldots, v_n tais que $a_i \leq b_i$ para cada i, encontrar um subconjunto viável de $\{1, \ldots, n\}$ que tenha valor máximo.

A primeira ideia que vem à mente é a de um algoritmo "guloso" que escolhe os intervalos em ordem decrescente de valor. Mas isso não resolve o problema.

¹ Um algoritmo *guloso* constrói uma solução escolhendo, a cada passo, o objeto mais "saboroso" de acordo com algum critério estabelecido a priori.

Exercício

8.1 Coloque os intervalos em ordem decrescente de valor, ou seja, suponha que $v_1 \geq v_2 \geq \cdots \geq v_n$. Agora considere o seguinte algoritmo. A m-ésima iteração do algoritmo começa com um subconjunto viável S de $\{1,\ldots,m-1\}$. Se $S\cup\{m\}$ for viável, comece nova iteração com $S\cup\{m\}$ no lugar de S. Senão, comece nova iteração sem alterar S. Mostre que este algoritmo guloso. não resolve o problema.

8.2 A estrutura recursiva do problema

Adote a abreviatura **svvm** para a expressão "subconjunto viável de valor máximo" e seja S um svvm do conjunto de intervalos $\{1,\ldots,n\}$. Se S não contém n então S também é um svvm de $\{1,\ldots,n-1\}$. Se S contém n então $S-\{n\}$ é um svvm do conjunto de todos os intervalos que são compatíveis com n.

Podemos resumir esta propriedade dizendo que o problema tem estrutura recursiva: qualquer solução de uma instância do problema contém soluções de instâncias menores.

Para simplificar a descrição do conjunto de intervalos compatíveis com n, convém supor que os intervalos estão em ordem crescente de términos, ou seja, que

$$b_1 \le b_2 \le \dots \le b_n \ . \tag{8.1}$$

Sob esta hipótese, o conjunto dos intervalos compatíveis com n é simplesmente $\{1,\ldots,j\}$, sendo j o maior índice tal que $b_j < a_n$.

Se denotarmos por X(n) o valor de um svvm de $\{1,\ldots,n\}$, a estrutura recursiva do problema garante que

$$X(n) = \max(X(n-1), X(j) + v_n),$$
 (8.2)

sendo j o maior índice tal que $b_i < a_n$. Se tal j não existe então (8.2) se reduz a

$$X(n) = \max(X(n-1), v_n).$$

Esta recorrência pode ser facilmente transformada em um algoritmo recursivo. Mas o algoritmo é muito ineficiente, pois resolve cada subinstância repetidas vezes.

Exercício

8.2 Escreva um algoritmo recursivo baseado em (8.2). Mostre que o consumo de tempo do algoritmo no pior caso está em $\Omega(2^n)$. (Sugestão: Considere um conjunto com n intervalos compatíveis dois a dois, todos com valor 1. Mostre que o tempo T(n) que o algoritmo consome para processar o conjunto satisfaz a recorrência T(n) = T(n-1) + T(n-1) + 1.)

8.3 Algoritmo de programação dinâmica

Para tirar bom proveito da recorrência (8.2), é preciso recorrer à técnica da programação dinâmica (veja a Seção 5.5), que consiste em guardar as soluções das subinstâncias

numa tabela à medida que elas forem sendo resolvidas. Com isso, cada subinstância será resolvida uma só vez.

O seguinte algoritmo recebe n intervalos que satisfazem (8.1) e devolve o valor de um svvm de $\{1, \ldots, n\}$:

```
\begin{array}{lll} \text{INTERVALOSCOMPATÍVEIS} & (a_1, \dots, a_n, \ b_1, \dots, b_n, \ v_1, \dots, v_n) \\ 1 & X[0] \leftarrow 0 \\ 2 & \text{para } m \leftarrow 1 \text{ até } n \text{ faça} \\ 3 & j \leftarrow m-1 \\ 4 & \text{enquanto } j \geq 1 \text{ e } b_j \geq a_m \text{ faça} \\ 5 & j \leftarrow j-1 \\ 6 & \text{se } X[m-1] > X[j] + v_m \\ 7 & \text{então } X[m] \leftarrow X[m-1] \\ 8 & \text{senão } X[m] \leftarrow X[j] + v_m \\ 9 & \text{devolva } X[n] \end{array}
```

(Não é difícil extrair da tabela X um svvm de $\{1, \ldots, n\}$.)

O algoritmo está correto. Na linha 2, imediatamente antes da comparação de m com n,

```
X[m-1] é o valor de um svvm de \{1,\ldots,m-1\}, X[m-2] é o valor de um svvm de \{1,\ldots,m-2\}, ..., X[1] é o valor de um svvm de \{1\}.
```

Este invariante certamente vale no início da primeira iteração, quando m=1. Suponha agora que ele vale no início de uma iteração qualquer. Para mostrar que continua valendo no início da iteração seguinte, observe que, no começo da linha 6, $\{1,\ldots,j\}$ é o conjunto dos intervalos compatíveis com m. Assim, o valor atribuído a X[m] nas linhas 7 e 8 está de acordo com a recorrência (8.2) e portanto X[m] é o valor de um svvm de $\{1,\ldots,m\}$.

Na última passagem pela linha 2 temos m=n+1 e portanto X[n] é o valor de um svvm de $\{1,\ldots,n\}$. Assim, o algoritmo cumpre o que prometeu.

Consumo de tempo. Uma execução de qualquer linha do algoritmo INTERVA-LOSCOMPATÍVEIS consome uma quantidade de tempo que não depende de n. Logo, o consumo de tempo total do algoritmo pode ser medido contando o número de execuções das diversas linhas.

Para cada valor fixo de m, a linha 5 é executada no máximo m-1 vezes. Como m varia de 1 a n e $\sum_{m=1}^{n}(m-1)=\frac{1}{2}(n^2-n)$, a linha 5 é executada menos que n^2 vezes. Todas as demais linhas são executadas no máximo n-1 vezes. Logo, o consumo de tempo total do algoritmo está em

$$O(n^2)$$

no pior caso. Uma análise um pouco mais cuidadosa mostra que o consumo está em $\Theta(n^2)$ no pior caso.

Não levamos em conta ainda o pré-processamento que rearranja os intervalos em ordem crescente de término. Como esse pré-processamento pode ser feito em tempo $O(n\lg n)$ (veja o Capítulo 4) e $n\lg n$ está em $O(n^2)$, o consumo de tempo total é $\Theta(n^2)$. (Mas veja o Exercício 8.3.)

Exercícios

- 8.3 Mostre que o algoritmo Intervalos Compatíveis pode ser implementado de modo a consumir apenas $\mathrm{O}(n)$ unidades de tempo. Sugestão: construa uma tabela auxiliar que produza, em tempo constante, efeito equivalente ao das linhas 4-5.
- 8.4 Escreva um algoritmo de pós-processamento que extraia da tabela $X[1 \dots n]$ produzida pelo algoritmo IntervalosCompatíveis um svvm de $\{1,\dots,n\}$. O seu algoritmo deve consumir O(n) unidades de tempo.

Notas bibliográficas

O problema dos intervalos valorados é discutido no livro de Kleinberg e Tardos [10]. O verbete *Interval scheduling* na Wikipedia trata do escalonamento de intervalos.

As linhas de um parágrafo

Um parágrafo de texto é uma sequência de palavras, sendo cada palavra uma sequência de caracteres. Queremos imprimir um parágrafo em uma ou mais linhas consecutivas de uma folha de papel de tal modo que cada linha tenha no máximo L caracteres. As palavras do parágrafo não devem ser quebradas entre linhas e cada duas palavras consecutivas numa linha devem ser separadas por um espaço.

Para que a margem direita fique razoavelmente uniforme, queremos distribuir as palavras pelas linhas de modo a minimizar a soma dos cubos dos espaços em branco que sobram no fim de todas as linhas exceto a última.

9.1 O problema

Para simplificar a discussão do problema, convém numerar as palavras do parágrafo em *ordem inversa* e confundir as palavras com os seus comprimentos. Diremos, pois, que um **parágrafo** é uma sequência $c_n, c_{n-1}, \ldots, c_2, c_1$ de números naturais. Diremos também que cada c_i é uma **palavra**: c_n é a primeira palavra do parágrafo e c_1 é a última.

Um **trecho** de um parágrafo $c_n, c_{n-1}, \ldots, c_1$ é qualquer sequência da forma $c_m, c_{m-1}, \ldots, c_k$ com $n \ge m \ge k \ge 1$. Este trecho será denotado por (m, k). O **comprimento** do trecho (m, k) é o número

$$c(m,k) := c_m + 1 + c_{m-1} + 1 + \dots + 1 + c_k$$
.

Os próximos conceitos envolvem um número natural L que chamaremos **capacidade de uma linha**. Um trecho (m,k) é **curto** se $c(m,k) \leq L$. O **defeito** de um trecho curto (m,k) é o número

$$(L-c(m,k))^3.$$

Uma L-decomposição do parágrafo $c_n, c_{n-1}, \ldots, c_1$ é uma subdivisão do parágrafo em trechos curtos. Mais precisamente, uma L-decomposição é uma sequência

$$(n,k_q)$$
, (k_q-1,k_{q-1}) , $(k_{q-1}-1,k_{q-2})$, ..., (k_2-1,k_1) $(k_1-1,1)$

de trechos curtos em que $n \ge k_q > k_{q-1} > \cdots > k_2 > k_1 > 1$. O **defeito** de uma decomposição é a soma dos defeitos de todos os trechos da decomposição exceto o último. Uma decomposição é **ótima** se tem defeito mínimo.

Aaaa bb cccc d eee ff gggg iii jj kkk. Llll mmm nn ooooo---pppppp qq r sss ttt uu.

Aaaa bb cccc d eee ff gggg---iii jj kkk. Llll mmm nn ooooo-

ppppp qq r sss ttt uu.

Figura 9.1: Duas decomposições do mesmo parágrafo. As linhas têm capacidade L=30 e os caracteres "–" representam os espaços em branco que contribuem para o defeito. O defeito da primeira decomposição é $0^3+5^3=125$ e o da segunda é $4^3+1^3=65$.



Figura 9.2: À direita temos uma decomposição ótima de um parágrafo c_3, c_2, c_1 . A capacidade das linhas é L=9. Os caracteres "–" representam os espaços em branco que contribuem para o defeito. No centro, temos uma decomposição ótima do parágrafo c_2, c_1 . À esquerda, uma decomposição ótima do parágrafo c_1 .

Problema da Decomposição de um Parágrafo: Dado um parágrafo $c_n, c_{n-1}, \ldots, c_1$ e um número natural L, encontrar uma L-decomposição ótima do parágrafo.

É claro que as instâncias do problema em que $c_i > L$ para algum i não têm solução.

Exercícios

- 9.1 Tente explicar por que a definição de defeito usa a terceira potência e não a primeira ou a segunda.
- 9.2 Considere a seguinte heurística "gulosa": preencha a primeira linha até onde for possível, depois preencha o máximo possível da segunda linha, e assim por diante. Mostre que esta heurística não resolve o problema.
- 9.3 Suponha que $c_i=1$ para $i=n,\ldots,1$. Mostre que o defeito de uma decomposição ótima é no máximo $\lfloor 2n/L \rfloor$.

9.2 A estrutura recursiva do problema

O problema da decomposição de parágrafos tem caráter recursivo, como passamos a mostrar. Suponha que (n, k) é o primeiro trecho de uma decomposição ótima do

parágrafo $c_n, c_{n-1}, \ldots, c_1$. Se $k \geq 2$ então

a correspondente decomposição de $c_{k-1}, c_{k-2}, \ldots, c_1$ é ótima.

A prova desta propriedade é simples. Seja x o defeito da decomposição de c_{k-1},\ldots,c_1 induzida pela decomposição ótima de c_n,\ldots,c_1 . Suponha agora, por um momento, que o parágrafo c_{k-1},\ldots,c_1 tem uma decomposição com defeito menor que x. Então a combinação desta decomposição com o trecho (n,k) é uma decomposição de c_n,\ldots,c_1 que tem defeito menor que o mínimo, o que é impossível.

A propriedade recursiva pode ser representada por uma relação de recorrência. Seja X(n) o defeito de uma decomposição ótima do parágrafo $c_n, c_{n-1}, \ldots, c_1$. Se o trecho (n,1) é curto então X(n)=0. Caso contrário,

$$X(n) = \min_{c(n,k) \le L} \left((L - c(n,k))^3 + X(k-1) \right), \tag{9.1}$$

sendo o mínimo tomado sobre todos os trechos curtos da forma (n, k).

A recorrência poderia ser transformada facilmente num algoritmo recursivo. Mas o cálculo do min em (9.1) levaria o algoritmo a resolver as mesmas subinstâncias várias vezes, o que é muito ineficiente.

9.3 Um algoritmo de programação dinâmica

Para usar a recorrência (9.1) de maneira eficiente, basta interpretar X como uma tabela X[1..n] e calcular X[n], depois X[n-1], e assim por diante. Esta é a técnica da programação dinâmica. O seguinte algoritmo implementa esta ideia. Ele devolve o defeito mínimo de um parágrafo $c_n, c_{n-1}, \ldots, c_1$ supondo $n \ge 1$, linhas de capacidade L e $c_i \le L$ para todo i:

```
Defeitomínimo (c_n, \ldots, c_1, L)
      para m \leftarrow 1 até n faça
 2
           X[m] \leftarrow \infty
 3
           k \leftarrow m
 4
           s \leftarrow c_m
 5
           enquanto k > 1 e s \le L faça
                X' \leftarrow (L-s)^3 + X[k-1]
 7
                se X' < X[m] então X[m] \leftarrow X'
 8
               k \leftarrow k - 1
 9
                s \leftarrow s + 1 + c_k
10
           se s \leq L então X[m] \leftarrow 0
11
      devolva X[1]
```

(Não é difícil modificar o algoritmo de modo que ele produza uma decomposição ótima e não apenas o seu defeito.)

No início de cada iteração do bloco de linhas 6-9, o valor da variável s é c(m,k). As primeiras execuções do processo iterativo descrito nas linhas 5-9 terminam tipicamente

com k=1 e (m,k) é o único trecho da decomposição. As execuções subsequentes do mesmo bloco terminam com $k\geq 2$ e portanto com s>L.

O algoritmo está correto. Na linha 1, imediatamente antes da comparação de m com n, temos o seguinte invariante:

$$X[m-1]$$
 é o defeito mínimo do parágrafo c_{m-1},\ldots,c_1 , $X[m-2]$ é o defeito mínimo do parágrafo c_{m-2},\ldots,c_1 , \ldots , $X[1]$ é o defeito mínimo do parágrafo c_1 .

Este invariante vale vacuamente na primeira passagem pela linha 1. Suponha agora que o invariante vale no início de uma iteração qualquer. A propriedade continua valendo no início da iteração seguinte, pois o bloco de linhas 2-10 calcula o defeito de uma decomposição ótima de parágrafo $c_m, c_{m-1}, \ldots, c_1$ usando a recorrência (9.1).

No fim do processo iterativo temos m=n+1 e portanto X[n] é o defeito mínimo do parágrafo c_n,\ldots,c_1 .

Consumo de tempo. Adote n como tamanho da instância (c_n,\ldots,c_1,L) do problema. Podemos supor que uma execução de qualquer linha do código consome uma quantidade de tempo que não depende de n. Assim, o consumo de tempo é determinado pelo número de execuções das várias linhas.

Para cada valor fixo de m, o bloco de linhas 6-9 é executado no máximo m-1 vezes. Como m assume os valores $1,2,\ldots,n$, o número total de execuções do bloco de linhas 6-9 não passa de $\frac{1}{2}n(n-1)$. Portanto, o algoritmo consome

$$\Theta(n^2)$$

unidades de tempo no pior caso. No melhor caso (que acontece, por exemplo, quando $c_i \geq \lceil L/2 \rceil$ para cada i), o algoritmo consome $\Theta(n)$ unidades de tempo.

Exercício

9.4 Modifique o algoritmo DEFEITOMÍNIMO para que ele devolva a descrição $\langle k_q, k_{q-1}, \dots, k_1 \rangle$ de uma decomposição ótima do parágrafo c_n, \dots, c_1 e não apenas o defeito da decomposição.

Notas bibliográficas

O problema que discutimos neste capítulo é proposto como exercício nos livros de Cormen *et al.* [3], Parberry [17] e Parberry e Gasarch [18].

Mochila de valor máximo

Suponha dado um conjunto de objetos e uma mochila. Cada objeto tem um certo peso e um certo valor. Queremos escolher um conjunto de objetos que tenha o maior valor possível sem ultrapassar a capacidade (ou seja, o limite de peso) da mochila. Este célebre problema aparece em muitos contextos e faz parte de muitos problemas mais elaborados.

10.1 O problema

Suponha dados números naturais p_1, \ldots, p_n e v_1, \ldots, v_n . Diremos que p_i é o **peso** e v_i é o **valor** de i. Para qualquer subconjunto S de $\{1, 2, \ldots, n\}$, sejam p(S) e v(S) os números $\sum_{i \in S} p_i$ e $\sum_{i \in S} v_i$ respectivamente. Diremos que p(S) é o **peso** e v(S) é o **valor** de S.

Em relação a um número natural c, um subconjunto S de $\{1,\ldots,n\}$ é **viável** se $p(S) \leq c$. Um subconjunto viável S^* de $\{1,\ldots,n\}$ é **ótimo** se $v(S^*) \geq v(S)$ para todo conjunto viável S.

Problema da Mochila: Dados números naturais $p_1, ..., p_n, c, v_1, ..., v_n$, encontrar um subconjunto ótimo de $\{1, ..., n\}$.

Uma **solução** da instância (n, p, c, v) do problema é qualquer subconjunto ótimo de $\{1, \ldots, n\}$. Poderíamos ser tentados a encontrar uma solução examinando todos os subconjuntos $\{1, \ldots, n\}$. Mas esse algoritmo é inviável, pois consome tempo $\Omega(2^n)$.

10.2 A estrutura recursiva do problema

Seja S uma solução da instância (n, p, c, v). Temos duas possibilidades, conforme n esteja ou não em S. Se $n \notin S$ então S também é um solução da instância (n-1, p, c, v). Se $n \in S$ então $S - \{n\}$ é solução de $(n-1, p, c-p_n, v)$.

Podemos resumir isso dizendo que o problema tem estrutura recursiva: toda solução de uma instância do problema contém soluções de instâncias menores.

Se denotarmos por X(n, c) o valor de um solução de (n, p, c, v), a estrutura recur-

siva do problema pode ser representada pela seguinte recorrência:

$$X(n,c) = \max (X(n-1,c), X(n-1,c-p_n) + v_n).$$
 (10.1)

O segundo termo de \max só faz sentido se $c - p_n \ge 0$, e portanto

$$X(n,c) = X(n-1,c) (10.2)$$

quando $p_n > c$.

Poderíamos calcular X(n,c) recursivamente. Mas o algoritmo resultante é muito ineficiente, pois resolve cada subinstância um grande número de vezes.

Exercício

10.1 Escreva um algoritmo recursivo baseado na recorrência (10.1-10.2). Calcule o consumo de tempo do seu algoritmo no pior caso. (Sugestão: para cada n, tome a instância em que c=n e $p_i=v_i=1$ para cada i. Mostre que o consumo de tempo T(n) para essa família de instâncias satisfaz a recorrência T(n)=2T(n-1)+1.)

10.3 Algoritmo de programação dinâmica

Para obter um algoritmo eficiente a partir da recorrência (10.1-10.2), é preciso armazenar as soluções das subinstâncias numa tabela à medida que elas forem sendo obtidas, evitando assim que elas sejam recalculadas. Esta é a técnica da programação dinâmica, que já encontramos em capítulos anteriores.

Como c e todos os p_i são números naturais, podemos tratar X como uma tabela com linhas indexadas por 0..n e colunas indexadas por 0..c. Para cada i entre 0 e n e cada n entre n0 e n0 e cada n0 e casa n0 e casa n1 da tabela será o valor de uma solução da instância n1 n2 n3 casas da tabela n3 precisam ser preenchidas na ordem certa, de modo que toda vez que uma casa for requisitada o seu valor já tenha sido calculado.

O algoritmo abaixo recebe uma instância (n, p, c, v) do problema e devolve o valor de uma solução da instância:¹

```
\begin{array}{ll} \text{MOCHILAPD } (n,\ p,\ c,\ v) \\ 1 \quad \text{para } b \leftarrow 0 \text{ até } c \text{ faça} \\ 2 \quad X[0,b] \leftarrow 0 \\ 3 \quad \text{para } j \leftarrow 1 \text{ até } n \text{ faça} \\ 4 \quad x \leftarrow X[j-1,b] \\ 5 \quad \text{se } b-p_j \geq 0 \\ 6 \quad \text{então } y \leftarrow X[j-1,b-p_j] + v_j \\ 7 \quad \text{se } x < y \text{ então } x \leftarrow y \\ 8 \quad X[j,b] \leftarrow x \\ 9 \quad \text{devolva } X[n,c] \end{array}
```

 $^{^1}$ É fácil extrair da tabela X um subconjunto viável de $\{1,\ldots,n\}$ que tenha valor X[n,c]. Veja o Exercício 10.4.

			0	1	2	3	4	5
p	v	0	0	0	0	0	0	0
$\boxed{4}$	500	1	0	0	0	0	500	500
2	400	2	0	0	400	400	500	500
1	300	3	0	300	400	700	700	800
3	450	4	0	300	400	700	750	500 500 800 850

Figura 10.1: Uma instância do Problema da Mochila com n=4 e c=5. A figura mostra a tabela X[0..n,0..c] calculada pelo algoritmo MOCHILAPD.

O algoritmo está correto. A cada passagem pela linha 1, imediatamente antes das comparação de b com c, as b primeiras colunas da tabela estão corretas, ou seja,

$$X[i, a]$$
 é o valor de uma solução da instância (i, p, a, v) (10.3)

para todo i no intervalo $0 \dots n$ e todo a no intervalo $0 \dots b-1$. Para provar este invariante, basta entender o processo iterativo nas linhas 3 a 8. No início de cada iteração desse processo,

$$X[i, b]$$
 é o valor de uma solução da instância (i, p, b, v) (10.4)

para todo i no intervalo 0..j-1. Se o invariante (10.4) vale no início de uma iteração, ele continua valendo no início da iteração seguinte em virtude da recorrência (10.1-10.2). Isto prova que (10.3) de fato vale a cada passagem pela linha 1.

Na última passagem pela linha 1 temos b=c+1 e portanto (10.3) garante que X[n,c] é o valor de uma solução da instância (n,p,c,v).

Consumo de tempo. É razoável supor que uma execução de qualquer das linhas do código consome uma quantidade de tempo que não depende de n nem de c. Portanto, basta contar o número de execuções das diversas linhas.

Para cada valor fixo de b, o bloco de linhas 4-8 é executado n vezes. Como b varia de 0 a c, o número total de execuções do bloco de linhas 4-8 é (c+1)n. As demais linhas são executadas no máximo c+1 vezes. Esta discussão mostra que o algoritmo consome

$$\Theta(nc)$$

unidades de tempo. (Poderíamos ter chegado à mesma conclusão observando que o consumo de tempo do algoritmo é proporcional ao número de casas da tabela X.)

O consumo de tempo de MOCHILAPD é muito sensível às variações de c. Imagine, por exemplo, que c e os elementos de p são todos multiplicados por 100. Como isto constitui uma mera mudança de escala, a nova instância do problema é conceitualmente idêntica à original. No entanto, nosso algoritmo consumirá 100 vezes mais tempo para resolver a nova instância.

Observações sobre o consumo de tempo. Ao dizer que o consumo de tempo do algoritmo é $\Theta(nc)$, estamos implicitamente adotando o par de números (n,c) como tamanho da instância (n,p,c,v). No entanto, é mais razoável dizer que o tamanho da instância é $(n,\lceil\lg c\rceil)$, pois c pode ser escrito com apenas $\lceil\lg c\rceil$ bits. É mais razoável, portanto, dizer que o algoritmo consome

$$\Theta(n \, 2^{\lg c})$$

unidades de tempo. Isto torna claro que o consumo de tempo cresce explosivamente com $\lg c$.

Gostaríamos de ter um algoritmo cujo consumo de tempo não dependesse do valor de c, um algoritmo cujo consumo de tempo estivesse em $\mathrm{O}(n^2)$, ou $\mathrm{O}(n^{10})$, ou $\mathrm{O}(n^{100})$. (Um tal algoritmo seria considerado "fortemente polinomial".) Acredita-se, porém, que um tal algoritmo não existe.²

Exercícios

- 10.2 É verdade que X[i,0] = 0 para todo i depois da execução do algoritmo MOCHILAPD?
- 10.3 Por que nosso enunciado do problema inclui instâncias em que c vale 0? Por que inclui instâncias com objetos de peso nulo?
- 10.4 Mostre como extrair da tabela X[0..n,0..c] produzida pelo algoritmo MOCHILAPD um subconjunto ótimo de $\{1,...,n\}$.
- 10.5 Faça uma mudança de escala para transformar o conjunto $\{0, 1, \ldots, c\}$ no conjunto de números racionais entre 0 e n. Aplique o mesmo fator de escala aos pesos p_i . O algoritmo MOCHILAPD pode ser aplicado a essa nova instância do problema?

10.4 Instâncias especiais do problema da mochila

Algumas coleções de instâncias do Problema da Mochila têm especial interesse prático. Se $v_i = p_i$ para todo i, temos o célebre Problema *Subset Sum*, que pode ser apresentado assim: imagine que você emitiu cheques de valores v_1, \ldots, v_n durante o mês; se o banco debitou um total de c na sua conta no fim do mês, quais podem ter sido os cheques debitados?

Considere agora as instâncias do Problema da Mochila em que $v_i = 1$ para todo i. (Você pode imaginar que p_1, \ldots, p_n são os tamanhos de n arquivos digitais. Quantos desses arquivos cabem num $pen\ drive$ de capacidade c?) Esta coleção de instâncias pode ser resolvida por um algoritmo "guloso" óbvio que é muito mais eficiente que MOCHILAPD.

Notas bibliográficas

O problema da mochila é discutido na Seção 16.2 do livro de Cormen *et al.* [3] e na Seção 8.4 do livro de Brassard e Bratley [2], por exemplo.

² O Problema da Mochila é NP-difícil. Veja o livro de Cormen et al. [3].

Mochila de valor quase máximo

O algoritmo de programação dinâmica para o Problema da Mochila (veja o Capítulo 10) é lento. Dada a dificuldade de encontrar um algoritmo mais rápido, faz sentido reduzir nossas exigências e procurar por uma solução *quase* ótima. Um tal algoritmo deve calcular um conjunto viável de valor maior que uma fração predeterminada (digamos 50%) do valor máximo.

11.1 O problema

Convém repetir algumas das definições da Seção 10.1. Dados números naturais p_1, \ldots, p_n, c e v_1, \ldots, v_n , diremos que p_i é o **peso** e v_i é o **valor** de i. Para qualquer subconjunto S de $\{1, \ldots, n\}$, denotaremos por p(S) a soma $\sum_{i \in S} p_i$ e diremos que S é **viável** $p(S) \leq c$. O **valor** de S é o número $v(S) := \sum_{i \in S} v_i$. Um conjunto viável S^* é **ótimo** se $v(S^*) \geq v(S)$ para todo conjunto viável S.

Problema da Mochila: Dados números naturais $p_1, ..., p_n, c, v_1, ..., v_n$, encontrar um subconjunto ótimo de $\{1, ..., n\}$.

Todo objeto de peso maior que c pode ser ignorado e qualquer objeto de peso nulo pode ser incluído em todos os conjuntos viáveis. Suporemos então, daqui em diante, que

$$1 \le p_i \le c \tag{11.1}$$

para todo i.

11.2 Algoritmo de aproximação

O valor específico de um objeto i é o número v_i/p_i . Nosso algoritmo tem caráter "guloso" e dá preferência aos objetos de maior valor específico. Para simplificar a descrição

¹ O problema é NP-difícil. Veja o livro de Cormen *et al*. [3].

do algoritmo, suporemos que os objetos são dados em ordem decrescente de valor específico, ou seja, que

$$\frac{v_1}{p_1} \ge \frac{v_2}{p_2} \ge \dots \ge \frac{v_n}{p_n} \,. \tag{11.2}$$

O seguinte algoritmo recebe uma instância do problema que satisfaz as condições (11.1) e (11.2) e devolve o valor de um subconjunto viável X de $\{1,\ldots,n\}$ tal que

$$v(X) \ge \frac{1}{2}v(S^*) ,$$

sendo S^* é um subconjunto ótimo:

```
MOCHILAQUASEÓTIMA (n, p, c, v)
     X \leftarrow \emptyset
 2 s \leftarrow x \leftarrow 0
 3 \quad k \leftarrow 1
 4 enquanto k \le n e s + p_k \le c faça
 5
           X \leftarrow X \cup \{k\}
 6
           s \leftarrow s + p_k
 7
           x \leftarrow x + v_k
 8
           k \leftarrow k + 1
 9 se k > n ou x \ge v_k
10
           então devolva X
11
           senão devolva \{k\}
```

O bloco de linhas 4 a 8 determina o maior k tal que $p_1 + \cdots + p_{k-1} \le c$. No início da linha 9, $X = \{1, \dots, k-1\}$, s = p(X) e x = v(X).

O algoritmo está correto. No início da linha 9, é claro que X é viável. Se k>n então $X=\{1,\ldots,n\}$ e o algoritmo adota X como solução. Nesse caso, é evidente que $v(X)\geq \frac{1}{2}\,v(S)$ para todo conjunto viável S, como prometido.

Suponha agora que $k \le n$ no início da linha 9. Graças à hipótese (11.1), o conjunto $\{k\}$ é viável e o algoritmo adota como solução o mais valioso dentre X e $\{k\}$. Resta mostrar que

$$\max(v(X), v_k) \ge \frac{1}{2}v(S)$$

para todo conjunto viável S. O primeiro passo da demonstração consiste na seguinte observação:

$$\max(v(X), v_k) \ge \frac{1}{2}(v(X) + v_k) = \frac{1}{2}v(R),$$

sendo $R:=X\cup\{k\}$. O segundo passo mostra que v(R)>v(S) qualquer que seja o

conjunto viável *S*:

$$v(R) - v(S) = v(R - S) - v(S - R)$$

$$= \sum_{i \in R - S} v_i - \sum_{i \in S - R} v_i$$

$$= \sum_{i \in R - S} \frac{v_i}{p_i} p_i - \sum_{i \in S - R} \frac{v_i}{p_i} p_i$$

$$\geq \frac{v_k}{p_k} p(R - S) - \frac{v_k}{p_k} p(S - R)$$

$$= \frac{v_k}{p_k} (p(R) - p(S))$$

$$> \frac{v_k}{p_k} (c - c)$$

$$= 0.$$
(11.4)

A relação (11.3) vale porque $v_i/p_i \ge v_k/p_k$ para todo i em R e $v_i/p_i \le v_k/p_k$ para todo i no complemento de R. Já (11.4) vale porque p(R) > c e $p(S) \le c$.

Consumo de tempo. Adote n (poderia igualmente ter adotado 2n+1) como medida do tamanho da instância $(n,\,p,\,c,\,v)$ do problema. Uma execução de qualquer das linhas do algoritmo consome uma quantidade de tempo que não depende de n. O bloco de linhas 5-8 é executado no máximo n vezes. Assim, o algoritmo todo consome

$$\Theta(n)$$

unidades de tempo, tanto no pior quanto no melhor caso. O algoritmo propriamente dito é, portanto, linear.

O pré-processamento necessário para fazer valer (11.1) e (11.2) pode ser feito em tempo $\Theta(n \lg n)$ (veja o Capítulo 4). Portanto, o consumo de tempo do processo todo é

$$\Theta(n \lg n)$$
.

Exercício

11.1 Construa uma instância do Problema da Mochila para a qual o algoritmo devolve $\{k\}$ na linha 11.

11.3 Observações sobre algoritmos de aproximação

Um algoritmo rápido cujo resultado é uma fração predeterminadada solução ótima é conhecido como **algoritmo de aproximação**. O resultado do algoritmo MOCHILA-QUASEÓTIMA, por exemplo, é melhor que 50% do ótimo. Esse fator de aproximação pode parecer grosseiro, mas é suficiente para algumas aplicações que precisam de um algoritmo muito rápido.

Outros algoritmos de aproximação para o Problema da Mochila têm fator de aproximação bem melhor que 50%. O algoritmo de Ibarra e Kim (veja o livro de Fernandes $et\ al.\ [8]$, por exemplo) garante um fator de aproximação tão próximo de 100% quanto o usuário desejar. Como seria de se esperar, o consumo de tempo do algoritmo é tanto maior quanto maior o fator de aproximação solicitado. O algoritmo de Ibarra e Kim é baseado numa variante de MOCHILAPD em que os papéis de p e v são trocados. (Veja o Exercício 10.5.)

Notas bibliográficas

Algoritmos de aproximação para o Problema da Mochila são discutidos na Seção 13.2 do livro de Brassard e Bratley [2].

A cobertura de um grafo

Imagine um conjunto de salas interligadas por túneis. Um guarda postado numa sala é capaz de vigiar todos os túneis que convergem sobre a sala. Queremos determinar o número mínimo de guardas suficiente para vigiar todos os túneis.

Se houver um custo associado com cada sala (este é o custo de manter um guarda na sala), queremos determinar o conjunto mais barato de guardas capaz de manter todos os túneis sob vigilância.

12.1 Grafos

Um **grafo** é um par (V, A) de conjuntos tal que $A \subseteq \binom{V}{2}$. Cada elemento de A é, portanto, um par não ordenado de elementos de V. Os elementos de V são chamados **vértices** e os de A são chamados **arestas**.

Uma aresta $\{i, j\}$ é usualmente denotada por ij. Os vértices i e j são as **pontas** desta aresta.

12.2 O problema da cobertura

Uma **cobertura** de um grafo é um conjunto X de vértices que contém pelo menos uma das pontas de cada aresta. Se cada vértice i tem um **custo** c_i , o **custo** de uma cobertura X é o número $c(X) := \sum_{i \in X} c_i$.

Problema da Cobertura: Dado um grafo cujos vértices têm custos em \mathbb{N} , encontrar uma cobertura de custo mínimo.

Poderíamos resolver o problema examinando todos os subconjuntos do conjunto de vértices, mas um tal algoritmo é explosivamente lento: seu consumo de tempo cresce exponencialmente com o número de vértices. Infelizmente, acredita-se que não existem algoritmos substancialmente mais rápidos para o problema, nem mesmo quando todos os vértices têm custo unitário.¹

¹ O Problema da Cobertura é NP-difícil. Veja o livro de Cormen et al. [3].

Faz sentido, portanto, procurar por um bom algoritmo de aproximação, um algoritmo rápido que encontre uma cobertura cujo custo seja limitado por um múltiplo predeterminado do ótimo. (Veja a Seção 11.3.)



Figura 12.1: Uma instância do Problema da Cobertura. Encontre uma cobertura mínima, supondo que todos os vértices têm custo 1.

Exercício

12.1 Seja (V,A) um grafo. Ignore os custos dos vértices do grafo. Uma cobertura X desse grafo é **mínima** se não existe uma cobertura X' tal que |X'| < |X|. Uma cobertura X é **minimal** se não existe uma cobertura X' tal que $X' \subset X$. Mostre que uma cobertura minimal pode ser arbitrariamente maior que uma cobertura mínima.

12.3 Um algoritmo de aproximação

O seguinte algoritmo recebe um grafo (V,A) e um número natural c_i para cada vértice i e devolve uma cobertura X tal que $c(X) \leq 2 \cdot c(X_*)$, sendo X_* uma cobertura de custo mínimo:

```
COBERTURABARATA (V, A, c)
       para cada i em V faça
            x_i \leftarrow 0
 3
      para cada ij em A faça
           y_{ij} \leftarrow 0
       para cada pq em A faça
           e \leftarrow \min\left(c_p - x_p \; , \; c_q - x_q\right)
 6
 7
            y_{pq} \leftarrow y_{pq} + e
 8
           x_p \leftarrow x_p + e
           x_q \leftarrow x_q + e
 9
       X \leftarrow \emptyset
10
11
       para cada i em V faça
            se x_i = c_i então X \leftarrow X \cup \{i\}
12
13
       devolva X
```

O algoritmo atribui números naturais y às arestas. Você pode imaginar que y_{pq} é a quantia que a aresta pq paga a cada uma de suas pontas para convencer uma delas a fazer parte da cobertura. Um vértice p aceita participar da cobertura se $\sum_q y_{pq} \geq c_p$, sendo a soma feita sobre todas as arestas que têm ponta p. A regra do jogo é nunca pagar mais que o necessário. Portanto, $\sum_q y_{pq} \leq c_p$ para todo vértice p.

O algoritmo está correto. No início de cada iteração do bloco de linhas 6-9, temos os seguintes invariantes:

- i. $x_i = \sum_j y_{ij}$ para todo i em V,
- ii. $x_i \leq c_i$ para todo i em V,
- iii. para toda aresta ij já examinada tem-se $x_i = c_i$ ou $x_j = c_j$.

Estas propriedades são obviamente verdadeiras no início da primeira iteração. No início de cada iteração subsequente, o invariante i continua valendo, pois y_{pq} , x_p e x_q são acrescidos da mesma quantidade e. O invariante ii continua valendo, pois $e \le c_p - x_p$ e $e \le c_q - x_q$. O invariante iii continua valendo, pois $e = c_p - x_p$ ou $e = c_q - x_q$.

Os invariantes i e ii têm a seguinte consequência: no início de cada iteração do bloco de linhas 6-9, temos

$$\sum_{ij\in A} y_{ij} \le c(Z) \tag{12.1}$$

para qualquer cobertura Z. Para mostrar isso, basta observar que $\sum_{ij\in A} y_{ij} \leq \sum_{i\in Z} \sum_{j} y_{ij} = \sum_{i\in Z} x_i \leq \sum_{i\in Z} c_i$. A primeira desigualdade vale porque toda aresta tem pelo menos uma de suas pontas em Z. A igualdade seguinte vale em virtude do invariante i. A última desigualdade decorre do invariante ii.

Agora observe que no fim do bloco de linhas 10-12 temos

$$c(X) \leq 2 \sum_{ij \in A} y_{ij} . \tag{12.2}$$

De fato, como $x_i=c_i$ para todo i em X, temos $\sum_{i\in X}c_i=\sum_{i\in X}x_i=\sum_{i\in X}\sum_jy_{ij}\leq 2\sum_{ij\in A}y_{ij}$. A segunda igualdade vale em virtude do invariante i. A última desigualdade é verdadeira pois cada aresta tem no máximo duas pontas em X.

Segue de (12.2) e (12.1) que, depois do bloco de linhas 10-12, para qualquer cobertura Z,

$$c(X) \leq 2 c(Z)$$
.

Isto vale, em particular, se Z é uma cobertura de custo mínimo. Como X é uma cobertura (em virtude do invariante iii), o algoritmo cumpre o que prometeu.

O fator de aproximação 2 pode parecer ser grosseiro, mas o fato é que ninguém descobriu ainda um algoritmo eficiente com fator de aproximação 1.9 por exemplo.

Consumo de tempo. Podemos supor que o grafo é dado da maneira mais crua possível: os vértices são 1, 2, ..., n e as arestas são listadas em ordem arbitrária.

Seja m o número de arestas do grafo e adote o par (n,m) como tamanho de uma instância do problema. Podemos supor que uma execução de qualquer das linhas do algoritmo consome tempo que não depende de n nem de m. A linha 2 é executada n vezes. A linha 4 é executada m vezes. A linha 12 é executada n vezes. O bloco de linhas 6-9 é repetido m vezes. Assim, o consumo de tempo total do algoritmo está em

$$\Theta(n+m)$$
,

tanto no pior quanto no melhor caso. O algoritmo é, portanto, linear.

12.4 Comentários sobre o método primal-dual

O algoritmo COBERTURABARATA é o resultado da aplicação do **método primal-dual** de concepção de algoritmos. O primeiro passo do método (omitido acima) é escrever um programa linear que represente o problema. As variáveis duais do programa linear são as variáveis y do nosso algoritmo. A relação (12.1) é uma manifestação da dualidade de programação linear. (Veja o meu material [6] sobre o assunto.)

Os algoritmos do tipo primal-dual têm um certo caráter "guloso". No algoritmo COBERTURABARATA, por exemplo, as arestas são examinadas em ordem arbitrária e as linhas 8-9 do algoritmo aumentam o valor de x_p e x_q — o que torna mais provável a inclusão de p e q em X — o máximo possível sem se preocupar com o objetivo global de minimizar o custo da cobertura X.

Exercício

12.2 Considere as instâncias do Problema da Cobertura em que todos os vértices têm o mesmo custo. Dê um algoritmo de aproximação para essas instâncias que seja mais simples que COBERTURABARATA. O seu algoritmo deve produzir uma cobertura de tamanho não superior ao dobro do ótimo.

12.5 Instâncias especiais do problema

Um grafo é **bipartido** se seu conjunto de vértices admite uma bipartição (U, W) tal que toda aresta tem uma ponta em U e outra em W. (Portanto, U e W são coberturas.)

Existe um algoritmo muito elegante e eficiente para o Problema da Cobertura restrito a grafos bipartidos. (Veja a Seção 22.4 do livro de Sedgewick [19], por exemplo.) O algoritmo consome $\Theta(nm)$ unidades de tempo no pior caso, sendo n o número de vértices e m o número de arestas do grafo.

Notas bibliográficas

Este capítulo foi baseado no livro de Kleinberg e Tardos [10].

Conjuntos independentes em grafos

Considere a relação amigo—de entre os usuários de um *site* de relacionamentos. Queremos encontrar um conjunto máximo de usuários que sejam amigos dois a dois.

Um problema da mesma natureza (mas computacionalmente mais fácil) já foi estudado no Capítulo 8: encontrar um conjunto máximo de intervalos dois a dois compatíveis.

13.1 O problema

Um conjunto I de vértices de um grafo é **independente** se seus elementos são dois a dois não vizinhos, ou seja, se nenhuma aresta do grafo tem ambas as pontas em I. Um conjunto independente I é **máximo** se não existe um conjunto independente I' tal que |I'| > |I|.

Problema do Conjunto Independente: Encontrar um conjunto independente máximo num grafo dado.

Conjuntos independentes são os complementos das coberturas (veja o Capítulo 12). De fato, em qualquer grafo (V,A), se I é um conjunto independente então V-I é uma cobertura. Reciprocamente, se C é uma cobertura então V-C é um conjunto independente. Portanto, encontrar um conjunto independente máximo é computacionalmente equivalente a encontrar uma cobertura mínima. Não se conhecem bons algoritmos para esses problemas.

Apesar da relação de complementaridade, algoritmos de aproximação para o Problema da Cobertura (como o que discutimos na Seção 12.3) não podem ser convertidos em algoritmos de aproximação para o Problema do Conjunto Independente. De fato, se uma cobertura mínima num grafo de n vértices tiver apenas 100 vértices e se nosso algoritmo de aproximação obtiver uma cobertura com 199 vértices, o correspondente conjunto independente terá n-199 vértices. Mas este número não é menor que uma percentagem fixa do tamanho de um conjunto independente máximo.

Discutiremos a seguir um algoritmo probabilístico muito simples, que fornece um conjunto independente de tamanho *esperado* razoavelmente grande, embora modesto.

Exercício

- 13.1 Mostre que o problema dos intervalos compatíveis discutido no Capítulo 8 é um caso especial (ou seja, uma coleção de instâncias) do problema do conjunto independente.
- 13.2 Um conjunto independente I em um grafo é **maximal** se não existe um conjunto independente I' no grafo tal que $I' \supset I$. Mostre que um conjunto independente maximal pode ser arbitrariamente menor que um conjunto independente máximo.

13.2 Algoritmo probabilístico

Convém lembrar que todo grafo com n vértices tem entre 0 e $\binom{n}{2}$ arestas. Portanto, se m é o número de arestas então $0 \le 2m \le n^2 - n$. O algoritmo que discutiremos a seguir produz um conjunto independente I cujo tamanho esperado é

$$n^2/4m$$
.

O resultado é intuitivamente razoável: quanto mais denso o grafo, ou seja, quanto mais próximo m de n^2 , menor o tamanho esperado de I.

Figura 13.1: Comparação entre o número m de arestas e o tamanho esperado do conjunto independente produzido pelo algoritmo CONJINDEPENDENTE.

O algoritmo recebe um grafo com vértices 1, 2, ..., n e conjunto A de arestas e devolve um conjunto independente I tal que

- $|I| \ge n/2$ se $m \le n/2$ e
- $\mathbb{E}[|I|] \ge n^2/4m$ se m > n/2,

sendo m:=|A|. A expressão $\mathbb{E}[x]$ denota o valor esperado de x.

```
CONJINDEPENDENTE (n, A)
     para i \leftarrow 1 até n faça
 2
          X[i] \leftarrow 1
 3
     m \leftarrow |A|
     se 2m > n
 5
          então para i \leftarrow 1 até n faça
 6
                      r \leftarrow \text{RANDOM} (2m-1)
 7
                      se r < 2m - n
 8
                           então X[i] \leftarrow 0
 9
      para cada ij em A faça
10
           se X[i] = 1 e X[j] = 1
11
               então X[i] \leftarrow 0
12
      devolva X[1...n]
```

O conjunto independente que o algoritmo devolve é representado pelo vetor booleano X indexado pelos vértices: i pertence ao conjunto independente se e somente se X[i] = 1.

A rotina RANDOM é um gerador de números aleatórios. Com argumento U, ela produz um número natural uniformemente distribuído no conjunto $\{0,1,2\ldots,U\}$. (É muito difícil obter números verdadeiramente aleatórios, mas existem bons algoritmos para gerar números pseudoaleatórios.)

O algoritmo está correto. O algoritmo tem duas fases. Na primeira fase (linhas 1-8), o algoritmo elimina vértices até que sobre um conjunto W. Se $m \le n/2$, W é o conjunto de todos os vértices. Caso contrário, os vértices são eliminados com probabilidade 1-n/2m, ou seja, permanecem em W na proporção de n em cada 2m. (Se m=10n, por exemplo, sobra 1 vértice em cada 20. Se $m=\frac{1}{2}n\sqrt{n}$, sobra 1 em cada \sqrt{n} . Se $m=n^2/4$, sobram cerca de 2 vértices apenas.)

É fácil determinar o tamanho esperado de W uma vez que cada um dos n vértices fica em W com probabilidade n/2m. Se w := |W| então

$$\mathbb{E}[w] = n \, \frac{n}{2m} = \frac{n^2}{2m} \, .$$

Considere agora o conjunto B das arestas que têm ambas as pontas em W. Como o grafo tem m arestas e a probabilidade de uma ponta de aresta ficar em W é n/2m, temos

$$\mathbb{E}[b] = m \left(\frac{n}{2m}\right)^2 = \frac{n^2}{4m} \,,$$

sendo b := |B|.

Na segunda fase (linhas 9-11), o algoritmo elimina vértices de W de modo que o conjunto restante I seja independente. Esta segunda fase do algoritmo remove no máximo b vértices e portanto o tamanho esperado de I é

$$\mathbb{E}[|I|] \ge \mathbb{E}[w] - \mathbb{E}[b] = \frac{n^2}{2m} - \frac{n^2}{4m} = \frac{n^2}{4m}.$$

Se executarmos o algoritmo um bom número de vezes e escolhermos o maior dos conjuntos independentes que resultar, temos uma boa chance de obter um conjunto independente de tamanho não menor que $n^2/4m$.

Consumo de tempo. O algoritmo é linear. É razoável supor que cada execução da rotina RANDOM consome tempo independente de n e de m. Assim, o algoritmo consome

$$\Theta(n+m)$$

unidades de tempo, sendo $\Theta(n)$ unidades na primeira fase e $\Theta(m)$ unidades na segunda.

13.3 Comentários sobre algoritmos probabilísticos

Diz-se que um algoritmo é **probabilístico** ou **aleatorizado** se usa números aleatórios. Cada execução de um tal algoritmo dá uma resposta diferente e o algoritmo promete que o valor esperado da resposta é suficientemente bom. Em geral, o algoritmo é executado muitas vezes e o usuário escolhe a melhor das respostas.

Alguns algoritmos (não é o caso do algoritmo CONJINDEPENDENTE acima) prometem também que a resposta fornecida está próxima do valor esperado com alta probabilidade.

Os algoritmos probabilísticos ignoram, em geral, a estrutura e as peculiaridades da instância que estão resolvendo. Mesmo assim, surpreendentemente, muitos algoritmos probabilísticos produzem resultados bastante úteis.

Notas bibliográficas

O algoritmo deste capítulo é descrito, por exemplo, no livro de Mitzenmacher e Upfal [15]. Sobre algoritmos aleatorizados em geral, veja o verbete *Randomized algorithm* na Wikipedia.

Busca em largura num grafo

Considere a relação amigo—de entre os usuários de uma rede social. Digamos que dois usuários A e B estão ligados se existe uma sucessão de amigos que leva de A a B.

Suponha que queremos determinar todos os usuários ligados a um dado usuário. A melhor maneira de resolver esse problema é fazer uma busca num grafo (veja a Seção 12.1).

14.1 O problema do componente

Um **caminho** em um grafo é qualquer sequência $(i_1, i_2, ..., i_q)$ de vértices tal que cada i_p é vizinho de i_{p-1} para todo $p \ge 2$. Dizemos que um vértice está **ligado** a outro se existe um caminho que começa no primeiro e termina no segundo. O conjunto de todos os vértices ligados a um vértice v é o **componente** (do grafo) **que contém** v.

Problema do Componente: Dado um vértice v de um grafo, encontrar o conjunto de todos os vértices ligados a v.

Este é um dos mais básicos e corriqueiros problemas sobre grafos.

14.2 Busca em largura: versão preliminar

Usaremos a estratégia da "busca em largura" para resolver o problema. Começaremos por escrever uma versão preliminar do algoritmo, em alto nível de abstração.

Dizemos que dois vértices i e j são **vizinhos** se ij é uma aresta. A **vizinhança** de um vértice i é o conjunto de todos os vizinhos de i e será denotada por Z(i).

O seguinte algoritmo recebe um vértice v de um grafo representado por seu conjunto V de vértices e suas vizinhanças Z(i), $i \in V$, e devolve o conjunto de todos os vértices ligados a v.

```
COMPONENTE PRELIM (V, Z, v)
 1 P \leftarrow \emptyset
 2
     C \leftarrow \{v\}
 3
     enquanto C \neq \emptyset faça
 4
          seja i um elemento de C
 5
          para cada j em Z(i) faça
 6
               se j \notin C \cup P
 7
                    então C \leftarrow C \cup \{j\}
 8
          C \leftarrow C - \{i\}
 9
           P \leftarrow P \cup \{i\}
10
     devolva P
```

Você pode imaginar que os vértices em P são pretos, os vértices em C são cinza e todos os demais são brancos. Um vértice é branco enquanto não tiver sido visitado. Ao ser visitado, o vértice fica cinza e assim permanece enquanto todos os seus vizinhos não tiverem sido visitados. Quando todos os vizinhos forem visitados, o vértice fica preto.

O algoritmo está correto. Considere o processo iterativo no bloco de linhas 3-9. A cada passagem pela linha 3, imediatamente antes da comparação de C com \emptyset , temos os seguintes invariantes:

```
i. P\cap C=\emptyset,   
ii. v\in P\cup C,   
iii. todo vértice em P\cup C está ligado a v e
```

iv. toda aresta com uma ponta em P tem a outra ponta em $P \cup C$.

É evidente que estas propriedades valem no início da primeira iteração. Suponha agora que elas valem no início de uma iteração qualquer. É claro que i e ii continuam valendo no início da próxima iteração. No caso do invariante iii, basta verificar que os vértices acrescentados a $P \cup C$ durante esta iteração estão todos ligados a v. Para isso, é suficiente observar que i está ligado a v (invariante iii) e portanto todos os vértices em Z(i) também estão ligados a v.

Finalmente, considere o invariante iv. Por um lado, o único vértice acrescentado a P durante a iteração corrente é i. Por outro lado, ao final da iteração, todos os vizinhos de i estão em $P \cup C$. Assim, o invariante iv continua válido no início da próxima iteração.

No fim do processo iterativo, C está vazio. De acordo com os invariantes ii e iv, todos os vértices de qualquer caminho que começa em v estão em P. Reciprocamente, todo vértice em P está ligado a v, de acordo com invariante iii. Portanto, P é o conjunto de vértices ligados a v. Assim, ao devolver P, o algoritmo cumpre o que prometeu.

Consumo de tempo. Não há como discutir o consumo de tempo do algoritmo de maneira precisa, pois não especificamos estruturas de dados que representem as vizinhanças Z(i) e os conjuntos P e C.

Podemos garantir, entretanto, que a execução do algoritmo termina depois de não mais que |V| iterações do bloco de linhas 4-9. De fato, no decorrer da execução do algoritmo, cada vértice entra em C (linha 7) no máximo uma vez, faz o papel de i na linha 4 no máximo uma vez, é transferido de C para P (linhas 8 e 9) e portanto nunca mais entra em C. Assim, o número de iterações não passa de |V|.

Exercícios

- 14.1 Um grafo é **conexo** se seus vértices estão ligados dois a dois. Escreva um algoritmo que decida se um grafo é conexo.
- 14.2 Escreva um algoritmo que calcule o número de componentes de um grafo.

14.3 Busca em largura: versão mais concreta

Podemos tratar agora de uma versão mais concreta do algoritmo COMPONENTEPRE-LIM, que adota estruturas de dados apropriadas para representar os vários conjuntos de vértices.

Suponha que os vértices do grafo são 1, 2, ..., n. As vizinhanças dos vértices serão representadas por uma matriz Z com linhas indexadas pelos vértices e colunas indexadas por 1, 2, ..., n-1. Os vizinhos de um vértice i serão

$$Z[i,1], Z[i,2], \ldots, Z[i,g[i]],$$

onde g[i] é o **grau** de i, ou seja, o número de vizinhos de i. (Na prática, usam-se listas encadeadas para representar essas vizinhanças.) Observe que cada aresta ij aparece exatamente duas vezes nesta representação: uma vez na linha i da matriz Z e outra vez na linha j.

Os conjuntos P e C da seção anterior serão representados por um vetor cor indexado pelos vértices: cor[i] valerá 2 se $i \in P$, valerá 1 se $i \in C$ e valerá 0 nos demais casos. O conjunto C terá também uma segunda representação: seus elementos ficarão armazenados num vetor $F[a\mathinner{.\,.} b]$, que funcionará como uma fila com início a e fim b. Isso permitirá implementar de maneira eficiente o teste " $C \neq \emptyset$ " na linha a de Componente representação: seus elementos ficarão armazenados num vetor a e fim a0.

O algoritmo recebe um grafo com vértices $1, 2, \ldots, n$, representado por seu vetor de graus g e sua matriz de vizinhos Z e recebe um vértice v. O algoritmo devolve um vetor $cor[1 \ldots n]$ que representa o conjunto de vértices ligados a v (os vértices do componente são os que têm cor(2)).

```
Componente (n, g, Z, v)
      para i \leftarrow 1 até n faça
 1
 2
            cor[i] \leftarrow 0
 3
      cor[v] \leftarrow 1
      a \leftarrow b \leftarrow 1
 5
      F[b] \leftarrow v
 6
      enquanto a \leq b faça
 7
            i \leftarrow F[a]
 8
           para h \leftarrow 1 até g[i] faça
 9
                 j \leftarrow Z[i, h]
10
                 se cor[j] = 0
                      então cor[j] \leftarrow 1
11
12
                                b \leftarrow b + 1
13
                                F[b] \leftarrow j
            cor[i] \leftarrow 2
14
15
            a \leftarrow a + 1
16
      devolva cor[1..n]
```

O algoritmo COMPONENTE está correto pois o código não faz mais que implementar o algoritmo COMPONENTEPRELIM, que já discutimos.

Consumo de tempo. Seja m o número de arestas do grafo. (Em termos dos parâmetros do algoritmo, m é $\frac{1}{2}\sum_{i=1}^n g[i]$.) Adotaremos o par (n,m) como medida do tamanho de uma instância do problema.

Podemos supor que uma execução de qualquer das linhas do algoritmo consome uma quantidade de tempo que não depende de n nem de m. A linha 7 é executada n vezes no pior caso, pois cada vértice do grafo faz o papel de i na linha 7 uma só vez ao longo da execução do algoritmo. (Segue daí, em particular, que $b \leq n$.) Para cada valor fixo de i, o bloco de linhas 9-13 é executado g[i] vezes. Segue dessas duas observações que, no pior caso, o processo iterativo nas linhas 6-15 consome tempo proporcional à soma

$$\sum_{i=1}^{n} g[i] ,$$

que vale 2m. O consumo desse processo iterativo está, portanto, em $\Theta(m)$ no pior caso.

Como o consumo de tempo das linhas 1-5 está em $\Theta(n)$, o consumo de tempo total do algoritmo está em

$$\Theta(n+m)$$

no pior caso. (No melhor caso, o vértice v não tem vizinhos e portanto o algoritmo consome apenas $\Theta(n)$ unidades de tempo.)

Exercício

14.3 Escreva um algoritmo que calcule um caminho de comprimento mínimo dentre os que ligam dois vértices dados de um grafo. (O comprimento de um caminho é o número de arestas do caminho.)

Busca em profundidade num grafo

Este capítulo trata de um segundo algoritmo para o problema estudado no capítulo anterior.

Problema do Componente: Dado um vértice v de um grafo, encontrar o conjunto de todos os vértices ligados a v.

O algoritmo que discutiremos a seguir usa a estratégia da "busca em profundidade". A importância do algoritmo transcende em muito o problema do componente. O algoritmo serve de modelo para soluções eficientes de vários problemas mais complexos, como o de calcular os componentes biconexos de um grafo, por exemplo.

15.1 Busca em profundidade

O seguinte algoritmo recebe um vértice v de um grafo e devolve o conjunto de todos os vértices ligados a v. O conjunto de vértices do grafo é $\{1, \ldots, n\}$ e o conjunto de arestas é representado pelas vizinhanças Z(p), já definidas na Seção 14.2.

```
COMPONENTE (n, Z, v)

1 para p \leftarrow 1 até n faça

2 cor[p] \leftarrow 0
```

3 BuscaemProfundidade (v)

4 devolva cor[1..n]

O vetor cor, indexado pelo vértices, representa a solução: um vértice p está ligado a v se e somente se cor[p]=2.

O algoritmo COMPONENTE é apenas uma "casca" que repassa o serviço para a rotina recursiva BUSCAEMPROFUNDIDADE. Do ponto de vista desta rotina, o grafo e o vetor *cor* são variáveis globais (a rotina pode, portanto, consultar e alterar o valor das variáveis).

```
BUSCAEMPROFUNDIDADE (p)
5 cor[p] \leftarrow 2
6 para cada q em Z(p) faça
7 se cor[q] = 0
8 então BUSCAEMPROFUNDIDADE (q)
```

O vetor cor só tem dois valores: 0 e 2. Diremos que um vértice p é branco se cor[p] = 0 e preto se cor[p] = 2. Diremos também que um caminho (veja Seção 14.1) é branco se todos os seus vértices são brancos. A rotina BUSCAEMPROFUNDIDADE pinta de preto alguns dos vértices que eram brancos. Assim, um caminho que era branco quando a rotina foi invocada pode deixar de ser branco durante a execução da rotina.

Podemos dizer agora o que a rotina BUSCAEMPROFUNDIDADE faz. Ela recebe um vértice branco p — que é vizinho de um vértice preto a menos que seja igual a v — e pinta de preto todos os vértices que estejam ligados a p por um caminho branco. (A rotina não altera as cores dos demais vértices.)

Agora que deixamos claro o problema que a rotina BUSCAEMPROFUNDIDADE resolve, é importante adotar uma boa definição de tamanho das instâncias desse problema. O número de vértices e arestas do grafo não dá uma boa medida do tamanho da instância, pois a rotina ignora boa parte do grafo. É bem mais apropriado dizer que o tamanho da instância é o número

$$\sum_{x \in X} g(x) , \qquad (15.1)$$

onde X é o conjunto dos vértices ligados a p por caminhos brancos e g(x):=|Z(x)| é o grau do vértice x.

A rotina está correta. A prova da correção da rotina BUSCAEMPROFUNDIDADE é uma indução no tamanho da instância. Se o tamanho for 0, o vértice p não tem vizinhos. Se o tamanho for 1, o único vértice em Z(p) é preto. Em qualquer desses casos, a rotina cumpre o que prometeu.

Suponha agora que o tamanho da instância é maior que 1. Seja B o conjunto de vértices brancos no início da execução da rotina e seja X o conjunto dos vértices ligados a p em B. Queremos mostrar que no fim do processo iterativo descrito nas linhas 6-8 o conjunto dos vértices brancos é B-X.

Sejam q_1, q_2, \ldots, q_k os elementos de Z(p) na ordem em que eles serão examinados na linha 6. Para $j=1,2,\ldots,k$, seja Y_j o conjunto dos vértices ligados a q_j em $B-\{p\}$. É claro que $X=\{p\}\cup Y_1\cup\cdots\cup Y_k$.

Se $Y_i \cap Y_j \neq \emptyset$ então $Y_i = Y_j$. De fato, se Y_i e Y_j têm um vértice em comum então existe um caminho em $B - \{p\}$ com origem q_i e término em Y_j . Portanto também existe um caminho em $B - \{p\}$ de q_i a q_j , donde $q_j \in Y_i$. Segue daí que $Y_j \subseteq Y_i$. Um raciocínio análogo mostra que $Y_i \subseteq Y_j$.

O processo iterativo descrito nas linhas 6-8 pode ser reescrito como

```
6 para j \leftarrow 1 até k faça
7 se cor[q_j] = 0
8 então BUSCAEMPROFUNDIDADE (q_j)
```

e isso permite formular o seguinte invariante: a cada passagem pela linha 6,

o conjunto dos vértices brancos é
$$B - (\{p\} \cup Y_1 \cup \cdots \cup Y_{j-1})$$
. (15.2)

Esta propriedade certamente vale no início da primeira iteração. Suponha agora que ela vale no início de uma iteração qualquer. Se tivermos $Y_j = Y_i$ para algum i entre 1 e j-1 então, no início desta iteração, todos os vértices em Y_j já são pretos e a linha 8 não é executada. Caso contrário, Y_j é disjunto de $Y_1 \cup \cdots \cup Y_{j-1}$ e portanto todos os vértices em Y_j estão ligados a q_j por caminhos em $B - \left(\{p\} \cup Y_1 \cup \cdots \cup Y_{j-1}\right)$. Como $\sum_{y \in Y_j} g(y)$ é menor que $\sum_{x \in X} g(x)$, podemos supor, por hipótese de indução, que a invocação de BUSCAEMPROFUNDIDADE na linha 8 com argumento q_j produz o resultado prometido. Assim, no fim desta iteração, o conjunto dos vértices brancos é $B - \left(\{p\} \cup Y_1 \cup \cdots \cup Y_j\right)$. Isto prova que (15.2) continua valendo no início da próxima iteração.

No fim do processo iterativo, o invariante (15.2) garante que o conjunto de vértices brancos é $B-\big(\{p\}\big)\cup Y_1\cup\cdots\cup Y_k\big)$, ou seja, B-X. Logo, BUSCAEMPROFUNDIDADE cumpre o que prometeu.

Consumo de tempo. A análise da correção da rotina BUSCAEMPROFUNDIDADE permite concluir que o consumo de tempo da rotina é proporcional ao tamanho, $\sum_{x \in X} g(x)$, da instância. Em particular, o consumo de tempo da linha 3 de COMPONENTE não passa de $\sum_{x \in V} g(x)$. Como esta soma é igual ao dobro do número de arestas do grafo, m, podemos dizer que a linha 3 de COMPONENTE consome

unidades de tempo. No pior caso, o consumo é $\Theta(m)$.

Se levarmos em conta o consumo de tempo das linhas 1-2 de COMPONENTE, teremos um consumo total de

$$\Theta(n+m)$$

unidades de tempo no pior caso.

Exercício

15.1 Escreva e analise uma versão não recursiva do algoritmo BUSCAEMPROFUNDIDADE.

Posfácio

O texto fez uma modesta introdução à Análise de Algoritmos usando material dos excelentes livros citados na bibliografia. Embora tenha tratado apenas de problemas e algoritmos muito simples, espero que este minicurso possa guiar o leitor que queira analisar os seus próprios algoritmos.

O tratamento de algoritmos probabilísticos foi muito superficial e muitos outros assuntos ficaram de fora por falta de espaço. Assim, não foi possível discutir a análise de tipos abstratos de dados, como filas de prioridades e estruturas *union/find*. A *análise amortizada* (muito útil para estimar o consumo de tempo dos algoritmos de fluxo em redes, por exemplo) foi igualmente ignorada. Finalmente, não foi possível mencionar a teoria da complexidade de problemas e a questão P=NP.

Bibliografia

- [1] J.L. Bentley. *Programming Pearls*. ACM Press, second edition, 2000. 9, 27, 31, 32, 36
- [2] G. Brassard and P. Bratley. *Fundamentals of Algorithmics*. Prentice Hall, 1996. 9, 22, 23, 42, 54, 58
- [3] T.H. Cormen, C.E. Leiserson, R.L. Rivest, and C. Stein. *Introduction to Algorithms*. MIT Press and McGraw-Hill, second edition, 2001. 9, 11, 22, 50, 54, 55, 59
- [4] S. Dasgupta, C.H. Papadimitriou, and U.V. Vazirani. *Algorithms*. McGraw-Hill, 2006. 42
- [5] A.C.P.L. de Carvalho and T. Kowaltowski, editors. Atualizações em Informática 2009. JAI (Jornadas de Atualização em Informática) da SBC (Sociedade Brasileira de Computação). PUC-Rio, 2009.
- [6] P. Feofiloff. Algoritmos de Programação Linear. Internet: http://www.ime.usp.br/~pf/prog-lin/, 1999–2009. 62
- [7] P. Feofiloff. Análise de Algoritmos. Internet: http://www.ime.usp.br/~pf/analise_de_algoritmos/, 1999–2009.
- [8] C.G. Fernandes, F.K. Miyazawa, M. Cerioli, and P. Feofiloff, editors. *Uma Introdução Sucinta a Algoritmos de Aproximação*. XXIII Colóquio Brasileiro de Matemática. IMPA (Instituto de Matemática Pura e Aplicada), Rio de Janeiro, 2001. 58
- [9] J. Hromkovič. Algorithmics for Hard Problems: Introduction to Combinatorial Optimization, Randomization, Approximation, and Heuristics. Springer, second edition, 2004.
- [10] J. Kleinberg and E. Tardos. Algorithm Design. Addison-Wesley, 2005. 9, 42, 46, 62
- [11] D.E. Knuth. *Seminumerical Algorithms*, volume 2 of *The Art of Computer Programming*. Addison-Wesley, third edition, 1997. 42
- [12] D.E. Knuth. *Selected Papers on Analysis of Algorithms*. CSLI Lecture Notes, no. 102. Center for the Study of Language and Information (CSLI), Stanford, CA, 2000. 9
- [13] D.E. Knuth. *The Art of Computer Programming*. Addison-Wesley, ca. 1973. Several volumes.

- [14] U. Manber. *Introduction to Algorithms: A Creative Approach*. Addison-Wesley, 1989. 9, 36
- [15] M. Mitzenmacher and E. Upfal. *Probability and Computing: Randomized Algorithms and Probabilistic Analysis*. Cambridge University Press, 2005. 66
- [16] R. Neapolitan and K. Naimipour. *Foundations of Algorithms*. Jones and Bartlett, second edition, 1998.
- [17] I. Parberry. *Problems on Algorithms*. Prentice Hall, 1995. 50
- [18] I. Parberry and W. Gasarch. *Problems on Algorithms*. Second edition, 2002. Internet: http://www.eng.unt.edu/ian/books/free/. 50
- [19] R. Sedgewick. *Algorithms in C, Part5: Graph Algorithms*. Addison-Wesley, third edition, 2000. 62
- [20] J.L. Szwarcfiter and L. Markenzon. *Estruturas de Dados e seus Algoritmos*. Livros Técnicos e Científicos, second edition, 1994.
- [21] N. Ziviani. *Projeto de Algoritmos (com implementações em Pascal e C)*. Thomson, second edition, 2004.

Índice remissivo

[x], 11, 12	em profundidade, <mark>71</mark>
$\lceil x \rceil$, 12	. 1 (
$\lg n$, 11	caminho (em grafo), 67
$\Omega()$, 14	cobertura (de grafo), 59
$\Theta()$, 15	compatíveis (intervalos), 43
N, 12	componente (de grafo), 67
N ^{>} , 12	conexo (grafo), 69
\mathbb{R} , 12	conjunto independente (em grafo), 63
R [≥] , 12	consumo de tempo, <mark>10</mark>
$\mathbb{R}^>$, 12	Cormen, 9, 11, 22, 50, 54, 55, 59
	correção (de algoritmo), 9
algoritmo, 9	crescente, 25
aleatorizado, <mark>66</mark>	
correto, 9	Dasgupta, 42
de aproximação, <mark>57</mark>	depth-first search, <mark>71</mark>
de Karatsuba, <mark>40</mark>	DFS, <mark>71</mark>
ene-log-ene, <mark>16</mark>	dígito, <mark>37</mark>
exponencial, <mark>16</mark>	dígitos (número de), <mark>37</mark>
guloso, 43, 44, 54	divisão e conquista, <mark>22, 26, 29, 42</mark>
linear, <mark>16</mark>	
Mergesort, 25	eficiência, <mark>10</mark>
polinomial, <mark>16</mark>	estrutura recursiva
primal-dual, <mark>62</mark>	de um problema, 11, 32, 44, 48, 51
probabilístico, <mark>66</mark>	G (11) 20
quadrático, <mark>16</mark>	firmeza (de vetor), 30
recursivo, 11, 25, 39, 44, 49, 52, 71	fortemente polinomial, 54
análise assintótica, 13	Gasarch, 50
aproximação (algoritmo de), 57	•
aresta (de grafo), 59	grafo, 59
assintoticamente não decrescente, 22	bipartido, 62
assintótico, 13	conexo, 69
•	grau de vértice, 69
Bentley, 9, 27, 31, 32, 36	guloso (algoritmo), 43, 44, 54
BFS, 67	indução matemática, <mark>11, 14, 18, 25</mark>
Brassard, 9, 22, 23, 42, 54, 58	instância de problema, 9
Bratley, 9, 22, 23, 42, 54, 58	intercalação de vetores, 25, 26
breadth-first search, 67	intervalo, 43
bucket sort, 33	•
busca	invariante, 28, 31, 35, 49, 50, 53, 61, 68, 73
em largura, <mark>67</mark>	Karatsuba, 40

Kleinberg, 9, 42, 46, 62 Knuth, 9, 42 Leiserson, 9 lg n, 12 log, 11	programação linear, 62 proporcional, 15 prova por contradição, 13, 15 indução matemática, 11, 14, 18, 25
maioria, 33 majoritário, 33 Manber, 9, 36 maximal, 64 melhor caso, 10 Mergesort, 25 minimal, 60 mínimo, 60 Mitzenmacher, 66 mochila de valor máximo, 51 de valor quase máximo, 55	R, 12 R≥, 12 R>, 12 recorrência, 17 recursão, 11 recursivo (algoritmo), 11, 25, 39, 44, 49, 52, 71 Rivest, 9 Sedgewick, 62 segmento (de vetor), 27 solidez (de vetor), 27 Stein, 9 suficientemente grande, 13
multiplicação de números, 37 N, 12 N³, 12 não decrescente, 22 notação O grande, 13 Ômega grande, 14 Teta grande, 15 NP-difícil, 54, 55, 59 número de dígitos, 37 números naturais, 12 reais, 12	svvm, 44 $\Theta(\)$, 15 tamanho de instância, 10 Tardos, 9, 42, 46, 62 tem n dígitos, 37 tempo (consumo de), 10 teorema mestre, 22 Teta (Θ) grande, 15 teto de número, 12 unidade de tempo, 10, 16 Upfal, 66 valor específico, 55
O(), 13 $\Omega()$, 14 O grande, 13 \hat{O} mega (Ω) grande, 14 Ofman, 42 palavra, 47 Papadimitriou, 42 parágrafo, 47 Parberry, 50 pen drive, 54 pior caso, 10 piso de logaritmo, 11	valor majoritário, 33 Vazirani, 42 vértice (de grafo), 59 vetor crescente, 25 viável, 43, 51, 55 vizinhos (vértices), 67
piso de número, 11, 12 pontas (de aresta), 59 primal-dual, 62 problema, 9 programação dinâmica, 30, 32, 44, 49, 52	