การสร้างตัวแบบพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกด้วยชุดข้อมูลอนุกรมเวลา กรณีศึกษาเขตสุขภาพที่ 12 ประเทศไทย

Developing a Forecasting Model for Dengue Fever Incidence Using Time Series Data :

A Case Study of Health District 12, Thailand.

นางสาวรัตติฟา กาสา 1 , นายมะรุสดี ยูโซ๊ะ 2* , นายวฟิคอิสมาอีล นุ้ยผอม 3 , นางสาววารีซ อดุลยศาสน์ 4

โรงเรียนสาธิตวิทยาการอิสลาม มหาวิทยาลัยสงขลานครินทร์ ตำบลรูสะมิแล อำเภอเมือง จังหวัดปัตตานี 94000 E-mail : marusdee.y@psu.ac.th

บทคัดย่อภาษาไทย

ในช่วงระยะเวลาหลายปีที่ผ่านมาประเทศไทยมีรายงานการระบาดของโรคไข้เลือดออกอย่างต่อเนื่อง ในงานวิจัยนี้ สนใจศึกษาจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกของเขตสุขภาพที่ 12 ซึ่งประกอบไปด้วยจังหวัดสงขลา สดูล ตรัง พัทลุง ปัตตานี ยะลาและนราธิวาส โดยมีวัตถุประสงค์เพื่อสร้างตัวแบบพยากรณ์สำหรับชุดข้อมูลจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกด้วยชุดข้อมูล อนุกรมเวลาตั้งแต่ปี พ.ศ. 2558-2566 และได้แบ่งสัดส่วนข้อมูลออกเป็น 2 ส่วน ได้แก่ ชุดสอน (Training Set) และชุด ทดสอบ (Testing Set) โดยแบ่งอัตราส่วนเป็น 60:40 70:30 80:20 และ 90:10 ซึ่งได้ศึกษาวิธีการสร้างตัวแบบพยากรณ์ 2 วิธี ได้แก่ วิธีบอกซ์-เจนกินส์และเทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม โดยตัวแบบพยากรณ์ที่เหมาะสมจะพิจารณาจากค่าวัดความ ถูกต้อง 3 ค่า ได้แก่ ค่าความคลาดเคลื่อนกำลังสองเฉลี่ย (Mean Square Error: MSE) ค่ารากที่สองของค่าความเคลื่อนกำลัง สองเฉลี่ย (Root Mean Square Error: RMSE) และค่าเปอร์เซ็นต์ความคลาดเคลื่อนสัมบูรณ์เฉลี่ย (Mean Absolute Percentage Error: MAPE) ที่ต่ำที่สุด รวมทั้งพิจารณาค่า R² เพื่อประเมิณประสิทธิภาพของตัวแบบพยากรณ์ ผลการวิจัย พบว่า เทคนิคโครงข่ายประสาทเทียมเป็นวิธีที่เหมาะสมที่สุดสำหรับการสร้างตัวแบบพยากรณ์โดยตัวแบบ ANN ในอัตราส่วน 90:10 เป็นตัวแบบที่เหมาะสมที่สุดสำหรับการพยากรณ์ข้อมูลในอนาคต โดยให้ค่าวัดความถูกต้องทั้ง 3 ค่าต่ำที่สุด ได้แก่ MSE เท่ากับ 172,260 RMSE เท่ากับ 415.0422 และ MAPE เท่ากับ 61.43141 ตามลำดับ และจากการวัดค่า R² พบว่าตัวแบบ ดังกล่าวให้ค่า R² เท่ากับ 0.8419645

คำสำคัญ: อนุกรมเวลา เทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม วิธีบอกซ์-เจนกินส์

Developing a Forecasting Model for Dengue Fever Incidence Using Time Series

Data: A Case Study of Health District 12, Thailand.

Rattifa Kasa¹, Marusdee Yusoh^{2*}, Wafeeqismail Noipom³, Vrees Adulyasas⁴

Islamic Science Demonstration School, Faculty of Islamic Science, Prince of Songkhla University

Pattani Campus, Pattani 94000

ABSTRACT

In recent years, Thailand has experienced continuous outbreaks of dengue fever. This study focuses on the number of dengue fever patients under the investigation of Health Region 12, which comprises the provinces of Songkhla, Satun, Trang, Phatthalung, Pattani, Yala, and Narathiwat. The objective is to develop trend equations and forecasting models for the dataset of dengue fever patients from the years 2015 to 2022. The data is split into two segments, a testing set and a training set with a ratio of 60:40 70:30 80:20 and 90:10 Two forecasting methods were studied, including Box-Jenkins Method and Artificial Neural Network (ANN) technique. The suitability of trend equations and forecasting models is evaluated based on three accuracy metrics: Mean Absolute Percentage Error (MAPE), Mean Squared Error (MSE), and Root Mean Squared Error (RMSE). Moreover, the R² value is considered to evaluate the effectiveness of the forecasting model. The research findings indicate that the ANN technique is the most suitable for developing forecasting models, with the ANN model in the ratio of 90:10 proving to be the most optimal choice for future data prediction. The models exhibit the lowest values for all three-accuracy metrics, with MSE at 172,260, RMSE at 415.0422 and MAPE at 61.43141 and the model yielded an R² value of 0.8419645.

Keywords: Time series Artificial Neural Network Box-Jenkins

ความสำคัญและที่มาของงานวิจัย

ในปัจจุบันโรคไข้เลือดออกเป็นปัญหาทางด้านสาธารณสุขมากที่สุดปัญหาหนึ่งสำหรับประเทศในเขตร้อนชื้น โดยทั่วไปจะระบาดในฤดูฝน อีกทั้งประเทศไทยมีรายงานการระบาดของโรคไข้เลือดออกมานานกว่า 50 ปี (พีระ สมบัติดีและ คณะ, 2558) โดยโรคไข้เลือดออกเป็นโรคที่เกิดจากการติดเชื้อไวรัสเดงกี (Dengue virus) ซึ่งมียุงลายเป็นพาหะนำโรค จาก การรายงานของกรมควบคุมโรคพบว่าตั้งแต่ต้นปี 2566 จนถึงปลายปี (13 ธันวาคม 2566) พบผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกแล้วรวม 147,412 ราย อีกทั้งพบจำนวนผู้เสียชีวิตจากโรคนี้แล้ว 174 รายจาก 57 จังหวัด อีกทั้งยังพบว่าจำนวนผู้ป่วยไข้เลือดออก สะสมในเขตสุขภาพที่ 12 ซึ่งประกอบไปด้วยจังหวัดสงขลา สตูล ตรัง พัทลุง ปัตตานี ยะลาและนราธิวาส มีแนวโน้มเพิ่มขึ้น

อย่างต่อเนื่อง จากการสำรวจค่าดัชนีลูกน้ำยุงลายในโปรแกรมทันระบาด พบว่าในเขตสุขภาพที่ 12 มีค่า HI = 24.11%, CI = 9.91% ซึ่งมีค่าสูงกว่าเกณฑ์มาตรฐานที่กำหนด แสดงให้เห็นว่ามีพื้นที่เสี่ยงต่อการแพร่ระบาดของโรคติดต่อที่นำโดยยุงลาย เนื่องจากการดำเนินงานกำจัดแหล่งเพาะพันธุ์ ลูกน้ำยุงลายยังไม่เพียงพอ ไม่ดำเนินการต่อเนื่องสม่ำเสมอ และขาดความ ร่วมมือจากภาคประชาชนในการควบคุมแหล่งเพาะพันธุ์ลูกน้ำยุงลายในบ้านของตน จากรายงานพบว่าในปี 2565 มีจำนวน ผู้ป่วยสะสมถึง 8,479 คน และในปี 2566 พบว่ามีจำนวนผู้ป่วยสะสมถึง 10,630 ราย คิดเป็น 9.27 เท่า ของช่วงเวลาเดียวกัน ในปีที่ผ่านมา (กลุ่มยุทธศาสตร์ แผนงาน และเครือข่าย สำนักงานป้องกันควบคุมโรคที่ 12 จังหวัดสงขลา, 2566)

วิธีการพยากรณ์การเกิดโรคไข้เลือดออกเป็นวิธีการทางสถิติที่นำอนุกรมเวลามาศึกษาเพื่อหาตัวแบบที่เหมาะสมใน การอธิบายลักษณะการเคลื่อนไหวหรือผันแปรของข้อมูลในอดีต และนำตัวแบบที่ได้ไปใช้ในการพยากรณ์ข้อมูลต่อไปใน อนาคต โดยในช่วงปีที่ผ่านมามีนักวิจัยมากมายนำเสนอวิธีการและเปรียบเทียบตัวแบบทางคณิตศาสตร์และสถิติโดยใช้ข้อมูล อนุกรมเวลาเพื่อนำมาพยากรณ์การเกิดโรคต่างๆ ในปีพ.ศ.2558 วรางคณา กีรติวิบูลย์ ได้ทำการสร้างตัวแบบพยากรณ์ที่ เหมาะสมที่สุดสำหรับพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคปอดอักเสบในประเทศไทย โดยสร้างตัวแบบพยากรณ์ด้วยวิธีการทางสถิติ 3 วิธี ได้แก่ วิธีบอกซ์-เจนกินส์ วิธีปรับให้เรียบด้วยเส้นโค้งเลขชี้กำลังของวินเทอร์แบบบวก และวิธีการพยากรณ์รวม ผลการวิจัย พบว่า วิธีการพยากรณ์รวมเป็นวิธีที่มีความเหมาะสมกับอนุกรมเวลาชุดนี้มากที่สุด และในปีเดียวกันพิราวรรณ หนูเสนได้ ทำการศึกษางานวิจัยโดยมีวัตถุประสงค์เพื่อเปรียบเทียบเทคนิคการวิเคราะห์อนุกรมเวลาสำหรับปริมาณการผลิตน้ำมันดิบใน ประเทศไทย จึงได้ศึกษาวิธีพยากรณ์ 3 วิธี คือ วิธีแยกองค์ประกอบ วิธีบ๊อกซ์-เจนกินส์ และวิธีตัวแบบพยากรณ์เกรย์ ผลการวิจัยพบว่าการพยากรณ์ด้วยวิธีบ๊อกซ์-เจนกินน์เป็นวิธีที่เหมาะสมที่สุด และในปี พ.ศ. 2564 จิรโรจน์ ตอสะสุกุล ได้ทำ การหาแบบจำลองสำหรับการพยากรณ์การระบาดของโรคไข้เลือดออกเขตพื้นที่ในความรับผิดชอบของสำนักงานป้องกัน ควบคุมโรคที่ 2 จังหวัดพิษณุโลก โดยประยุกต์ใช้เทคนิคการทำเหมืองข้อมูล 4 วิธีได้แก่ วิธีต้นไม้ตัดสินใจ วิธีแบบเบย์ วิธี โครงข่ายประสาท และวิธีซัพพอร์ทเวกเตอร์แมชชีน ผลการวิจัยพบว่า วิธีต้นไม้ตัดสินใจเป็นเทคนิคในการสร้างแบบจำลอง สำหรับการพยากรณ์การระบาดของโรคไข้เลือดออกที่เหมาะสมที่สุด และในปี พ.ศ.2566 ปรีชา เครือโสมและคณะ ได้ศึกษา การสร้างตัวแบบพยากรณ์การแพร่ระบาดของโรคไข้เลือดออก โดยใช้เทคนิควิธีการพยากรณ์ที่มีความเหมาะสมกับรูปแบบ ข้อมูลด้วยทฤษฎีเกรย์ ผลการวิจัยพบว่า วิธีการของทฤษฎีเกรย์ ในระบบ GM (1,1) มีความเหมาะสมในการพยากรณ์จำนวนผู้ ติดเชื้อไข้เลือดออก

ผู้จัดทำวิจัยจึงสนใจศึกษาวิธีการพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออก เขตสุขภาพที่ 12 ประเทศไทย รวมทั้ง เปรียบเทียบตัวแบบพยากรณ์ที่เหมาะสมสำหรับข้อมูลอนุกรมเวลาชุดนี้ โดยได้ทำการศึกษาวิธีการพยากรณ์ 2 วิธี ได้แก่ วิธี บอกซ์-เจนกินส์และเทคนิคโครงข่ายประสาทเทียมเพื่อนำตัวแบบพยากรณ์ที่เหมาะสมที่สุดไปพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรค ไข้เลือดออก

ทบทวนวรรณกรรม

วิธีการพยากรณ์การเกิดโรคไข้เลือดออกเป็นวิธีการทางสถิติที่นำอนุกรมเวลามาศึกษาเพื่อหาตัวแบบที่เหมาะสมใน การอธิบายลักษณะการเคลื่อนไหวหรือผันแปรของข้อมูลในอดีต และนำตัวแบบที่ได้ไปใช้ในการพยากรณ์ข้อมูลต่อไปใน อนาคต โดยในช่วงปีที่ผ่านมามีนักวิจัยมากมายนำเสนอวิธีการและเปรียบเทียบตัวแบบทางคณิตศาสตร์และสถิติโดยใช้ข้อมูล อนุกรมเวลาเพื่อนำมาพยากรณ์การเกิดโรคต่างๆ ในปีพ.ศ.2558 วรางคณา กีรติวิบูลย์ ได้ทำการสร้างตัวแบบพยากรณ์ที่ เหมาะสมที่สุดสำหรับพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคปอดอักเสบในประเทศไทย โดยสร้างตัวแบบพยากรณ์ด้วยวิธีการทางสถิติ 3 วิธี ได้แก่ วิธีบอกซ์-เจนกินส์ วิธีปรับให้เรียบด้วยเส้นโค้งเลขซี้กำลังของวินเทอร์แบบบวก และวิธีการพยากรณ์รวม ผลการวิจัย พบว่า วิธีการพยากรณ์รวมเป็นวิธีที่มีความเหมาะสมกับอนุกรมเวลาชุดนี้มากที่สุด และในปีเดียวกันพิราวรรณ หนูเสนได้ ทำการศึกษางานวิจัยโดยมีวัตถุประสงค์เพื่อเปรียบเทียบเทคนิคการวิเคราะห์อนุกรมเวลาสำหรับปริมาณการผลิตน้ำมันดิบใน ประเทศไทย จึงได้ศึกษาวิธีพยากรณ์ 3 วิธี คือ วิธีแยกองค์ประกอบ วิธีบ็อกซ์-เจนกินส์ และวิธีตัวแบบพยากรณ์เกรย์ ผลการวิจัยพบว่าการพยากรณ์ด้วยวิธีบ็อกซ์-เจนกินน์เป็นวิธีที่เหมาะสมที่สุด และในปี พ.ศ. 2564 จิรโรจน์ ตอสะสุกุล ได้ทำ การหาแบบจำลองสำหรับการพยากรณ์การระบาดของโรคไข้เลือดออกเขตพื้นที่ในความรับผิดขอบของสำนักงานป้องกัน ควบคุมโรคที่ 2 จังหวัดพิษณุโลก โดยประยุกต์ใช้เทคนิคการทำเหมืองข้อมูล 4 วิธีได้แก่ วิธีต้นไม้ตัดสินใจ วิธีแบบเบย์ วิธี โครงข่ายประสาท และวิธีซัพพอร์ทเวกเตอร์แมชชีน ผลการวิจัยพบว่า วิธีต้นไม้ตัดสินใจเป็นเทคนิคในการสร้างแบบจำลอง สำหรับการพยากรณ์การระบาดของโรคไข้เลือดออกที่เหมาะสมที่สุด และในปี พ.ศ.2566 ปรีชา เครือโสมและคณะ ได้ศึกษา การสร้างตัวแบบพยากรณ์การแพร่ระบาดของโรคไข้เลือดออก โดยใช้เทคนิควิธีการพยากรณ์ที่มีความเหมาะสมกับรูปแบบ ข้อมูลด้วยทฤษฎีเกรย์ ผลการวิจัยพบว่า วิธีการของทฤษฎีเกรย์ ในระบบ GM (1,1) มีความเหมาะสมในการพยากรณ์จำนวนผู้ ติดเชื่อไข้เลือดออก

วัตถุประสงค์ของงานวิจัย

- 1) เพื่อสร้างตัวแบบพยากรณ์ที่เหมาะสมที่สุดสำหรับชุดข้อมูลจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออก ด้วยวิธีการแยกองค์ประกอบ วิธีบั อกซ์-เจนกินส์ วิธีการสุ่มป่าไม้และเทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม
- 2) เพื่อพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออก ด้วยตัวแบบพยากรณ์ที่เหมาะสมที่สุด

ขอบเขตของงานวิจัย

- 1) ฐานข้อมูลจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกรายใหม่เก็บเป็นอนุกรมเวลาแบบรายเดือน ตั้งแต่ปี พ.ศ.2558-2566 จากเว็บไซต์สำนักงานสาธารณสุข https://pnb.hdc.moph.go.th/hdc/main/index.php
- 2) ศึกษาและเปรียบเทียบวิธีการพยากรณ์ 2 แบบ ได้แก่ วิธีบอกซ์-เจนกินส์ และ เทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม

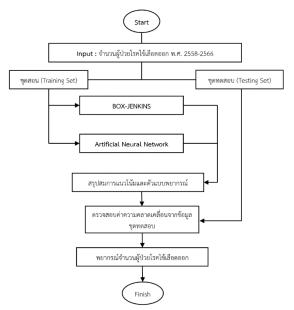
วิธีดำเนินการวิจัย

1. เครื่องมือที่ใช้ในการวิจัย

- 1.1 แล็ปท็อปหน่วยประมวลผลหลัก intel Core i5 การ์ดจอ (Geforce MX) RAM 8GB
- 1.2 .โปรแกรม R studio เวอร์ชั่น 2023.03.0-daily+82.pro2 ภาษา R เวอร์ชั่น 4.3.1 (Beagle Scouts)

2. วิธีการวิจัย

2.1 ชุดข้อมูล (Data set)



รูปที่ 1 : ภาพรวมแสดงกระบวนการของการสร้างสมการ
แนวโน้มและสร้างตัวแบบพยากรณ์

ฐานข้อมูลจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกเก็บเป็นอนุกรมเวลา แบบรายเดือน ตั้งแต่ปี พ.ศ.2558-2566 จากเว็บไซต์ สำนักงานสาธารณสุข https://pnb.hdc.moph.go.th/hdc/main/index.php ซึ่งมีข้อมูลรวมทั้งสิ้น 100 ข้อมูล โดยในงานวิจัยครั้งนี้ผู้วิจัย ได้แบ่งสัดส่วนข้อมูลออกเป็น 2 ส่วน ได้แก่ ชุดสอน (Training Set) และชุดทดสอบ (Testing Set) โดยแบ่ง อัตราส่วนเป็น 60:40 70:30 80:20 และ 90:10 โดยใช้ โปรแกรม R ในการวิเคราะห์ข้อมูล อีกทั้งผู้วิจัยได้เลือกใช้ วิธีการ 2 วิธี ได้แก่ วิธีบอกซ์-เจนกินส์ (Box-Jenkins)และ เทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม (Artificial Neural Network ; ANN) ซึ่งมีรายละเอียดของแต่ละขั้นตอนดังแสดงรูปภาพที่ 1 โดยเริ่มจากการนำเข้าข้อมูลจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออก และแบ่งข้อมูลดังกล่าวออกเป็นสองส่วน ได้แก่ ชุดสอน (Training Set) และชุดทดสอบ (Testing Set) น้ำชุดสอนไป สร้างตัวแบบพยากรณ์ 2 วิธี ได้แก่ วิธีบอกซ์-เจนกินส์และ เทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม และนำชุดทดสอบมา เปรียบเทียบประสิทธิภาพตัวแบบพยากรณ์จากค่าวัดความ ถูกต้อง 3 ค่า ได้แก่ ค่าความคลาดเคลื่อนกำลังสองเฉลี่ย (Mean Square Error: MSE) ค่ารากที่สองของค่าความ เคลื่อนกำลังสองเฉลี่ย (Root Mean Square Error: RMSE) และค่าเปอร์เซ็นต์ความคลาดเคลื่อนสัมบูรณ์เฉลี่ย (Mean Absolute Percentage Error: MAPE) ที่ ต่ำที่สุด รวมทั้ง พิจารณาค่า R² เพื่อประเมิณประสิทธิภาพของตัวแบบ พยากรณ์ และนำตัวแบบที่ดีที่สุดไปพยากรณ์จำนวนผู้ป่วย โรคไข้เลือดออก

2.2 วิธีการบ๊อกซ์-เจนกินส์ (Box-Jenkins)

วิธีบ๊อกซ์-เจนกินส์เป็นเทคนิคหนึ่งที่ได้รับการยอมรับใน การวิเคราะห์และพยากรณ์ข้อมูลช่วงเวลาโดยใช้ตัวแบบ พยากรณ์ Autoregressive Moving Average (ARMA) และ Autoregressive Integrate Moving Average (ARIMA) ซึ่ง จะอยู่ในรูปของ ARMA(p,q) หรือ ARIMA(p,d,q)

1. AR(p): Autoregressive

2. I(d): Integrated

3. MA(q): Moving average

ขั้นตอนการสร้างตัวแบบพยากรณ์โดยวิธีบ๊อกซ์-เจนกินส์มี 3 ขั้นตอน ได้แก่

1) การทดสอบความคงที่ของอนุกรมเวลา

พิจารณาจากพังก์ ซันสหสัมพันธ์ในตัว (Autocorrelation Function ; ACF) และ พังก์ ซันสหสัมพันธ์ในตัวบางส่วน (Partial Autocorrelation Function ; PACF) ของอนุกรมเวลาหากพบว่าอนุกรมเวลา ไม่คงที่(Non-stationary)ต้องทำการแปลงอนุกรมเวลาให้ คงที่ด้วยการหาผลต่าง (Difference) การทำให้อนุกรมเวลา คงที่ด้วยวิธีดังกล่าวจะได้ค่า I(d) ซึ่งคือจำนวนครั้งของ การหาผลต่างที่ทำให้อนุกรมเวลาคงที่

2) การกำหนดรูปแบบ

lacktriangle อนุกรมเวลาคงที่ใช้แบบ: $\mathit{ARMA}(p,q)$

อนุกรมเวลาไม่คงที่ใช้แบบ: ARIMA(p,d,q) การกำหนดค่า AR(p) และ MA(q) กำหนดได้ จากกราฟ PACF และ ACF โดยจำนวนส่วนประกอบของ กราฟที่ออกมาจากช่วงความเชื่อมั่นในกราฟ ACF ถือเป็นค่า MA(q) และในกราฟ PACF ถือเป็นค่า AR(p)จึงจะ สามารถกำหนดรูปแบบของตัวแบบของอนุกรมเวลาโดยการ ประมาณค่าพารามิเตอร์ของตัวแบบ ดังสมการที่ (1) และ (2) ดังนี้

$$ARMA(p,q) Y_{t} = \alpha_{0} + \sum_{i=1}^{p} \phi_{i} Y_{t-i} + \sum_{j=1}^{q} \theta_{j} \varepsilon_{t-j} + \varepsilon_{t} (1)$$

$$ARIMA(p,d,q) \qquad \Delta Y_{t} = \alpha_{0} + \sum_{i=1}^{p} \phi_{i} \Delta Y_{t-i} + \sum_{j=1}^{q} \theta_{j} \varepsilon_{t-j} + \varepsilon_{0}$$
 (2)

โดยที่ Y_t คือ ข้อมูล ณ เวลา t , \mathcal{E}_t คือ ค่าความคลาด เคลื่อน, \pmb{lpha}_o คือ พารามิเตอร์

$$\phi_p(B) = 1 - \phi_1 B - \phi_2 B^2 - \dots - \phi_p B^p$$
 และ
$$\theta_n(B) = 1 - \theta_1 B - \theta_2 B^2 - \dots - \theta_n B^p$$

3) การเปรียบแบบจำลองจากวิธี Box-Jenkin

เมื่อได้แบบจำลองที่เป็นไปได้แล้ว จึงนำมาพิจารณาหา แบบจำลองที่เหมาะสมที่สุด โดยการเปรียบเทียบจากค่า Akaike criterions (AIC) โดยแบบจำลองใดให้ค่าดังกล่าว น้อยที่สุดถือเป็นแบบจำลองที่ดีที่สุด ซึ่งสามารถพิจารณาได้ จากสมการ (3) ดังนี้

$$AIC = N \times \ln(\frac{ss_e}{N}) + 2K \tag{3}$$

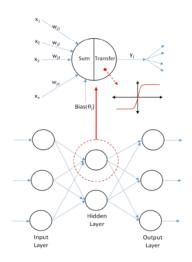
โดยที่ N คือ จำนวนข้อมูล, SS_{ϱ} คือ ผลรวมของผลต่าง กำลังสอง และ K คือ จำนวนพารามิเตอร์

2.3. เทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม (Artificial Neural Network : ANN)

โครงข่ายประสาทเทียม (Artificial Neural Network : ANN) คือ ระบบคำนวนทางคณิตศาสตร์โดยที่มี โครงสร้างและการทำงานเลียนแบบระบบประสาทของ มนุษย์ เป็นเทคนิคการเรียนรู้โดยใช้เครื่อง (Machine Learning) ในการวิเคราะห์ข้อมูล โดยองค์ประกอบของ ANN แบ่งออกเป็นมี 3 ส่วนได้แก่ Input layer, Hidden layer และ Output layer โดยจะมีค่าถ่วงน้ำหนัก (Weight, w) ค่าไบแอส (Bias, b) และ ฟังก์ชันกระตุ้น (Activate function) เป็นเครื่องมือในการจำลองคุณสมบัติของเซลล์ ประสาท โดยงานวิจัยนี้ มีการนำเข้า input 1 ตัวแปรคือ จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออก จากนั้นเป็นกระบวนการ กระจาย (Feedforward) เพื่อทำการคำนวณผลลัพธ์ในแต่ ละ node ตามความสัมพันธ์ระหว่างค่า $oldsymbol{w}$ และ ค่า bจากนั้นคำนวณค่าคลาดเคลื่อน (Residual) ระหว่างค่าความ ผิดพลาดกับผลลัพธ์ที่ได้กับผลลัพธ์ที่คาดหวัง ต่อด้วยการ การถอดถอนย้อนกลับ (Backpropagation) เพื่อปรับค่า wและ ค่า b ใน ANN และกระบวนการวนซ้ำเช่นนี้จนกระทั่ง ค่าความคลาดเคลื่อนน้อยที่สุด ดังแสดงในรูปที่ 2 ซึ่งตัวแบบ พยากรณ์ของวิธี ANN สามารถแสดงได้ดังสมการ (4)

$$y_{t} = w_{0} + \sum_{j=1}^{Q} w_{j} g(w_{0j} + \sum_{i=1}^{P} w_{i,j} y_{t-i})$$
 (4)

โดยที่ y_t คือ ค่า Output และ $y_{t-i}(i=1,2,...,P)$, P, Q คือ จำนวน Input และ Hidden node ตามลำดับ g คือ Sigmoid transfer function w_j คือ ค่าน้ำหนัก จาก Hidden layer จนถึง Output node $w_{i,j}$ คือน้ำหนัก จาก input ไปจนถึง Hidden node w_0 และ w_{0j} คือค่า น้ำหนัก



รูปที่ 2 : การทำงานของโครงข่ายประสาทเทียม

ที่มา: (ณรงค์เดช อินทรัตน์ชัยกิจ, 2565)

2.4. การเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบ พยากรณ์

ในการทำวิจัยครั้งนี้ผู้จัดทำเลือกใช้วิธีในการ
เปรียบเทียบความแม่นยำของตัวแบบพยากรณ์จำนวนผู้ป่วย
โรคไข้เลือดออก 3 วิธี ดังนี้ 1). ค่าความคลาดเคลื่อนกำลัง
สองเฉลี่ย (Mean Square Error: MSE) 2).รากที่สองของค่า
ความคลาดเคลื่อนกำลังสองเฉลี่ย (Root Mean Square
Error: RMSE) และ 3). ค่าร้อยละความคลาดเคลื่อน
สัมบูรณ์ เฉลี่ย (Mean Absolute Percentage Error:
MAPE) สามารถคำนวณได้ดังสมการที่ (5) (6) และ (7)

$$MSE = \frac{\sum_{t=1}^{n} e_t^2}{n} \tag{5}$$

$$RMSE = \sqrt{\frac{\sum_{t=1}^{n} e_t^2}{n}}$$
 (6)

$$MAPE = \frac{\sum_{i=1}^{n} \frac{|e_i|}{Y_i}}{n} \times 100\%$$
 (7)

โดยที่ e_i คือ ผลต่างของค่าจริงกับค่าพยากรณ์ ณ เวลา t, n คือ จำนวนช่วงเวลาทั้งหมด, t คือ หน่วยเวลา

อีกทั้งผู้วิจัยเลือกพิจารณาค่า R²ในการประเมิน ประสิทธิภาพของตัวแบบพยากรณ์ โดยพิจารณาได้จาก สมการที่ (8) ดังนี้

$$R^2 = 1 - \frac{SSr}{SSt} \tag{8}$$

โดยที่ SSr คือผลรวมของกำลังสองของความแตกต่าง ระหว่างค่าที่สังเกตจริงกับค่าที่คาดการณ์ และ SSt คือ ผลรวมของกำลังสองของความแตกต่างระหว่างค่าที่สังเกต จริงกับค่าเฉลี่ยของค่าที่สังเกต

ผลการวิจัย

1. ผลการพยากรณ์ของตัวแบบ

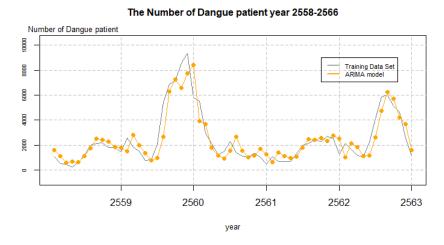
1.1 วิธีการบ๊อกซ์-เจนกินส์ (Box-Jenkins)

ผลการคัดเลือกค่า p d และ q เพื่อสร้างตัวแบบ ARIMA ที่เป็นไปได้และเลือกตัวแบบที่ดีที่สุดจากอัตราส่วนต่างๆจาก การวัดค่า AIC และวัดค่าความถูกต้อง 3 ค่า ได้แก่ MSE RMSE MAPE ดังตารางที่ 1

ตารางที่ 1: ผลการเปรียบเทียบประสิทธิภาพตัวแบบจากวิธี Box-Jenkins ที่เป็นไปได้และเหมาะสมของแต่ละอัตราส่วน

	- ตัวแบบ พยากรณ์	การเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบพยากรณ์ของวิธี Box-Jenkins							
Train : Test		MSE		RMSE		МАРЕ		AIC	
		Train	Test	Train	Test	Train	Test	-	
60 : 40	ARIMA(3,0,0)	2535554	262889	1592.342	512.727	36.65441	107.5863	994.89	
70 : 30	ARIMA(2,0,1)	2891453	4476393	1700.427	2115.749	39.09558	1562.725	1156.88	
80 : 20	ARIMA(1,1,0)	2989022	9767257	1728.879	3125.261	59.28965	2893.653	1312.49	
90 : 10	ARIMA(1,1,0)	3533190	12951912	1879.678	3598.876	51.55046	3322.291	1456.34	

จากตารางที่ 1 เมื่อเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบพยากรณ์โดยใช้ค่า AIC และค่า MSE RMSE MAPE พบว่า ตัวแบบ ARIMA(3,0,0) ในอัตราส่วนของชุดสอนต่อชุดทดสอบเป็น 60:40 ให้ค่า AIC และค่าวัดความถูกต้องดังกล่าวต่ำที่สุด ดังนั้นตัวแบบ ARIMA(3,0,0) เป็นตัวแบบที่เหมาะสมที่สุดของวิธี Box-Jenkins และผลการทำนายของตัวแบบเปรียบเทียบกับ ค่าข้อมูลจริงแสดงดังรูปที่ 3



ร**ูปที่ 3 :** กราฟแสดงการเปรียบเทียบระหว่างตัวแบบ ARIMA(3,0,0) กับชุดข้อมูลจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออก

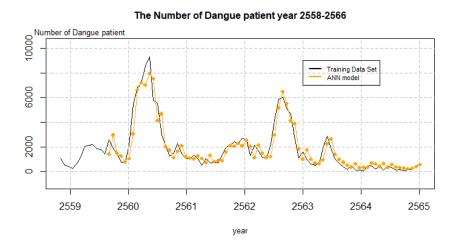
1.2 เทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม (Artificial Neural Network; ANN)

ผลการคัดเลือกตัวแบบพยากรณ์จากจำนวน hidden layer ในแต่ละอัตราส่วน โดยเปรียบเทียบประสิทธิภาพจากค่าวัดความ ถูกต้อง 3 ค่า ได้แก่ MSE RMSE และ MAPE ดังตารางที่ 2 จากตารางที่ 2 เมื่อพิจารณาเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบพยากรณ์ด้วยวิธี ANN เพื่อคัดเลือกตัวแบบ พยากรณ์ที่เหมาะสมที่สุด จากการนำเข้าข้อมูลส่วน input layer จำนวน 12 ตัว และกำหนดจำนวน node ของ hidden layer เป็น 4 แบบได้แก่ 5 10 15 และ 20 ในอัตราส่วนของชุดสอนต่อชุดทดสอบเป็น 60:40 70:30 80:20 และ 90:10 พบว่า ข้อมูลส่วนชุดทดสอบและชุดสอนในอัตราส่วน 90:10 ที่กำหนดจำนวน node ของ hidden layer เป็น 20 ให้ค่าวัดความ ถูกต้องต่ำที่สุด ดังนั้นตัวแบบดังกล่าวจึงเป็นตัวแบบที่เหมาะสมที่สุดของวิธี ANN ซึ่งผลจากการสร้างตัวแบบพยากรณ์ด้วยวิธี ดังกล่าว จะได้กราฟดังแสดงในรูปที่ 4

ตารางที่ 2: ผลการเปรียบเทียบประสิทธิภาพตัวแบบจากวิธี ANN ที่เป็นไปได้และเหมาะสมของแต่ละอัตราส่วน

	1 hidden layer	การเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบพยากรณ์ของวิธี ANN							
อัตราส่วน		MSE		RN	ИSE	MAPE			
		Training	Testing	Training	Testing	Training	Testing		
60:40	5	528711.3	1210247	727.1254	1100.112	71.67705	508.8379		
	10	522867.2	1208064	723.0956	1099.12	70.77928	520.2809		
	15	520391.8	1367213	721.3819	1169.279	64.61711	547.6902		
	20	503988.4	1291754	709.9214	1136.553	64.34663	545.8284		
70:30	5	494964.3	1359115	703.5370	1165.811	62.39368	651.636		
	10	492635.8	1370767	701.8802	1170.798	62.69737	640.619		
	15	490174.0	1574628	700.1242	1254.842	61.53602	683.449		
	20	474207.5	1784421	688.6272	1335.822	67.02777	735.353		
80:20	5	455394.4	586431.8	674.8291	765.7884	35.69975	425.220		
	10	448766.8	386163.6	669.9005	621.4206	35.37015	339.023		
	15	416971.5	379689.1	645.7333	616.1891	34.98000	341.520		
	20	416287.3	287266.9	645.2033	535.9728	34.90228	270.863		
90:10	5	409229.4	256010.1	639.7104	505.9744	30.71172	97.0088		

10	393388.1	216454.0	627.2066	465.2461	30.33374	81.83537
15	379196.5	194239.6	615.7894	440.7262	29.16854	76.35279
20	342166.7	172260.0	584.9502	415.0422	28.03172	61.43141



รูปที่ 4 : กราฟแสดงการเปรียบเทียบระหว่างตัวแบบ ANN กับชุดข้อมูลจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออก

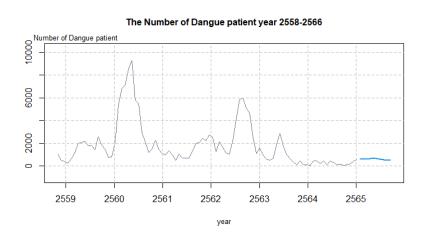
1.3 ผลการเปรียบเทียบตัวแบบพยากรณ์

สำหรับการพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกระหว่างวิธีการบ๊อกซ์-เจนกินส์และเทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม หลังจากการทดสอบเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบจากค่าวัดความถูกต้อง 3 ค่า ได้แก่ MSE RMSE และ MAPE โดย แบ่งข้อมูลในอัตราส่วนต่างๆ ซึ่งแสดงดังตารางที่ 3

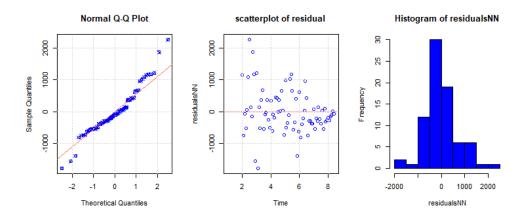
ตารางที่ 3: กราฟเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบพยากรณ์

	การเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบพยากรณ์							
Train : Test	ตัวแบบ พยากรณ์	MSE		RMSE		MAPE		R-Squared
		Train	Test	Train	Test	Train	Test	
60 : 40	ARIMA(3,0,0)	2535554	262889	1592.342	512.727	36.65441	107.5863	0.3882575
90 : 10	ANN	342166.7	172260.0	584.9502	415.0422	28.03172	61.43141	0.8419645

จากตารางที่ 3 เมื่อเปรียบเทียบประสิทธิภาพของตัวแบบโดยใช้ MSE RMSE และ MAPE พบว่าตัวแบบ ANN ใน อัตราส่วนของชุดสอนต่อชุดทดสอบคือ 90 ต่อ 10 ให้ประสิทธิภาพดีกว่าตัวแบบที่ได้จากวิธีการบอกซ์-เจนกินส์อีกทั้งจากการ วัดค่า R² พบว่าตัวแบบดังกล่าวให้ค่า R² ที่เหมาะสมกว่า ดังนั้นเราจึงเลือกใช้ตัวแบบ ANN ในการพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรค ไข้เลือดออก กรณีศึกษาเขตสุขภาพที่ 12 ซึ่งจะได้ผลการพยากรณ์ดังรูปที่ 5 อีกทั้งจากการตรวจสอบส่วนเหลือให้ผลดังแสดง ในรูปที่ 6



รูปที่ 5: ภาพแสดงผลการพยากรณ์โดยใช้เทคนิคโครงข่ายประสาทเทียม ด้วยตัวแบบ ANN



รูปที่ 6: ภาพแสดงการกระจายตัวของ Residual

สรุปผลการวิจัย

จากการวิเคราะห์การสร้างตัวแบบพยากรณ์เพื่อคาดการณ์จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกโดยใช้วิธี Box Jenkins (ARIMA) และ Artificial Neural Network (ANN) พบว่า **ตัวแบบพยากร์จากวิธี ANN** ให้ผลลัพธ์ที่มีประสิทธิภาพสูงสุดในการพยากรณ์ ข้อมูล เมื่อทดสอบการพยากรณ์โดยแบ่งข้อมูลออกเป็นสองส่วน ได้แก่ ชุดสอนและชุดทดสอบ ในอัตราส่วนที่แตกต่างกัน (60:40, 70:30, 80:20, 90:10) พบว่าอัตราส่วนที่ดีที่สุดคือ 90:10 ซึ่งให้ค่าความถูกต้องสูงที่สุดในการพยากรณ์ โดยการ กำหนดจำนวน node ใน hidden layer เป็น 20 ได้ผลลัพธ์ที่มีความแม่นยำสูงสุด เมื่อพิจารณาจากค่าความผิดพลาด ได้แก่ Mean Squared Error (MSE), Mean Absolute Percentage Error (MAPE), และ Root Mean Squared Error (RMSE) ซึ่งต่ำกว่าการพยากรณ์ด้วยตัวแบบ ARIMA แสดงให้เห็นว่าตัวแบบ ANN สามารถจับแนวโน้มและพยากรณ์การเปลี่ยนแปลง ของจำนวนผู้ป่วยได้อย่างแม่นยำมากกว่า

อภิปรายผล

จากการวิเคราะห์ผลลัพธ์ของการพยากรณ์ด้วยวิธี ANN พบว่าเป็นวิธีที่มีประสิทธิภาพสูงในการทำนายจำนวนผู้ป่วยโรค ไข้เลือดออกเมื่อเทียบกับตัวแบบ Box Jenkins (ARIMA) ซึ่งเป็นตัวแบบที่นิยมใช้ในงานพยากรณ์แบบดั้งเดิม โดยในงานวิจัยนี้ ผลการพยากรณ์ของ ANN สามารถแสดงความถูกต้องที่สูงกว่าทั้งในแง่ของค่าความผิดพลาดและค่าความคลาดเคลื่อนที่ต่ำ ซึ่ง สอดคล้องกับงานวิจัยในปี 2563 ของ เจ๋อหมิง ลี และ ยานหนิง ลี ที่ทำการศึกษาเกี่ยวกับการพยากรณ์อุบัติการณ์ของโรค HIV/AIDS ในประเทศจีน โดยเปรียบเทียบการพยากรณ์ระหว่างตัวแบบ BP-ANN (Backpropagation Artificial Neural Network) ซึ่งเป็นเครือข่ายประสาทเทียมที่ไม่เป็นเชิงเส้น กับตัวแบบ ARIMA ซึ่งเป็นตัวแบบเชิงเส้น ผลลัพธ์ของงานวิจัยนั้น ชี้ให้เห็นว่าตัวแบบ BP-ANN ให้ผลลัพธ์ในการพยากรณ์ที่แม่นยำกว่า ARIMA ซึ่งสอดคล้องกับผลการวิเคราะห์ในงานวิจัยนี้ที่ พบว่าตัวแบบ ANN ให้ผลการพยากรณ์ที่มีความคลาดเคลื่อนต่ำที่สุดในการพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออก

นอกจากนี้ งานวิจัยในปี 2547 ของ **กวน** ที่ศึกษาการใช้ ANN เพื่อทำนายอุบัติการณ์ของโรคตับอักเสบ A ก็ได้ผลสรุปที่ คล้ายคลึงกัน โดยพบว่า ANN สามารถทำนายจำนวนผู้ป่วยได้ดีกว่าตัวแบบ ARIMA โดยให้ค่า sum square error และค่า สัมประสิทธิ์สหสัมพันธ์ที่ดีกว่า ซึ่งแสดงให้ถเห็นถึงประสิทธิภาพของ ANN ในการพยากรณ์ข้อมูลที่มีลักษณะเป็นเวลา (time series data) การวิจัยของกวนยังชี้ให้เห็นว่า ANN มีความสามารถในการจำลองความสัมพันธ์ที่ซับซ้อนของข้อมูลที่มีแนวโน้ม ไม่เชิงเส้น ซึ่งตัวแบบเชิงเส้นเช่น ARIMA อาจไม่สามารถจับได้ทั้งหมด

จากการตรวจสอบค่าความคลาดเคลื่อน (Residuals) ของตัวแบบ ANN ในงานวิจัยนี้ พบว่าค่าความคลาดเคลื่อนมีการแจก แจงที่ใกล้เคียงกับการแจกแจงปกติ (normal distribution) โดยมีค่าเฉลี่ยใกล้เคียงกับศูนย์และความแปรปรวนคงที่ ซึ่งแสดง ให้เห็นว่าค่าคลาดเคลื่อนเป็นอิสระจากกันและไม่มีสหสัมพันธ์ในตัว นอกจากนี้ ผลการพยากรณ์ด้วย ANN ยังมีค่า R² ที่เท่ากับ 0.8419645 ซึ่งบ่งบอกว่าตัวแบบ ANN สามารถอธิบายความแปรปรวนของข้อมูลจำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกในเขตสุขภาพ ที่ 12 ได้ดี ทำให้สามารถสรุปได้ว่าตัวแบบ ANN เป็นวิธีที่เหมาะสมและมีประสิทธิภาพมากที่สุดในการพยากรณ์จำนวนผู้ป่วย โรคไข้เลือดออกในกรณีศึกษานี้

สรุปได้ว่า การใช้ ANN ในการพยากรณ์ข้อมูลเชิงเวลาในกรณีศึกษานี้แสดงให้เห็นถึงประสิทธิภาพที่เหนือกว่าวิธีการดั้งเดิม อย่าง ARIMA ทั้งในด้านความแม่นยำในการพยากรณ์และความสามารถในการจับแนวโน้มของข้อมูลที่ซับซ้อน ตัวแบบ ANN จึงเป็นตัวเลือกที่เหมาะสมที่สุดในการพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกในกรณีศึกษานี้

ข้อเสนอแนะ

การพยากรณ์ข้อมูลที่อยู่ในรูปแบบอนุกรมเวลา ต้องพิจารณาเลือกรูปแบบของแนวโน้มให้สอดคล้องกับ ลักษณะแนวโน้มของข้อมูล เพื่อให้ได้ผลการพยากรณ์ที่มี ประสิทธิภาพมากยิ่งขึ้น

การพยากรณ์จำนวนผู้ป่วยโรคไข้เลือดออกในเขต สุขภาพที่ 12 จะช่วยให้ประชากรในพื้นที่และบุคลากร ทางการแพทย์สามารถเตรียมความพร้อมรับมือกับ สถานการณ์ที่เกิดขึ้นในอนาคตได้อย่างมีประสิทธิภาพมาก ยิ่งขึ้น

อีกทั้งงานวิจัยดังกล่าวสามารถนำไปต่อยอดโดย การเปรียบเทียบกับตัวแบบพยากรณ์อื่นๆ รวมทั้งการวัดค่า ความถูกต้องของค่าพยากรณ์ด้วยวิธีอื่นๆเพื่อให้ได้ค่า พยากรณ์ที่มีประสิทธิภาพและแม่นยำมากยิ่งขึ้น

6. อ้างอิง

- [1] ไข้เดงกี(Dengue). [ออนไลน์]. 2565 [12 พฤศจิกายน 2566]. เข้าถึงได้จาก:
 https://ddc.moph.go.th/disease_detail.ph
 p?d=44
- [2] กระทรวงสาธารณสุข. อัตราป่วยด้วยโรค
 ใช้เลือดออก. [ออนไลน์]. 2557 [30 ตุลาคม
 2566]. เข้าถึงได้
 จาก:https://tinyurl.com/yzk695jp.
- [3] Maldonado, Sebastián, Julio López, and Andrés Iturriaga. Out-of-time cross-validation strategies for classification in the presence of dataset shift. *Applied Intelligence* 52.5 (2022): 5770-5783.
- [4] วรางคณา กีรติวิบูลย์. ตัวแบบการพยากรณ์
 จำนวนผู้ป่วยโรคปอดอักเสบในประเทศไทย.
 วารสารสาธารณสุขมหาวิทยาลัยบูรพา
 2559;11(1):24-38.

- [5] พิราวรรณ หนูเสน, ประสิทธิ์ พยัคฆพงษ์, ธิดาพร ศุภภากร. การเปรียบเทียบตัวแบบการพยากรณ์ ปริมาณการผลิตน้ำมันดิบในประเทศไทย. กรุงเทพมหานคร:มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ (2015); 377-384.
- [6] จิรโรจน์ ตอสะสุกุล. แบบจำลองการพยากรณ์การ ระบาดของโรคไข้เลือดออกโดยใช้เทคนิคการทำ เหมืองข้อมูล.คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัย นเรศวร 2564;51-60.
- [7] ปรีชา เครือโสม และคณะ. ตัวแบบระบบเกรย์ สำหรับการพยากรณ์การแพร่ระบาดของโรค ไข้เลือดออก. กรณีศึกษากรุงเทพมหานคร. มหาวิทยาลัยราชภัฏธนบุรี 2566.
- [8] ณรงค์เดช อินทรัตน์ชัยกิจ. การประมาณค่า CBR ของดินโดยโครงข่ายประสาทเทียม. คณะวิศว กรรมศาสตร์และสถาปัตยกรรมศาสตร์ มหาวิทยา ลัยเทคโนโลยีราชมงคลตะวันออก 2566;1-10.
- [9] ชุติมณฑน์ภักดีสิโรตม์,เอกสิทธิ์ พัชรวงศ์ศักดา.
 การพยากรณ์ความต้องการสินค้าด้วยเทคนิคการ
 เรียนรู้ของเครื่องในธุรกิจค้าปลีก.มหาวิทยาลัย
 ธุรกิจบัณฑิตย์ 2556
- [10] พิชชาทร มีมา. อริศรา เจริญปัญญาเนตร. การ สร้างแบบจำลองในการประเมินผลผลิตของข้าว นาปรังด้วยค่าสัมประสิทธิ์การสะท้อนกลับจาก ดาวเทียมเซนติเนลวัน. วารสารวิชาการพระจอม เกล้าพระนครเหนือ 31.3 2021;561-573.
- [11] Li, Zeming, and Yanning Li. A comparative study on the prediction of the BP artificial neural network model and the ARIMA

model in the incidence of AIDS. BMC medical informatics and decision making 20 2020;1-13.

[12] Guan, Peng, De-Sheng Huang, and Bao-Sen Zhou. Forecasting model for the incidence of hepatitis A based on artificial neural network. World journal of gastroenterology: WJG 10.24 2004;3579.