Отчёт по лабораторной работе 6

дисциплина: Математическое моделирование

Василиса Михайловна Крючкова, НПИбд-02-18

Содержание

1	Цель работы	5
2	Задание	6
3	Теоретическое введение	7
4	Выполнение лабораторной работы	9
5	Выводы	14

List of Tables

List of Figures

4.1	Динамика изменения числа людей в каждой из трех групп при	
	$I(0) \leq I^* \dots \dots$	13
4.2	Динамика изменения числа людей в каждой из трех групп при	
	$I(0) > I^* \dots \dots$	13

1 Цель работы

Построить простейшую модель эпидемии с помощью Python.

2 Задание

Вариант 41

На одном острове вспыхнула эпидемия. Известно, что из всех проживающих на острове (N=5000) в момент начала эпидемии (t=0) число заболевших людей (являющихся распространителями инфекции) I(0)=30, а число здоровых людей с иммунитетом к болезни R(0)=1. Таким образом, число людей восприимчивых к болезни, но пока здоровых, в начальный момент времени S(0)=N-I(0)-R(0).

Постройте графики изменения числа особей в каждой из трех групп. Рассмотрите, как будет протекать эпидемия в случае:

- 1) если $I(0) \leq I^*$
- 2) если $I(0)>I^{st}$

3 Теоретическое введение

Предположим, что некая популяция, состоящая из N особей, (считаем, что популяция изолирована) подразделяется на три группы:

- S(t) восприимчивые к болезни, но пока здоровые особи;
- I(t) это число инфицированных особей, которые также при этом являются распространителями инфекции;
- R(t) это здоровые особи с иммунитетом к болезни.

До того, как число заболевших не превышает критического значения I^* считаем, что все больные изолированы и не заражают здоровых. Когда $I(t)>I^*$, тогда инфицирование способны заражать восприимчивых к болезни особей.

Таким образом, скорость изменения числа S(t) меняется по следующему закону:

$$\frac{\partial S}{\partial t} = \begin{cases} -\alpha S, I(t) > I^* \\ 0, I(t) \le I^* \end{cases}$$

Поскольку каждая восприимчивая к болезни особь, которая в конце концов заболевает, сама становится инфекционной, то скорость изменения числа инфекционных особей представляет разность за единицу времени между заразившимися и теми, кто уже болеет и лечится, т.е.:

$$\frac{\partial I}{\partial t} = \begin{cases} -\alpha S - \beta I, I(t) > I^* \\ -\beta I, I(t) \le I^* \end{cases}$$

А скорость изменения выздоравливающих особей (при этом приобретающие иммунитет к болезни):

$$\frac{\partial R}{\partial t} = \beta I$$

Постоянные пропорциональности:

- α коэффициент заболеваемости
- β коэффициент выздоровления

Для того, чтобы решения соответствующих уравнений определялись однозначно, необходимо задать начальные условия. Считаем, что на начало эпидемии в момент времени t=0 нет особей с иммунитетом к болезни R(0)=0, а число инфицированных и восприимчивых к болезни особей I(0) и S(0) соответственно. Для анализа картины протекания эпидемии необходимо рассмотреть два случая: $I(0) \leq I^*$ и $I(0) > I^*$.

4 Выполнение лабораторной работы

- 1. Изучила начальные условия. Популяция состоит из 5000 особей. В начальный момент времени: 30 особей инфицированы; 1 здоровая особь с иммунитетом; (5000 30 1) особей, воприимчивых к болезни. Задала коэффициент заболеваемости, равный 0,15, и коэффициент выздоровления, равный 0,02.
- 2. Оформила начальные условия в код на Python:

```
a = 0.15
b = 0.02
N = 5000
I0 = 30
R0 = 1
S0 = N - I0 - R0
x0 = [S0, I0, R0]
```

- 3. Задала условия для времени: $t_0=0$ начальный момент времени, $t_{max}=200$ предельный момент времени, dt=0,01 шаг изменения времени.
- 4. Добавила в программу условия, описывающие время:

```
t0 = 0
tmax = 200
dt = 0.01
t = np.arange(t0, tmax, dt)
```

5. Запрограммировала систему уравнений, соответствующую 1-ому случаю $(I(0) \leq I^*) \text{:}$

```
def S1(x, t):
    dx1_0 = 0
    dx1_1 = - b*x[1]
    dx1_2 = b*x[1]
    return dx1 0, dx1 1, dx1 2
```

6. Запрограммировала систему уравнений, соответствующую 2-ому случаю $(I(0)>I^*)$:

```
def S2(x, t):
    dx2_0 = -a*x[0]
    dx2_1 = a*x[0] - b*x[1]
    dx2_2 = b*x[1]
    return dx2_0, dx2_1, dx2_2
```

7. Запрограммировала решение систем уравнений:

```
y1 = odeint(S1, x0, t)

y2 = odeint(S2, x0, t)
```

8. Описала построение графика для 1-ого случая ($I(0) \leq I^*$):

```
\label='S(t)') \label='I(t)') \label='I(t)') \label='I(t)') \label='R(t)') \label='R(t)') \label='R(t)') \label='R(t)') \label='R(t)') \label='R(t)') \label='R(t)') \label='R(t)' \
```

9. Описала построение графика для 2-ого случая ($I(0)>I^{st}$):

```
plt.plot(t, y2[:,0], label='S(t)')
plt.plot(t, y2[:,1], label='I(t)')
plt.plot(t, y2[:,2], label='R(t)')
plt.title('I(0) > I*')
plt.legend()
 10. Собрала код программы воедино и получила следующее:
import math
import numpy as np
from scipy.integrate import odeint
import matplotlib.pyplot as plt
a = 0.15
b = 0.02
N = 5000
I0 = 30
R0 = 1
SO = N - IO - RO
x0 = \Gamma S0, I0, R0
t0 = 0
tmax = 200
dt = 0.01
t = np.arange(t0, tmax, dt)
def S1(x, t):
    dx1_0 = 0
    dx1_1 = -b*x[1]
```

 $dx1_2 = b*x[1]$

```
def S2(x, t):
    dx2 0 = -a*x[0]
    dx2\ 1 = a*x[0] - b*x[1]
    dx2 2 = b*x[1]
    return dx2_0, dx2_1, dx2_2
y1 = odeint(S1, x0, t)
y2 = odeint(S2, x0, t)
plt.plot(t, y1[:,0], label='S(t)')
plt.plot(t, y1[:,1], label='I(t)')
plt.plot(t, y1[:,2], label='R(t)')
plt.title('I(0) \le I*')
plt.legend()
plt.plot(t, y2[:,0], label='S(t)')
plt.plot(t, y2[:,1], label='I(t)')
plt.plot(t, y2[:,2], label='R(t)')
plt.title('I(0) > I*')
plt.legend()
```

return $dx1_0$, $dx1_1$, $dx1_2$

11. Получила следующие динамики изменения числа людей из каждой группы (см. рис. 4.1 и 4.2):

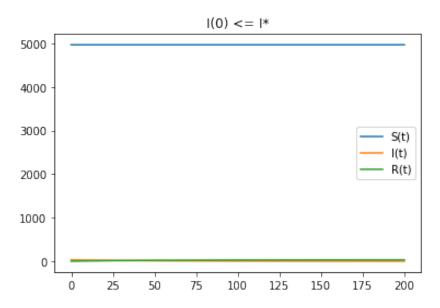


Figure 4.1: Динамика изменения числа людей в каждой из трех групп при $I(0) \leq I^*$

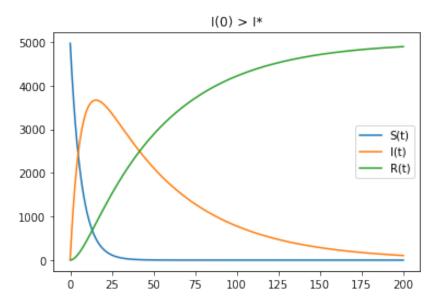


Figure 4.2: Динамика изменения числа людей в каждой из трех групп при $I(0) > I^*$

5 Выводы

Построила простейшую модель эпидемии с помощью Python.

В обоих случаях люди острова смогут победить болезнь.