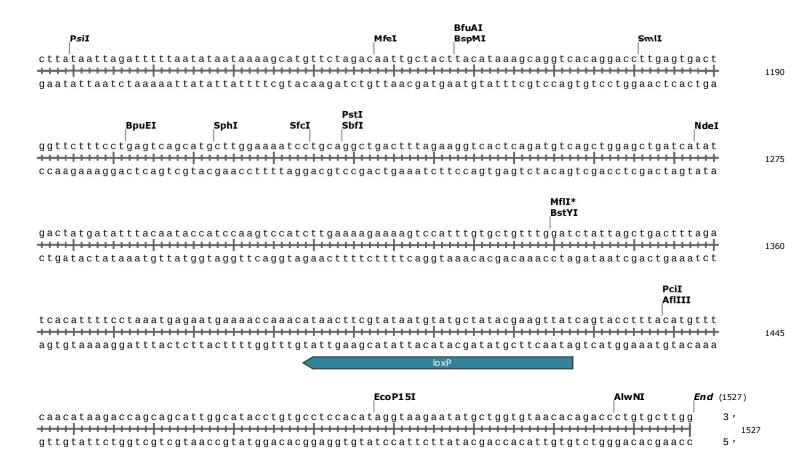
5 '

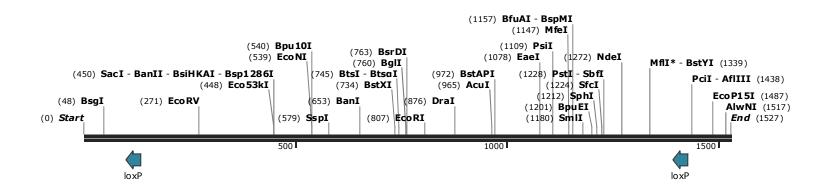
3 '

Start (0) BsgI 85 cacaaggtccctgtgataacttcgtataatgtatgctatacgaagttattgataacacagactcatcaacatgcacagaaaagct 170 255 **EcoRV** actcaaattcaaagat atctttgtttctttcagctttgtataatgtaagttaaaatcacatttgaaatgcaaatggaaaaagcaa 340 tgagtttaagtttctatagaaacaaagaaagtcgaaacatattacattcaattttagtgtaaactttacgtttacctttttcgttttttcttttatcattctattttctctttttcttccttgcagaaagtactctcatggtagttcgttgctttaattactcgattact 425 aaaagaaaatagtaagataaaagagaaaaaagaaggaacgtctttcatgagagtaccatcaagcaacgaaattaatgagctaatgaSacI BanII **BsiHKAI** Eco 53kI Bsp1286I gtgaaacaaatcttggtgtggag[']ct[']ctagagacatcagatagtgggggcataagctctgagactccagacgtaaagtttggatga cactttgtttagaaccacctcgagatctctgtagtctatcacccccgtattcgagactctgaggtctgcatttcaaacctactEco NI Bpu 10I atagagttgtgaaattgcccttttccttgc'taaggatgagaggtggagaggtagaaaaggcacacaaat'attgactcactgaaat 595 tatctcaacactttaacgggaaaaggaacgattcctactctccacctctccatcttttccgtgtgtttataactgagtgactttataacttcaactttaactgagtgactttaacttcaacttatttctctgagatgtagaaagattccataaattattggtgacttggtggtgatctagtggtgccaagagtgtgtttgaacctgaca 680 ${\tt aaagagactctacatctttctaaaggtatttaataaccactgaaccaccactagatcaccacggttctcacacaaacttggactgt}$ BtsI BstXI **BtsaI BgII BsrDI** agacat caact gtgcctcataaaat at gttgcaggactaactacgacc ATG agattggcagtgatttgcttttgcctgtttggcagtgatttgctttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgctttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgctttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgctttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgcttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgcttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgctttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgctttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgctgcagtgcagtgatttgctttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgcagtgcagtgatttgcagtgcagtgatttgctgcagtgatttgctttttgcctgttttgccagtgcagtgatttgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgcagtgatttgatttgcagtgatttgatttgcagtgatttgatttgcagtgatttgatttgcagtgatttgatttgcagtgattgattgattgatttgatttgatttga**EcoRI** 850 aacggaggagggagggccactcatgtcgacttagaatctctctttaagaacttttgtttacttaaaaatcgaaatcgtgtgagtgtggcatttccttgtcacttttctgttttaaaggtgaaagtgactgattctggcagctcagaggagaaggtaagcacctccgggttga 935 cgtaaaggaacagtgaaaagacaaaatttccactttcactgactaagaccgtcgagtctcctcttccattcgtggaggcccaact**BstAPI** AcuI tcatttaactgaagaatgttcgccagcgtc[']gcaaagg[']ttgctaggaacagcaatttttttgttgccattttattcatctatataat 1020 agta a att gacttet taca age ggt ege age gtt te caae gate ett gt egt taaaaaaacaae ggt aaaa taagt agat at att age gebruik and gate gebruik age gebruik ag gebruik agtagacctgagtatttcaaagtacttactatgtattttagacagagacagtaccaaatc ggccattgtttttaataaacagattct 1105



Sequence: Spp1floxed ssDNA sequence.dna (Linear / 1527 bp) Enzymes: Unique 6+ Cutters (38 of 678 total)

Unique Cutters **Bold** Features:



Spp1floxed ssDNA sequence 1527 bp

Printed from SnapGene®: Oct 6, 2023 2:36 PM