Lista 4 - SVM

Vítor Gabriel Reis Caitité

June 19, 2021

1 Introdução

SVM é uma técnica de aprendizado supervisionado utilizada principalmente em problemas de classificação binária.

A ideia do SVM é encontrar um limite de decisão linear, também chamado de hiperplano, que melhor separa nossos dados. Na figura abaixo podemos ver que este melhor hiperplano é aquele que representa a maior separação ou a maior margem entre as 2 classes.

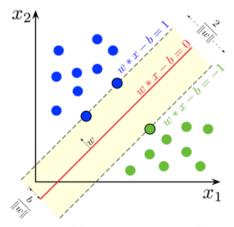


Ilustração do modelo SVM (Fonte: https://en.wikipedia.org/wiki/Support-vector_machine)

A classificação da SVM ocorrerá da seguinte maneira:

- $w \cdot xi b >= 1 \text{ se yi} = 1$
- $w \cdot xi b \le -1 \text{ se } yi = -1$

Colocando em uma equação temos:

•
$$yi.(w.xi-b)>=1$$

Além disso, deseja-se maximizar a separação, dada por (2/||w||), o que é equivalente a minimizar ||w||.

A partir daí o processo se torna um problema de otimização para encontrar a melhor solução dos pesos w e do termo b (bias) que obedeçam as condições acima.

2 Gerando base de dados

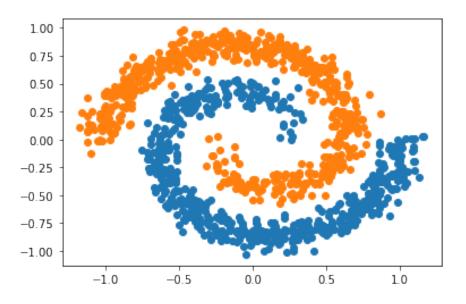
Abaixo está um algoritmo em python para geração dos dados da espiral solicitada no exercício.

```
from numpy import pi
import pandas as pd
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.svm import SVC as svm
import numpy as np
from mpl_toolkits.mplot3d import Axes3D
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.metrics import confusion_matrix, classification_report,

precision_recall_curve, roc_auc_score, roc_curve, accuracy_score
from sklearn.metrics import plot_confusion_matrix
```

```
[23]: # Generating spiral data:
      # (Code from: https://gist.github.com/45deg/e731d9e7f478de134def5668324c44c5)
      N = 600
      theta = np.sqrt(np.random.rand(N))*2*pi # np.linspace(0,2*pi,100)
      r_a = 2*theta + pi
      data_a = np.array([np.cos(theta)*r_a, np.sin(theta)*r_a]).T
      x_a = (data_a + np.random.randn(N,2))/15
      r_b = -2*theta - pi
      data_b = np.array([np.cos(theta)*r_b, np.sin(theta)*r_b]).T
      x_b = (data_b + np.random.randn(N,2))/15
      res_a = np.append(x_a, np.zeros((N,1)), axis=1)
      res_b = np.append(x_b, np.ones((N,1)), axis=1)
      res = np.append(res_a, res_b, axis=0)
      np.random.shuffle(res)
      np.savetxt("spiral_data.csv", res, delimiter=",", header="x,y,label", u

→comments="", fmt='%.5f')
      plt.scatter(x_a[:,0],x_a[:,1])
      plt.scatter(x_b[:,0],x_b[:,1])
      plt.show()
```



3 Separando os dados em treinamento e teste

Abaixo foi realizada uma visualização da estrutura dos dados e feita a separação aleatória deles em dados de treinamento (75%) e dados de teste (25%)

```
[24]: # Loading dataset:
      df = pd.read_csv("spiral_data.csv")
      df.head()
[24]:
                          label
      0 -0.19230 0.46234
                             0.0
      1 0.18587 0.92255
                             1.0
      2 0.09719 0.78060
                             1.0
      3 -0.94377 0.43297
                             1.0
      4 0.58239 -0.58020
                             0.0
[25]: X = df[["x","y"]]
      y = df["label"]
      # Labels -1 and 1:
      y = np.where(y \le 0, -1, 1)
      # Separate data between training and test:
      X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.25,_
       →random_state=11111)
```

4 Treinamento SVM

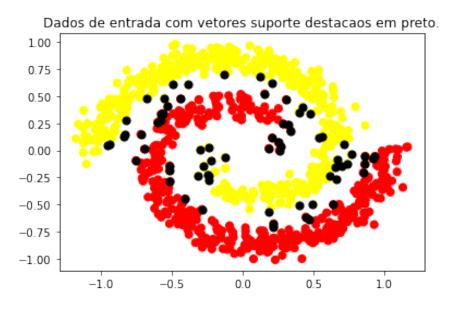
Para o treinamento inicial decidiu-se utilizar o parâmetro C igual a 10 (posteriormente será testado mais valores e observado qual obteve melhores resultados). Além disso o tipo de kernel escolhido foi o rbf.

Como descrito em [1], ao treinar um SVM com o kernel Radial Basis Function (RBF), dois parâmetros devem ser considerados: C e gama. O parâmetro C, comum a todos os kernels SVM, compensa a classificação incorreta dos exemplos de treinamento pela simplicidade da superfície de decisão. Um C baixo torna a superfície de decisão suave, enquanto um C alto visa classificar todos os exemplos de treinamento corretamente. Já o parâmetro gamma define quanta influência um único exemplo de treinamento tem. Quanto maior for o gamma, mais próximos os outros exemplos devem estar para serem afetados. Esse parâmetro foi mantido em seu valor padrão, dado por: 1/(n_features*X.var()).

```
[26]: clf = svm(kernel="rbf", C=10)
    clf.fit(X_train, y_train)
[26]: SVC(C=10)
```

5 Plotando os dados no espaço de entrada resaltando os vetores de suporte

[27]: Text(0.5, 1.0, 'Dados de entrada com vetores suporte destacaos em preto.')

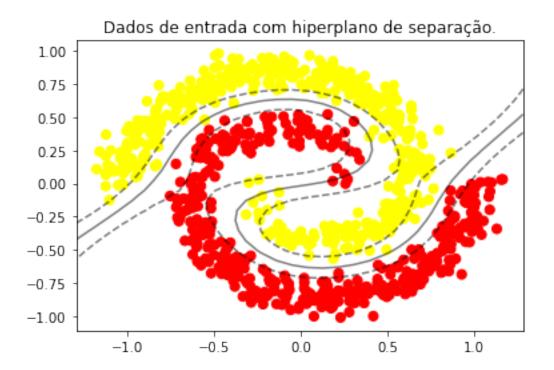


6 Plotando os dados no espaço de entrada com o hiperplano de separação

```
[28]: # Plot data into input space highlighting support vectors
      # (Code from: https://jakevdp.qithub.io/PythonDataScienceHandbook/05.
      →07-support-vector-machines.html)
      def plot_svc_decision_function(model, ax=None, plot_support=True,_
       →vectors_color="none"):
          """Plot the decision function for a 2D SVC"""
          if ax is None:
              ax = plt.gca()
          xlim = ax.get_xlim()
          ylim = ax.get_ylim()
          # create grid to evaluate model
          x = np.linspace(xlim[0], xlim[1], 30)
          y = np.linspace(ylim[0], ylim[1], 30)
          Y, X = np.meshgrid(y, x)
          xy = np.vstack([X.ravel(), Y.ravel()]).T
          P = model.decision_function(xy).reshape(X.shape)
          # plot decision boundary and margins
          ax.contour(X, Y, P, colors='k',
                     levels=[-1, 0, 1], alpha=0.5,
                     linestyles=['--', '-', '--'])
          # plot support vectors
          if plot_support:
              ax.scatter(model.support_vectors_[:, 0],
                         model.support_vectors_[:, 1],
                         s=30, linewidth=0.5, facecolors=vectors_color);
          ax.set_xlim(xlim)
          ax.set_ylim(ylim)
      plt.scatter(X_train.iloc[:, 0], X_train.iloc[:, 1], c=y_train, s=50,__

→cmap='autumn')
      plot_svc_decision_function(model = clf);
      plt.title("Dados de entrada com hiperplano de separação.")
```

[28]: Text(0.5, 1.0, 'Dados de entrada com hiperplano de separação.')

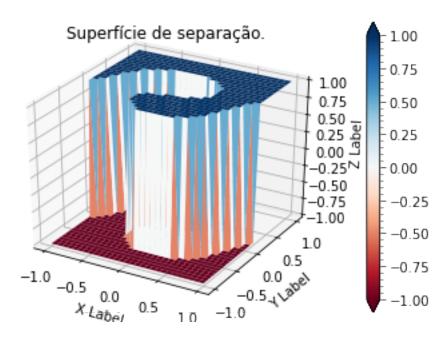


7 Plotando superfície de separação

```
[29]: def plot_svc_surface(model, plot_support=True, vectors_color="none"):
         fig = plt.figure()
         ax = fig.add_subplot(111, projection='3d')
         # create grid to evaluate model
         x = np.linspace(-1, 1, 30)
         y = np.linspace(-1, 1, 30)
         Y, X = np.meshgrid(y, x)
         xy = np.vstack([X.ravel(), Y.ravel()]).T
         Z = clf.predict(xy).reshape(X.shape)
         # plot decision boundary and margins
         figure= ax.plot_surface(X, Y, Z,rstride=1, cstride=1,__
       ax.set_xlabel('X Label')
         ax.set_ylabel('Y Label')
         ax.set_zlabel('Z Label')
         cbar = fig.colorbar(figure, ax=ax, extend='both')
         cbar.minorticks_on()
```

```
plot_svc_surface(model = clf);
plt.title("Superfície de separação.")
```

[29]: Text(0.5, 0.92, 'Superfície de separação.')



8 Aplicação do modelo aos dados de teste e cálculo da acurácia

for C = 2, accuracy is 0.993 for C = 3, accuracy is 1.000 for C = 4, accuracy is 0.997 for C = 5, accuracy is 1.000 for C = 6, accuracy is 1.000 for C = 7, accuracy is 1.000 for C = 8, accuracy is 1.000 for C = 9, accuracy is 1.000 for C = 10, accuracy is 1.000 Como pode-se ver acima para todos os valores de C obteve-se bons resultados, sendo que os valores de C iguais a 3 e de 5 até 10, obteve-se acurácia máxima para o teste realizado. Apesar de nesse exemplo ter-se encontrado bons resultados para todos os valores de C testados, destaca-se que a escolha adequada de C e gama é crítica para o desempenho do SVM. A documentação do scikit-learn aconselha inclusive usar GridSearchCV com C e gama espaçados exponencialmente para escolher bons valores.

Abaixo foi ainda gerada a matriz de confusão do resultado da predição para C=10.

[32]: plot_confusion_matrix(clf, X_test, y_test)

[32]: <sklearn.metrics._plot.confusion_matrix.ConfusionMatrixDisplay at 0x7f02a67deba8>

