

8 Binäre Suchbäume

Einführung

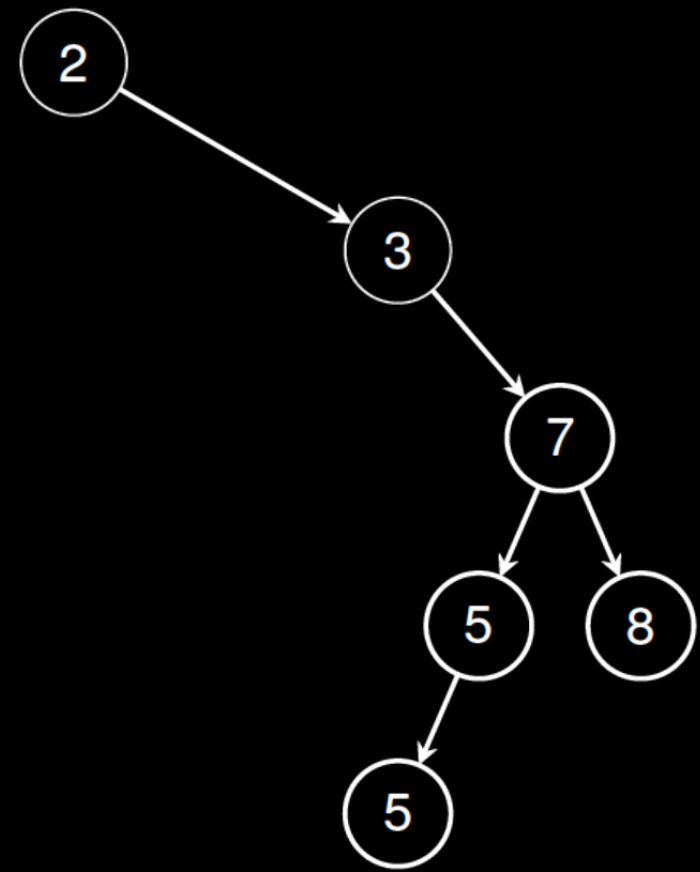
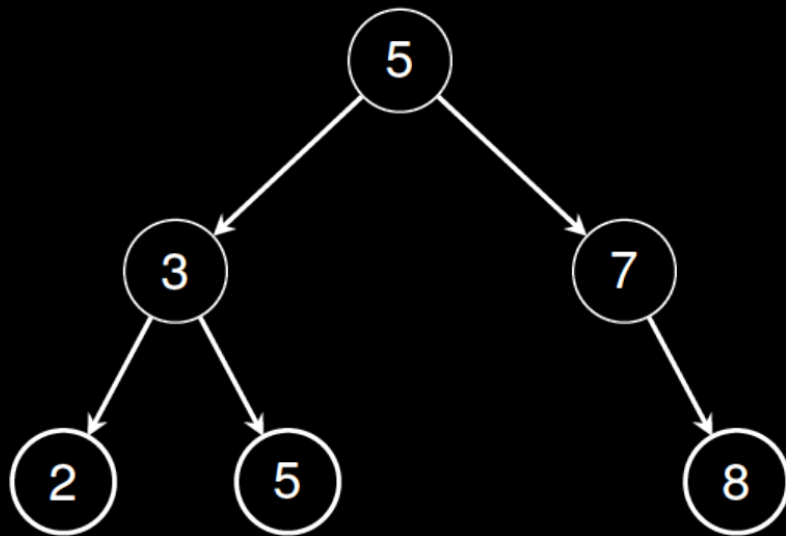
Definition

Ein binärer Suchbaum (binary search tree, BST) ist ein binärer Baum, für den die folgende Eigenschaft gilt (=binäre Suchbaum-Eigenschaft oder BST-Eigenschaft):

Sei x ein Knoten in einem binären Suchbaum.

- Ist y ein Knoten im linken Teilbaum von x , so gilt $y.key \leq x.key$.
- Ist y ein Knoten im rechten Teilbaum von x , so gilt $y.key \geq x.key$.

Beispiele



Bemerkungen

- Wir betrachten BST's als verzeigerte Datenstruktur.
- Jeder Knoten ist ein Objekt mit
 - Schlüssel
 - Satellitendaten
 - Zeiger auf linkes Kind
 - Zeiger auf rechtes Kind
 - Zeiger auf Elternknoten
- Wir werden die BST-Eigenschaft für die Anwendung ein wenig strenger fassen

Notation

- T Der BST selber wird mit T bezeichnet.
- x, y, z Knoten.
- $x.key$ Der Schlüssel des Knoten x .
- $x.left$ Zeiger auf linkes Kind.
- $x.right$ Zeiger auf rechtes Kind.
- $x.parent$ Zeiger auf Elternknoten.
- NIL Leerer Zeiger.

Traversierung

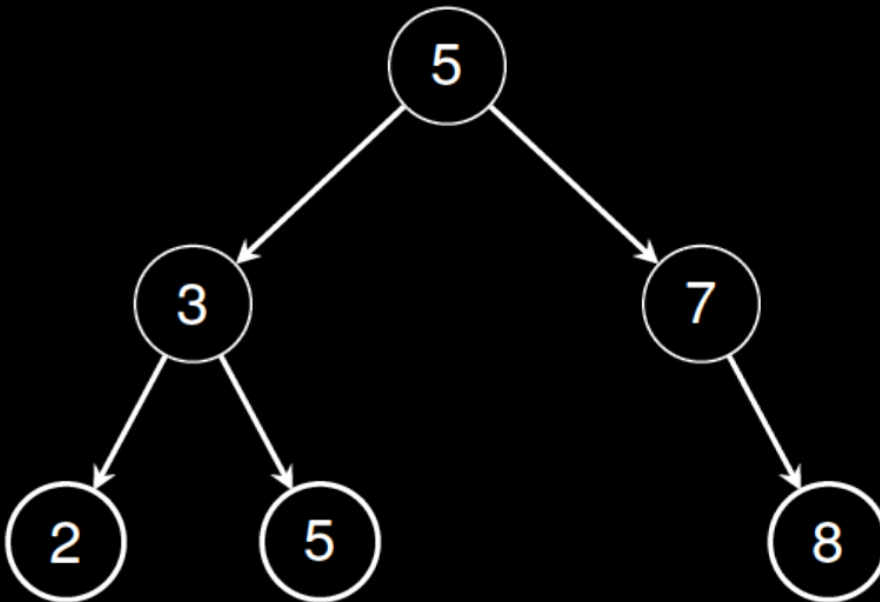
- Baum durchlaufen, durchsuchen
- Systematisches Untersuchen der Knoten in einer bestimmten Reihenfolge

Möglichkeiten einen Baum zu durchlaufen:

- Pre-order (Hauptreihenfolge) WLR
- In-order (Nebenreihenfolge) LWR
- Post-order (symmetrische Reihenfolge) LRW
- Level-order (Ebenen-Reihenfolge, nur mit zusätzlichen Zeigern möglich)

Traversierung: In-Order-Tree-Walk

1. **function** IN-ORDER-TREE-WALK(*x*)
2. **if** *x* \neq *NIL* **then**
3. IN-ORDER-TREE-WALK (*x*.left)
4. print *x*.key
5. IN-ORDER-TREE-WALK (*x*.right)
6. **end if**
7. **end function**



Was gibt In-Order-Tree-Walk aus? 2 3 5 5 7 8

Traversierung: In-Order-Tree-Walk

Korrektheit von In-Order-Tree-Walk

Ergibt sich intuitiv aus der Definition von binären Suchbäumen: Wenn

1. der linke Teilbaum jedes Knoten x nur Elemente mit Schlüsseln $\leq x.key$ enthält

und

1. der rechte Teilbaum jedes Knoten x nur Elemente mit Schlüsseln $\geq x.key$ enthält

dann werden die Knoten in aufsteigender Reihenfolge besucht.

Traversierung: Laufzeit

Annahme:

- Sei x Wurzel eines Teilbaums mit n Knoten.
- Da jeder Knoten einmal betrachtet wird, hat der Algorithmus In-Order-Tree-Walk(x) die Laufzeit

$$T(n) = \Theta(n)$$

Traversierung: Laufzeit

Beweis:

- Sei $T(n)$ die Zeit, die In-Order-Tree-Walk beim Aufruf mit der Wurzel eines Teilbaums mit n Knoten benötigt.
- $n = 0$: Für den Test ($x = NIL$) wird eine kleine konstante Zeit benötigt, so dass $T(0) = c$, mit $c > 0$.
- $n > 0$: Sei x ein Knoten, dessen linker Teilbaum k Knoten enthalte. Dann enthält der rechte Teilbaum $n - k - 1$ Knoten.

Traversierung: Laufzeit

Beweis (Forts.)

- Die Laufzeit beträgt dann $T(n) = T(k) + T(n - k - 1) + d$

$d > 0$ steht für die eigentliche Laufzeit von In-Order-Tree-Walk mit Ausnahme der Zeit für rekursive Aufrufe.

- Es soll nun bewiesen werden, dass

$$T(n) = (c + d) \cdot n + c$$

wobei gilt $T(n) = \Theta(n)$

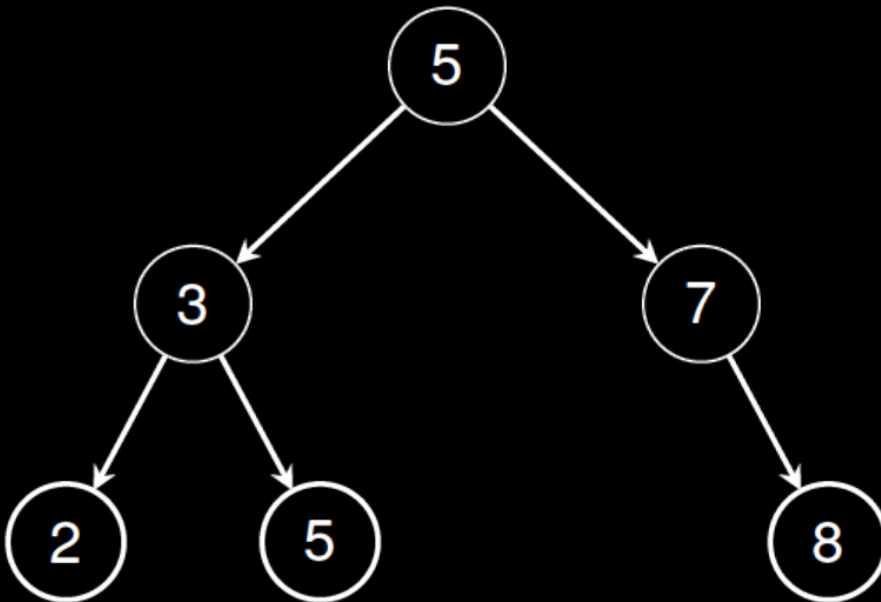
Traversierung: Laufzeit

Für $n = 0$: $(c + d) \cdot 0 + c = c = T(0)$

Für $n > 0$:
$$\begin{aligned} T(n) &= T(k) + T(n - k - 1) + d \\ &= ((c + d)k + c) + ((c + d)(n - k - 1) + c) + d \\ &= (c + d)k + c + (c + d)n - (c + d)k - (c + d) + c + d \\ &= (c + d)n + c - (c + d) + c + d \\ &= (c + d)n + c = \Theta(n) \end{aligned}$$

Traversierung: Pre-Order-Tree-Walk

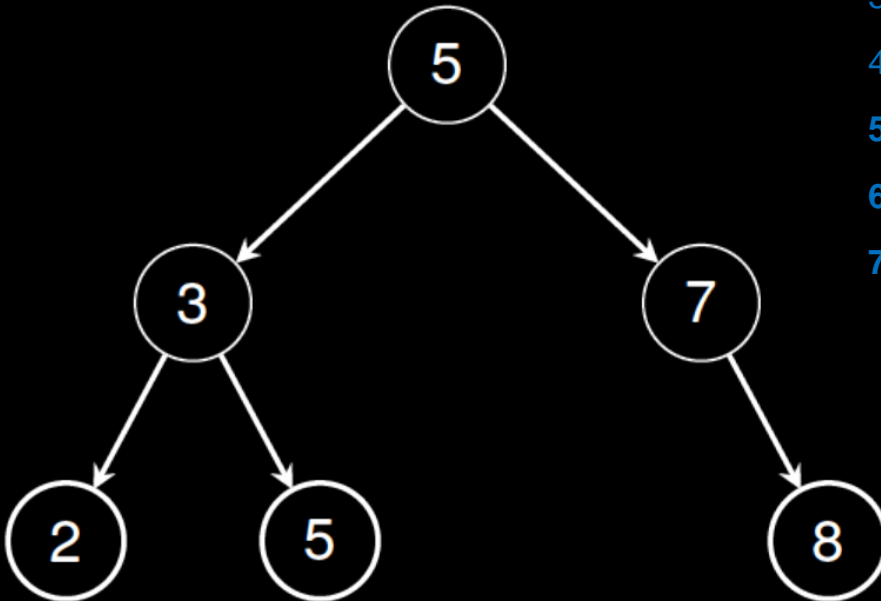
1. **function** PRE-ORDER-TREE-WALK(*x*)
2. **if** *x* \neq NIL **then**
3. print *x*.key
4. PRE-ORDER-TREE-WALK (*x*.left)
5. PRE-ORDER-TREE-WALK (*x*.right)
6. **end if**
7. **end function**



Was gibt Pre-Order-Tree-Walk aus? 5 3 2 5 7 8

Traversierung: Post-Order-Tree-Walk

1. **function** POST-ORDER-TREE-WALK(x)
2. **if** $x \neq NIL$ **then**
3. POST-ORDER-TREE-WALK (x.left)
4. POST-ORDER-TREE-WALK (x.right)
5. print x.key
6. **end if**
7. **end function**



Was gibt Post-Order-Tree-Walk aus? 2 5 3 8 7 5

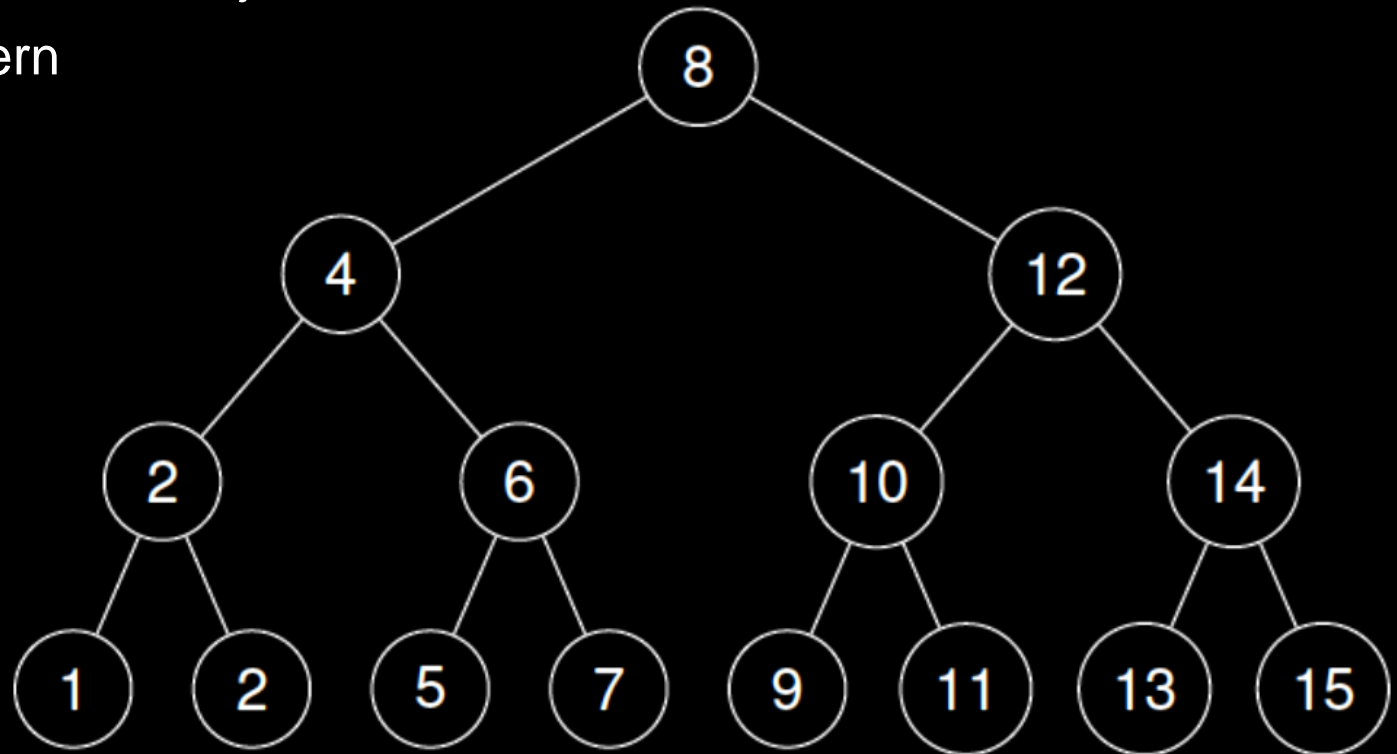
Weitere Eigenschaften

- Knotenanzahl eines Binärbaums
- Höhe eines Binärbaums
- Wichtig: Laufzeit der Algorithmen ist meist von der Höhe h eines Baums abhängig

Knotenanzahl

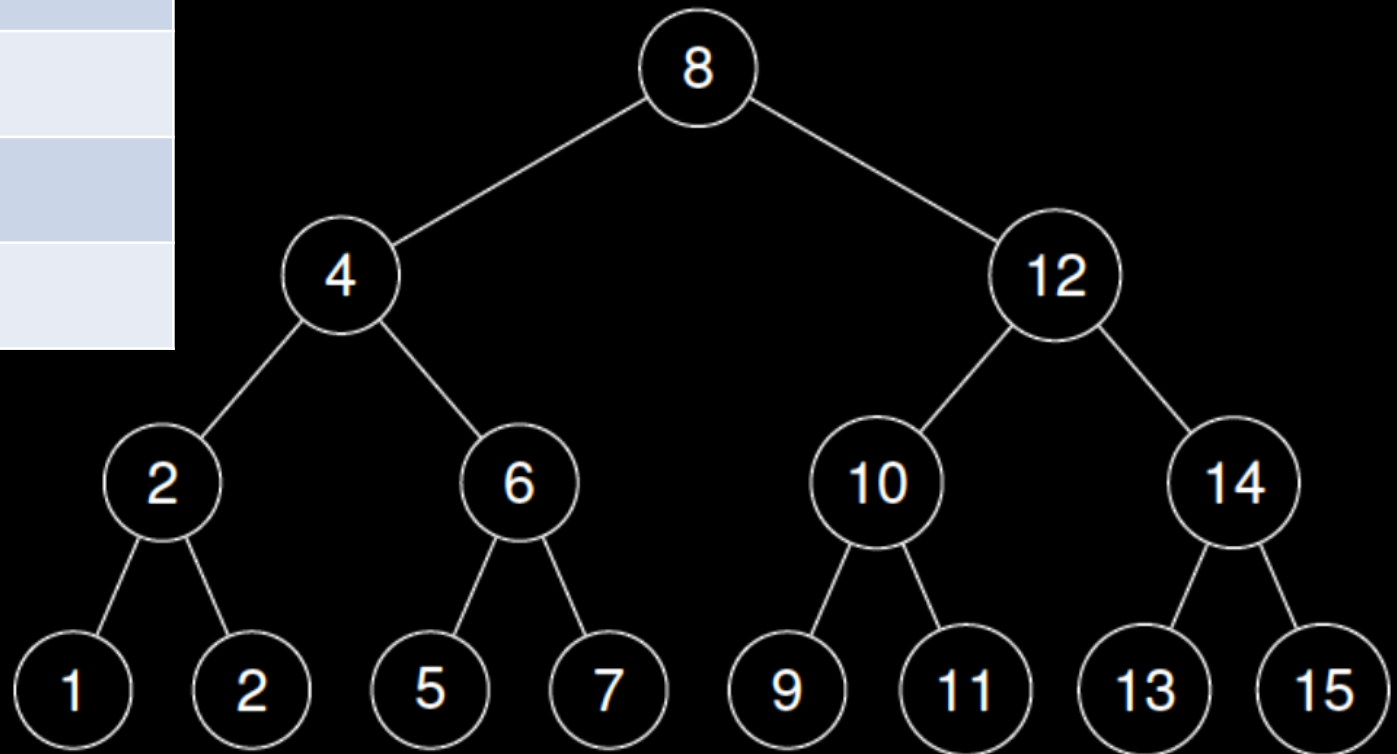
Beispiel

- Abzählen der Knoten in jeder Ebene
- Verallgemeinern
- Summieren



Knotenanzahl

| Ebene | Anzahl Knoten |
|-------|---------------|
| 0 | 1 |
| 1 | 2 |
| 2 | 4 |
| 3 | 8 |



Knotenanzahl

Zusammenfassung

Ein Binärbaum der Höhe h hat maximal

$$\begin{aligned} n(h) &= \underbrace{1 + 2 + 4 + \dots + 2^h}_{\text{geometrische Reihe}} \\ &= \sum_{i=0}^h 2^i \\ &= 2^{h+1} - 1 \end{aligned}$$

Knoten.

Man nennt diese max. Knotenzahl auch die Kapazität des Baums.

Höhe

Beispiel

| Anzahl Knoten | Min. Höhe | Max. Höhe |
|---------------|-----------|-----------|
| 1 | 0 | 0 |
| 2 | 1 | 1 |
| 3 | 1 | 2 |
| 4 | 2 | 3 |
| 5 | 2 | 4 |

Höhe

Allgemein

- Sei T ein Binärbaum und n die Anzahl der Knoten von T , dann hat T eine maximale Höhe von

$$h_{max} = n - 1$$

und eine minimale Höhe von

$$h_{min} \leq \lceil \log_2 n \rceil$$

Höhe

Beweis für maximale Höhe h_{\max}

- Die maximale Höhe h_{\max} kann in einem Baum nur dann erreicht werden, wenn der Baum zu einer linearen Liste der Länge n entartet.
- Die maximale Höhe ist dann gleich der Pfadlänge $n - 1$

$$h_{\max} = n - 1$$

Höhe

Beweis für minimale Höhe h_{\min}

- Ein Baum hat die minimale Höhe, wenn er seine maximale Kapazität ausschöpft.

$$n = 2^{h+1} - 1$$

$$n + 1 = 2^{h+1}$$

$$\log_2(n + 1) = h + 1$$

$$\log_2(n + 1) - 1 = h$$

- Da die Höhe ganzzahlig ist, gilt:

$$h_{\min} = \lceil \log_2 n + 1 \rceil - 1 \leq \lceil \log_2 n \rceil$$

Höhe

Kleine Übung

Vollziehen Sie die Ungleichung durch Tabellieren nach

| n | $\lceil \log_2 n + 1 \rceil$ | $\lceil \log_2 n \rceil$ |
|-----|------------------------------|--------------------------|
| | | |
| | | |
| | | |
| | | |
| | | |
| | | |
| | | |

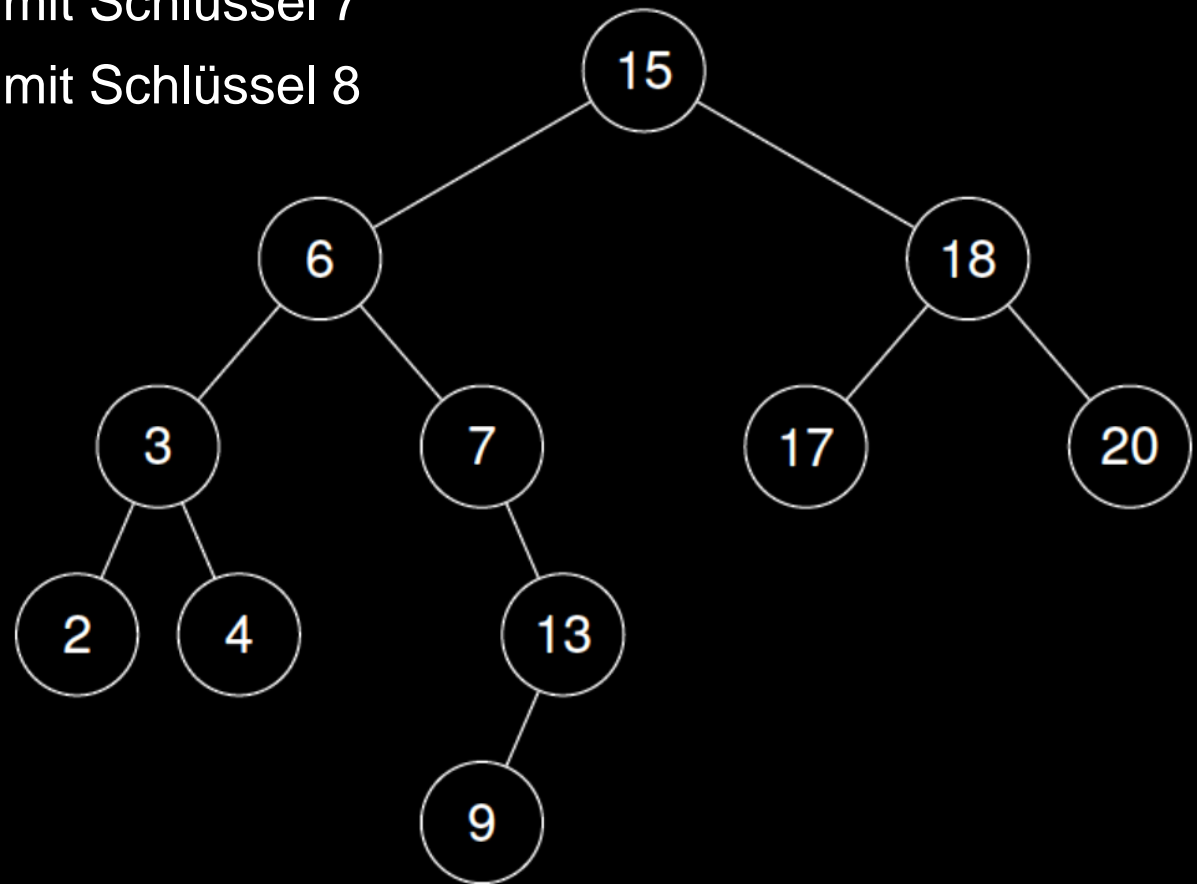
Operationen

- Suchen (rekursiv und nichtrekursiv)
- Minimum, Maximum
- Nachfolger, Vorgänger

Suchen

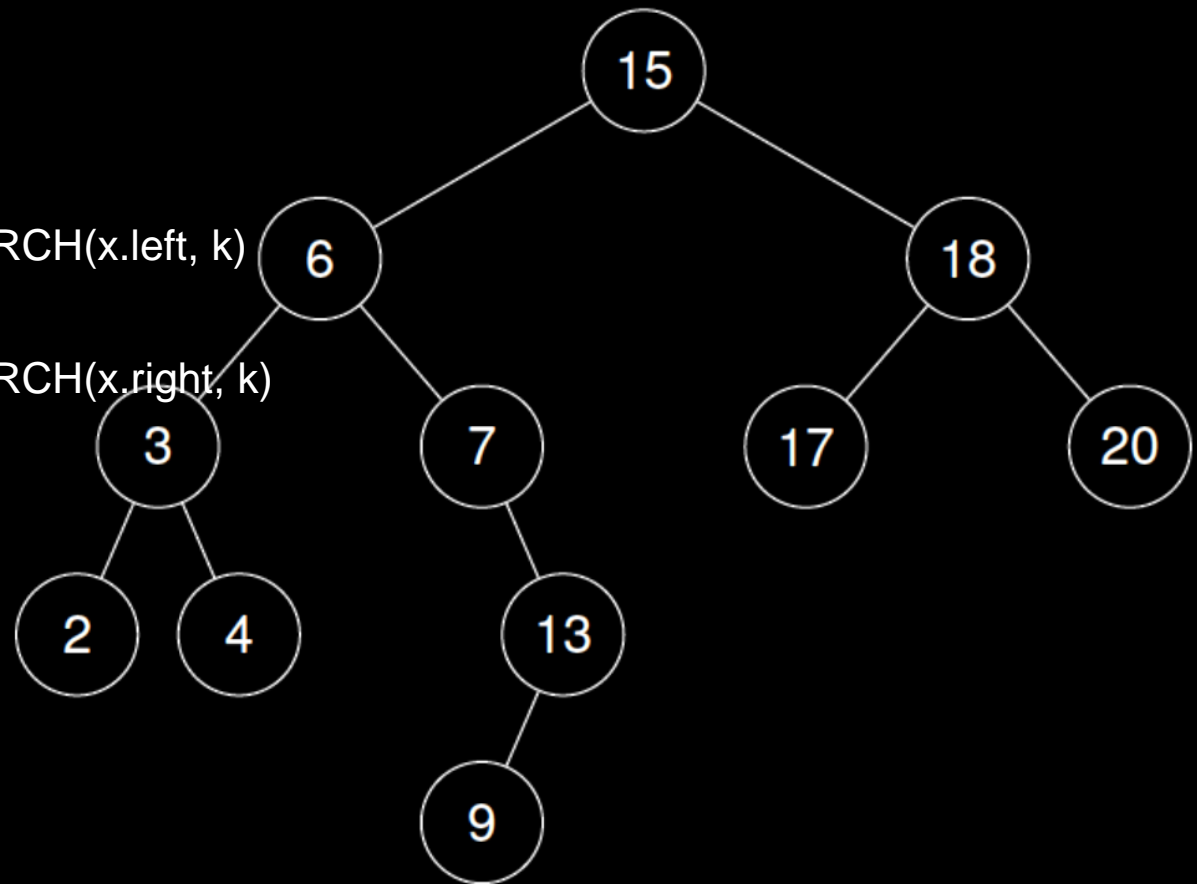
Überlegungen:

- Suche nach Knoten mit Schlüssel 7
- Suche nach Knoten mit Schlüssel 8



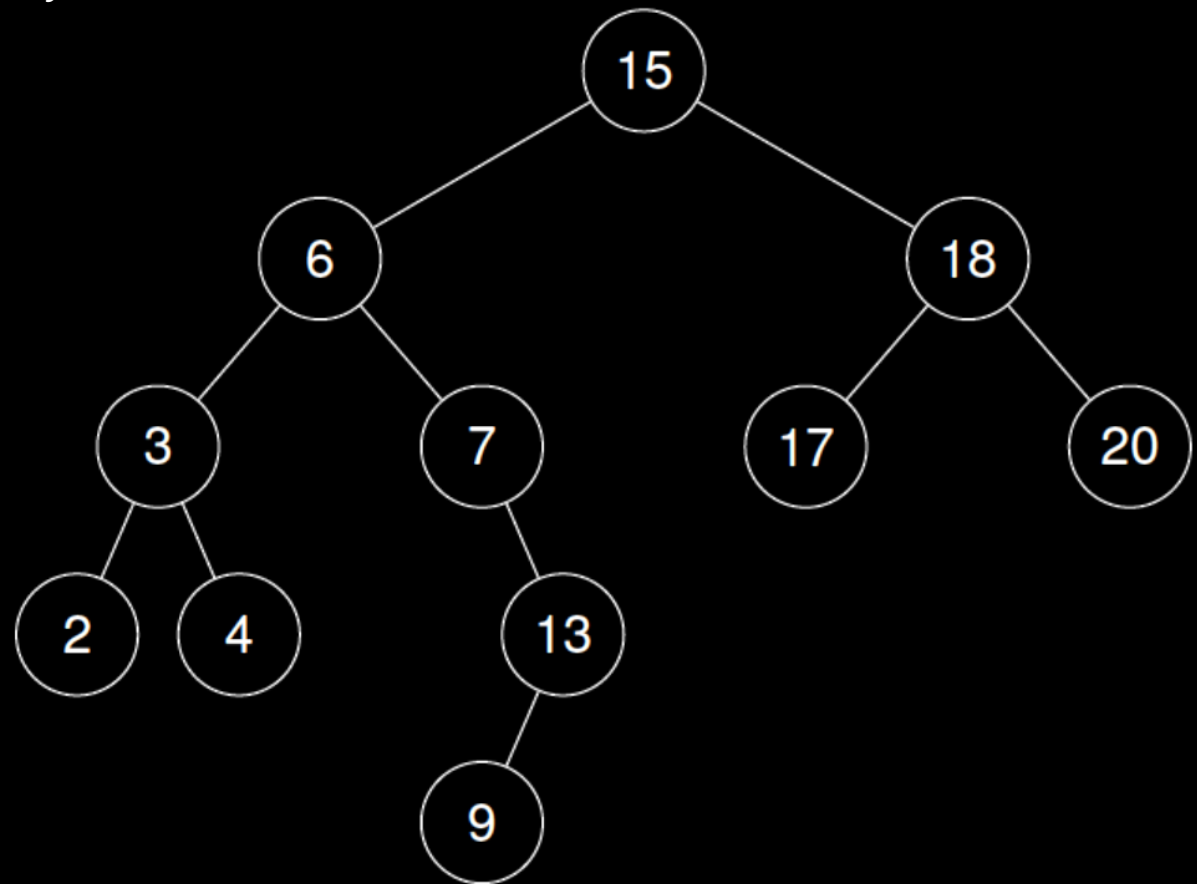
Rekursiver Algorithmus

```
1.  function TREE-SEARCH(x, k)
2.    if  $x = NIL \vee k = x.key$  then
3.      return x
4.    end if
5.    if  $k < x.key$  then
6.      return TREE-SEARCH(x.left, k)
7.    else
8.      return TREE-SEARCH(x.right, k)
9.    end if
10. end function
```



Nichtrekursiver Algorithmus

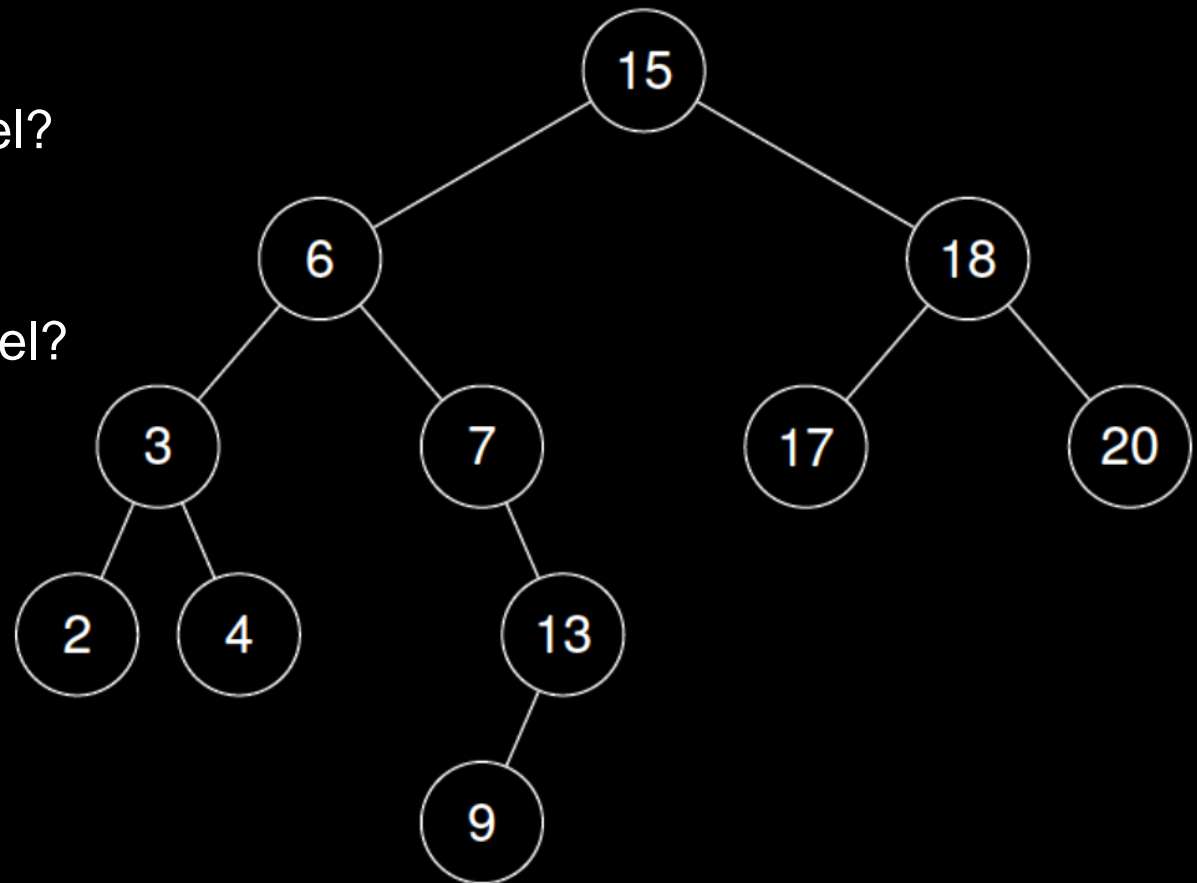
```
1.  function TREE-SEARCH(x, k)
2.    while  $x \neq NIL \wedge k \neq x.key$  do
3.      if  $k < x.key$  then
4.         $x = x.left$ 
5.      else
6.         $x = x.right$ 
7.      end if
8.    end while
9.    return x
10. end function
```



Suchen nach Minimum und Maximum

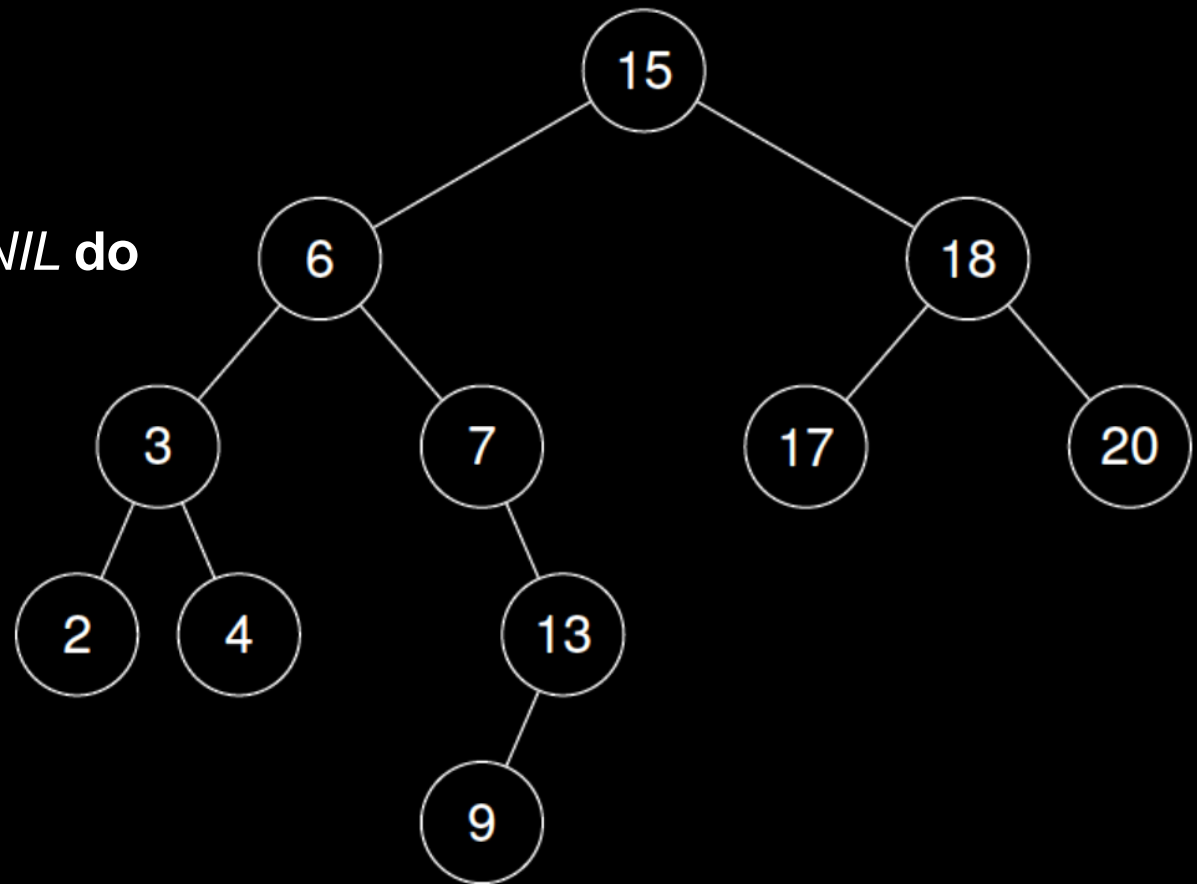
Überlegungen:

- Wie (wo) finde ich das Element mit minimalem Schlüssel?
- Wie (wo) finde ich das Element mit maximalem Schlüssel?



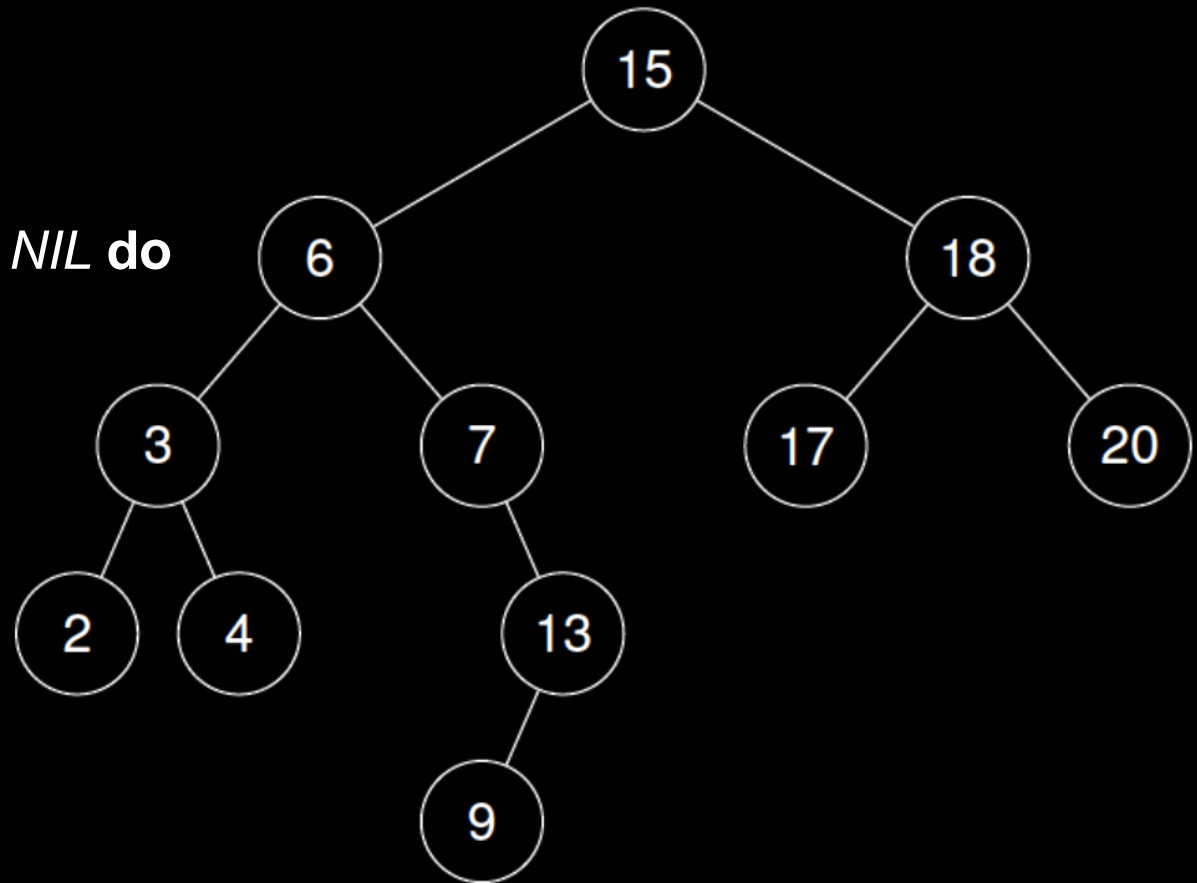
Suche nach Minimum

```
1. function TREE-MINIMUM(x)
2.   if  $x = NIL$  then
3.     return  $NIL$ 
4.   end if
5.   while  $x.left \neq NIL$  do
6.      $x = x.left$ 
7.   end while
8.   return  $x$ 
9. end function
```



Suche nach Maximum

```
1. function TREE-MAXIMUM(x)
2.   if  $x = NIL$  then
3.     return  $NIL$ 
4.   end if
5.   while  $x.right \neq NIL$  do
6.      $x = x.right$ 
7.   end while
8.   return x
9. end function
```



Nachfolger und Vorgänger

Nachfolger (successor)

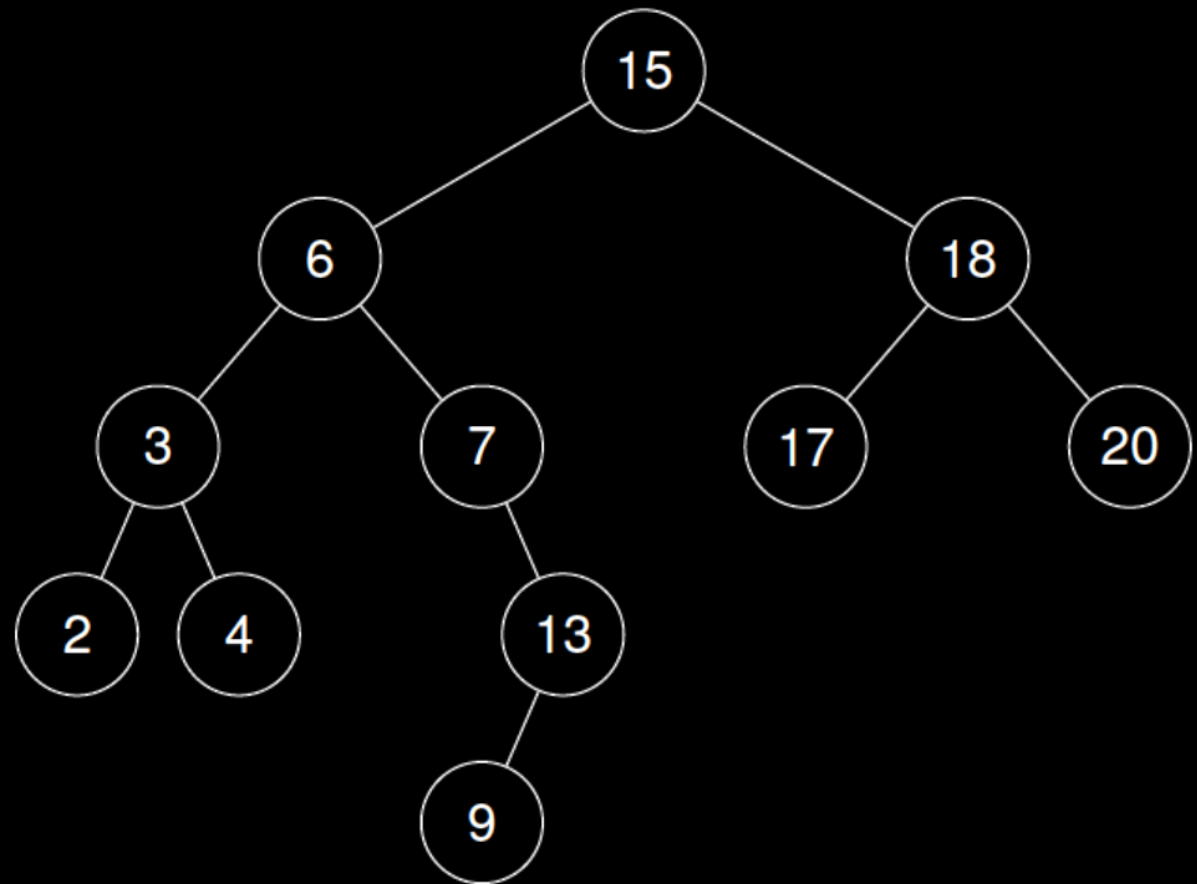
- Der Nachfolger eines Knotens x ist der Knoten y mit minimalem Schlüssel $k > x.key$. In anderen Worten: Der Nachfolger eines Knotens ist der Knoten mit dem nächstgrößeren Schlüssel im Baum.

Vorgänger (predecessor)

- Der Vorgänger eines Knotens x ist der Knoten y mit maximalem Schlüssel $k < x.key$. In anderen Worten: Der Vorgänger eines Knotens ist der Knoten mit dem nächstkleineren Schlüssel im Baum.

Beispiel: Nachfolger

| x | Tree-Successor(x) |
|----|-------------------|
| 3 | 4 |
| 6 | 7 |
| 15 | 17 |
| 13 | 15 |
| 17 | 18 |
| 4 | 6 |



Nachfolger

Beobachtungen

- x hat rechten Teilbaum:
Nachfolger von x ist das Minimum im rechten Teilbaum, das ist der am weitesten links stehende Knoten im rechten Teilbaum.
- x hat keinen rechten Teilbaum:
Falls x einen Nachfolger y hat, so ist y der tiefste Knoten, dessen linkes Kind im Baum vor x liegt.
Anders formuliert: Man geht im Baum so weit nach oben, bis man auf einen Knoten trifft, der linkes Kind seines Vaters ist. Dabei muss man x selbst mit berücksichtigen.

Nachfolger

Beobachtungen

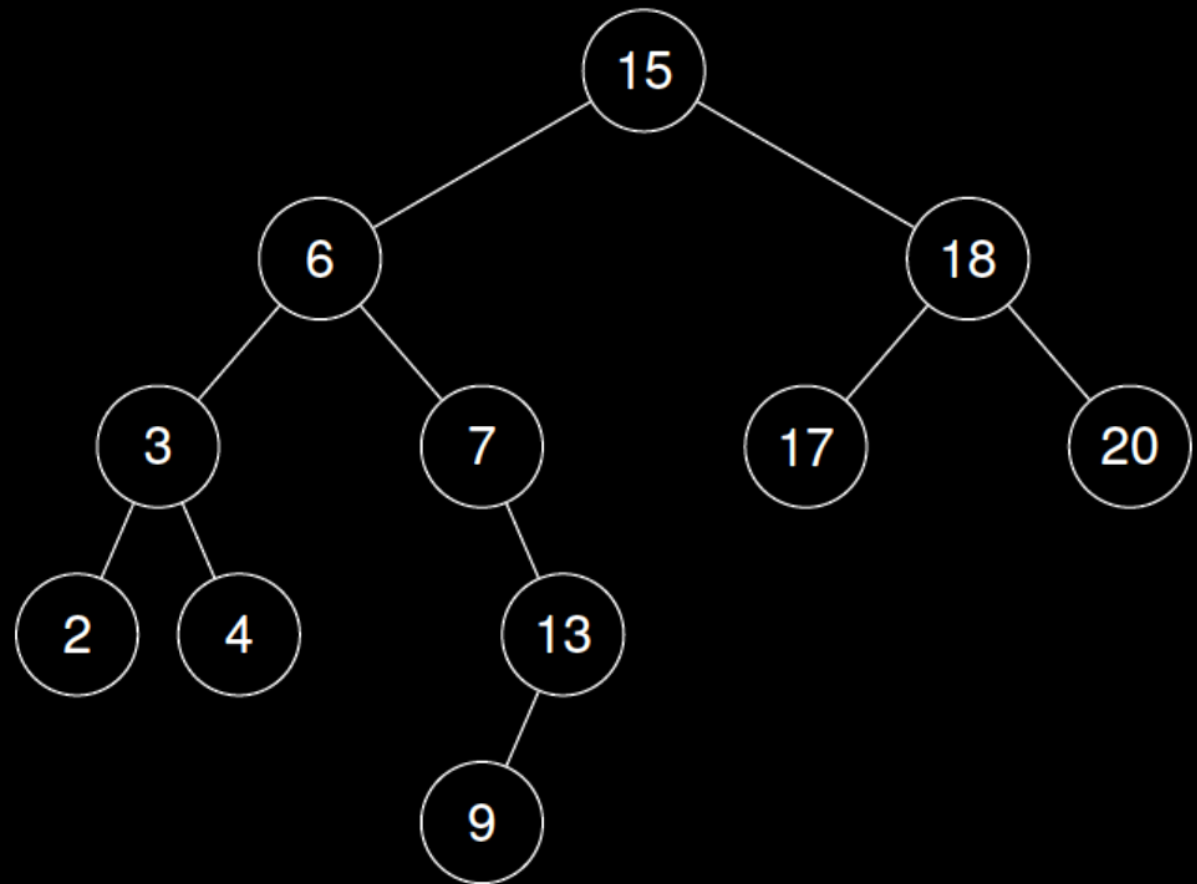
- Interessant: Man braucht keine Schlüssel-Vergleiche auszuführen, die gesamte Information steckt in der Struktur des Baumes.
- Wie viele Kinder hat der Nachfolger von x ?
 - 0/1, falls x 2 Kinder hat. Dann ist Minimum y im rechten Teilbaum Nachfolger. y hat entweder kein Kind oder nur einen rechten Teilbaum.
 - 1/2 sonst, da x im Baum unter dem Nachfolger y liegt.
- Wir nehmen an, dass alle Schlüssel paarweise verschieden sind.
- Falls das nicht gilt, wird als Nachfolger von x der Knoten y definiert, den der Algorithmus zurückliefert.

Nachfolger

```
1.  function TREE-SUCCESSOR(x)
2.      if  $x = NIL$  then
3.          return  $NIL$ 
4.      else if  $x.right \neq NIL$  then
5.          return TREE-MINIMUM( $x.right$ )
6.      end if
7.       $y = x.parent$ 
8.      while  $y \neq NIL \wedge x = y.right$  do
9.           $x = y$ 
10.          $y = y.parent$ 
11.     end while
12.     return  $y$ 
13. end function
```

Beispiel: Vorgänger

| x | Tree-Predecessor(x) |
|----|---------------------|
| 3 | 2 |
| 6 | 4 |
| 15 | 13 |
| 13 | 9 |
| 17 | 15 |
| 4 | 3 |



Vorgänger

Beobachtungen

- Das Problem ist symmetrisch zum Nachfolger-Problem
 - x hat linken Teilbaum:
Vorgänger von x ist das Maximum im linken Teilbaum, das ist der am weitesten rechts stehende Knoten im linken Teilbaum.
 - x hat keinen linken Teilbaum:
Falls x einen Vorgänger y hat, so ist y der tiefste Knoten, dessen rechtes Kind im Baum vor x liegt. Anders formuliert: Man geht im Baum so weit nach oben, bis man auf einen Knoten trifft, der rechtes Kind seines Vaters ist. Dabei muss man x selbst mit berücksichtigen.

Vorgänger

Beobachtungen

- Man braucht auch hier keine Schlüssel-Vergleiche auszuführen. Die gesamte Information steckt in der Struktur des Baumes.
- Auch hier gilt bei nicht paarweise verschiedenen Schlüsseln, dass als Vorgänger von x der Knoten y definiert wird, den der Algorithmus zurückliefert.

Vorgänger

```
1.  function TREE-PREDECESSOR(x)
2.  if  $x = NIL$  then
3.      return NIL
4.  else if  $x.left \neq NIL$  then
5.      return TREE-MAXIMUM( $x.left$ )
6.  end if
7.   $y = x.parent$ 
8.  while  $y \neq NIL \wedge x = y.left$  do
9.       $x = y$ 
10.    $y = y.parent$ 
11. end while
12. return  $y$ 
13. end function
```

Laufzeit der Operationen

Alle bisher betrachteten Algorithmen verfolgen den Baum

- abwärts (Minimum, Maximum)
- aufwärts (Vorgänger, Nachfolger)

Die Laufzeit ist also von der Höhe abhängig. Es gilt:

$$\begin{aligned} T(n) &= O(h) \\ &= O(\log(n)) \end{aligned}$$

Modifikationsoperationen im Baum

Überblick

- Einfügen und Löschen als modifizierende Operationen
- Im Unterschied zu vorherigen Datenstrukturen: Suchbaumeigenschaft muss erhalten bleiben
- Einfügen? Leicht, wenn einfach „unten“ eingefügt wird
- Löschen? Ist wohl etwas schwieriger

Modifikation: Einfügen

Funktionsweise

- Der Prozedur TREE-INSERT() wird die Wurzel T eines BST sowie ein Knoten z übergeben.
- Die Felder $z.left$ und $z.right$ müssen mit NIL initialisiert sein.
- $z.parent$ wird vom Algorithmus geändert.
- Der Wert des Schlüssels (das Feld $z.key$) dient zum Einordnen in den BST

Modifikation: Einfügen

Variablen

- z Knoten, der eingefügt wird
- x Laufvariable zum Suchen der Einfügeposition
- y Knoten, an den eingefügt wird. Vater von z .

Modifikation: Einfügen

```
1.  function TREE-INSERT(T, z)
2.      y = NIL
3.      x = T .root
4.      while x ≠ NIL do
5.          y = x
6.          if z .key < x .key then
7.              x = x .left
8.          else
9.              x = x .right
10.         end if
11.     end while
    ...
```

Erläuterung:

Z. 4-11 Suchen der Einfügeposition.
Man steigt so lange ab, bis man mit *y* einen Blattknoten erreicht hat.

Ergebnis: *y* ist Vater des neuen Knotens oder *NIL*. Dann ist der neue Knoten Wurzel des Baums.

Modifikation: Einfügen

```
12.  z.parent = y
13.  if y = NIL then
14.      T.root = z
15.  else if z.key < y.key then
16.      y.left = z
17.  else
18.      y.right = z
19.  end if
20. end function
```

Erläuterung:

Z. 12 y wird als Vater von z gesetzt.

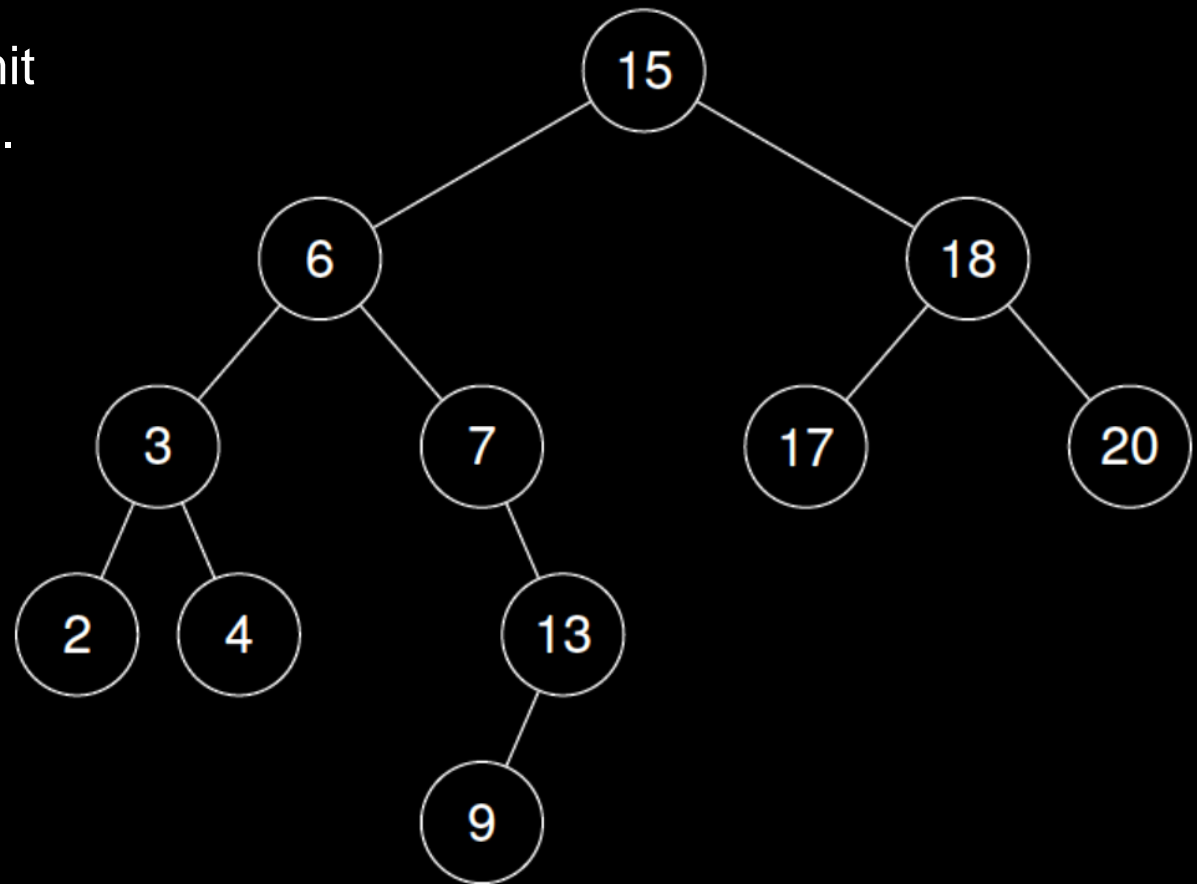
Z. 13-14 Falls $y == NIL$ ist der neue Knoten Wurzel.

Z. 16-20 z wird an y als linkes oder rechtes Kind angehängt

Modifikation: Einfügen

Kleine Übung

- Fügen Sie in diesen Baum den Knoten mit dem Schlüssel 8 ein. Protokollieren Sie alle Variablen im Ablauf des Algorithmus.



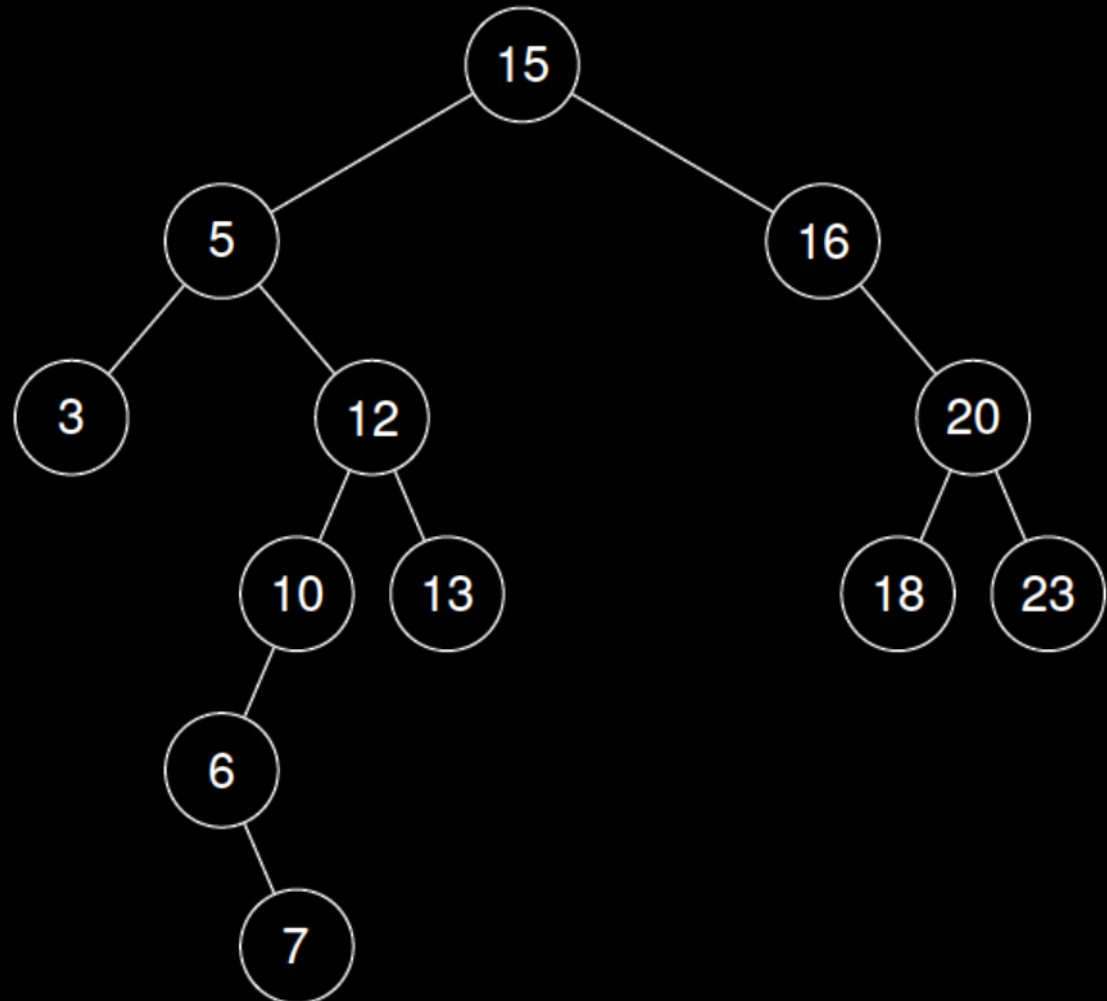
Modifikation: Einfügen

- Bemerkungen
- Struktur des Baumes wird durch die Einfügereihenfolge bestimmt
- Dabei entstehende Bäume heißen *natürlich*.
- Es gibt $n!$ viele Möglichkeiten (Reihenfolgen), Knoten in Bäume einzufügen. Es gibt aber nicht $n!$ viele Bäume.
 - Günstig: Vollständiger Baum $\Rightarrow T(n) = O(\log n)$.
 - Ungünstig: Lineare Liste $\Rightarrow T(n) = O(n)$.
- Wichtige Fragen:
 - Was liegt dazwischen und wie häufig kommen welche Varianten vor?
 - Was ist der „mittlere“ Fall?
 - Ergebnis: Die erwartete Höhe eines natürlichen BST mit n Knoten ist $O(\log n)$.

Modifikation: Löschen

Beispiel 1

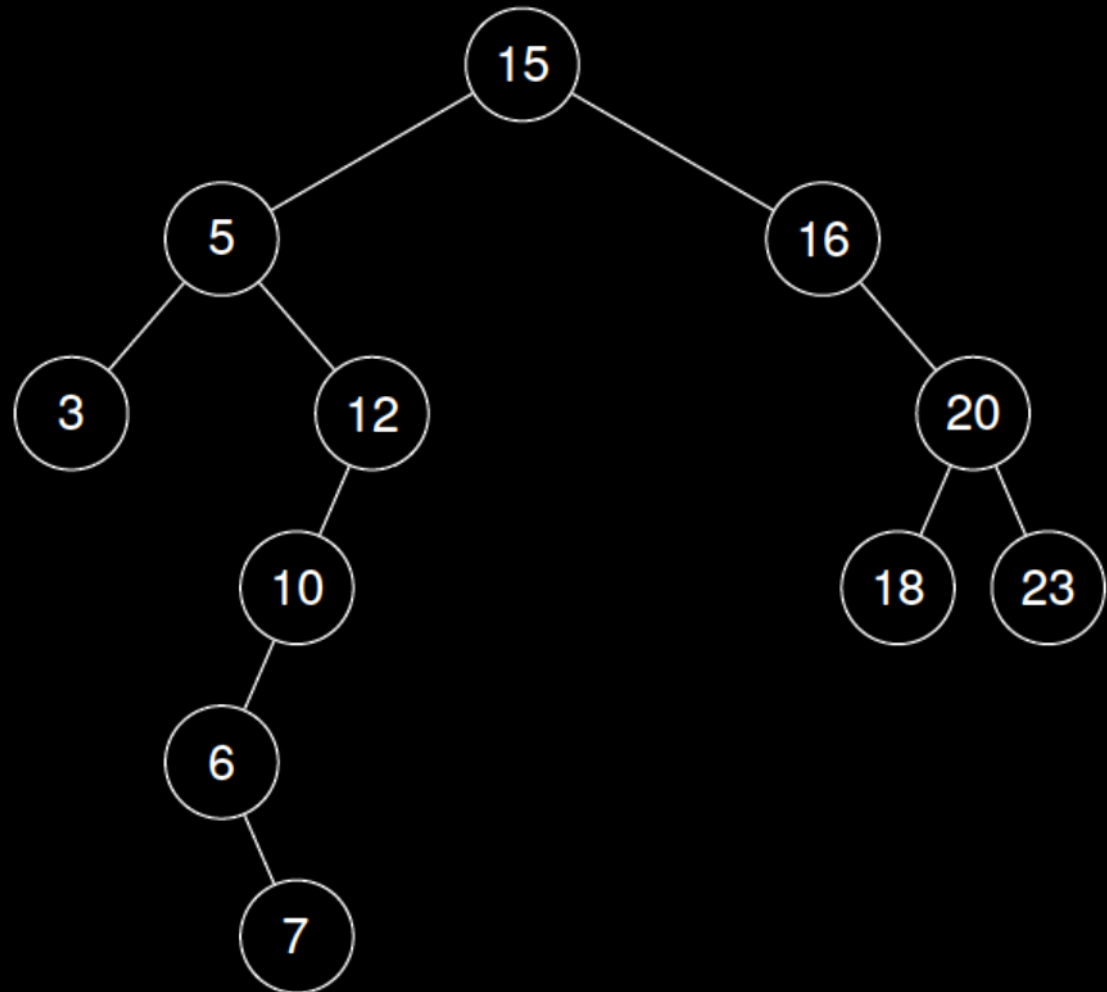
Löschen des Knotens z
mit $z.key = 13$



Modifikation: Löschen

Beispiel 1

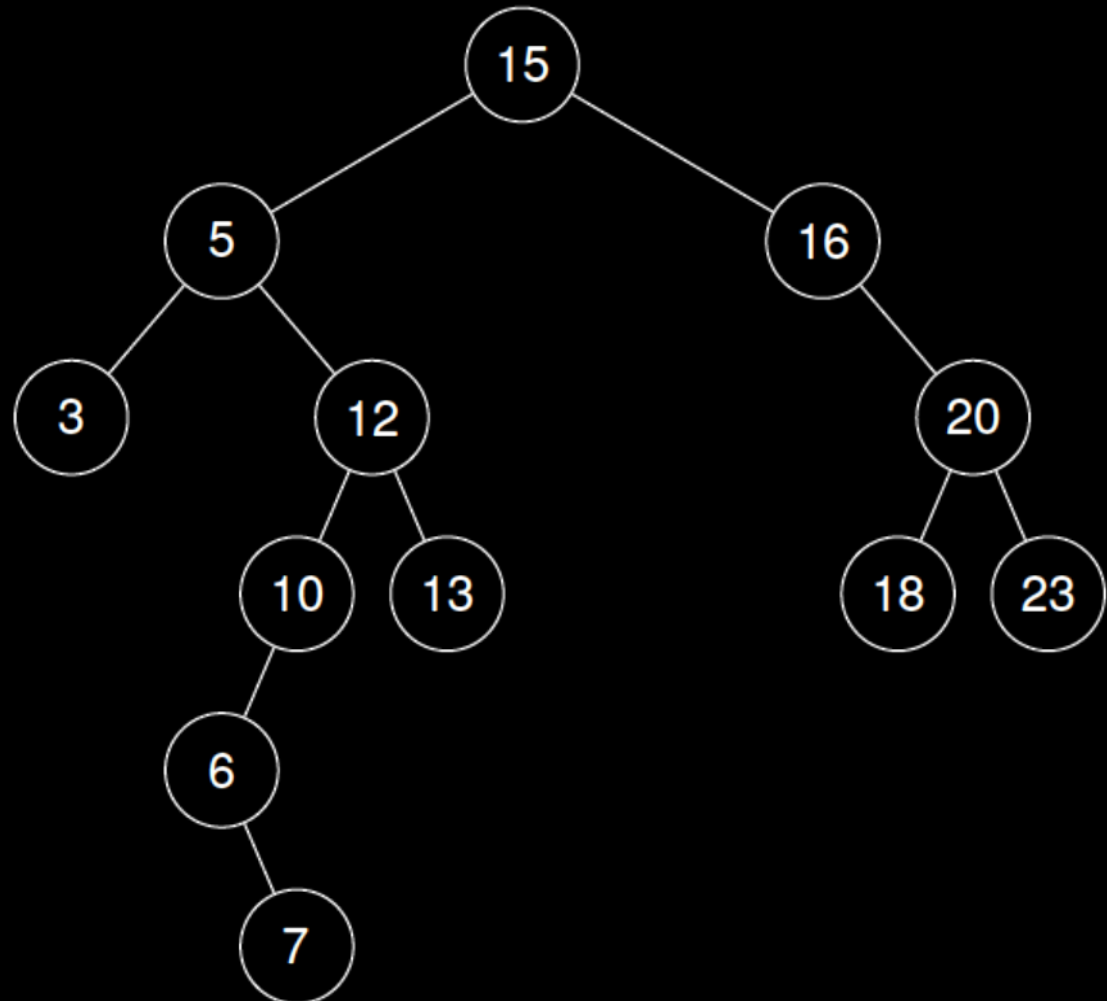
Löschen des Knotens z
mit $z.\text{key} = 13$



Modifikation: Löschen

Beispiel 2

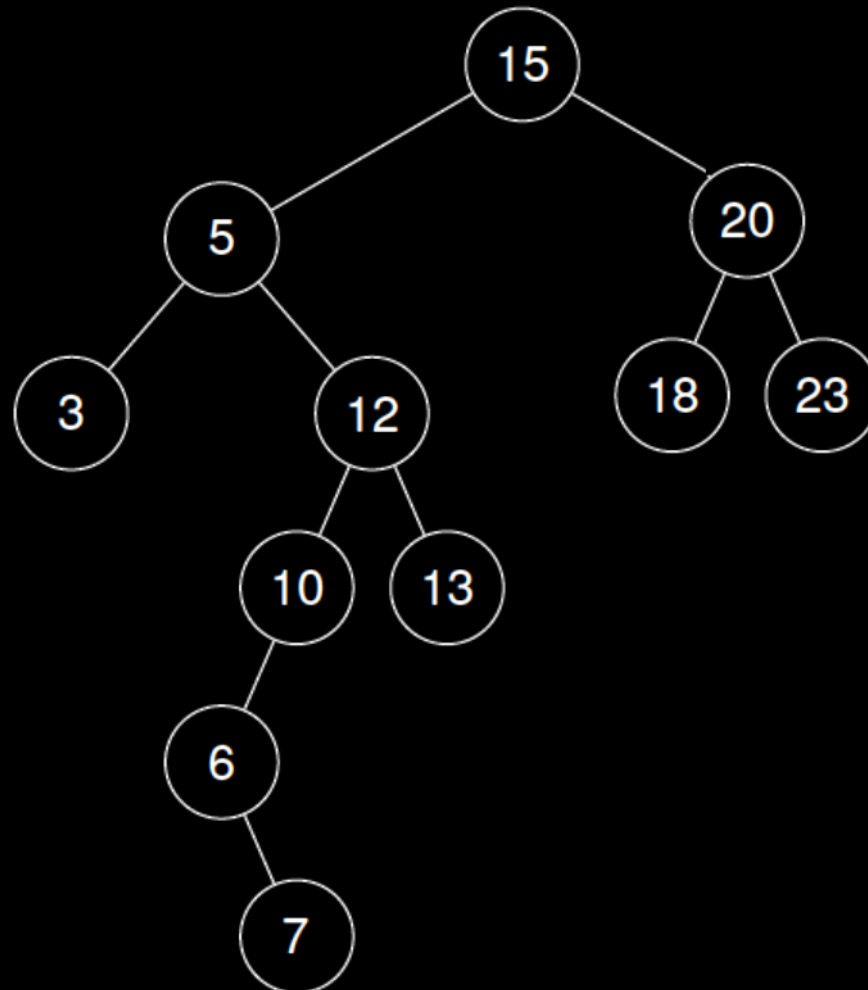
Löschen eines Knotens z
mit $z.key = 16$



Modifikation: Löschen

Beispiel 2

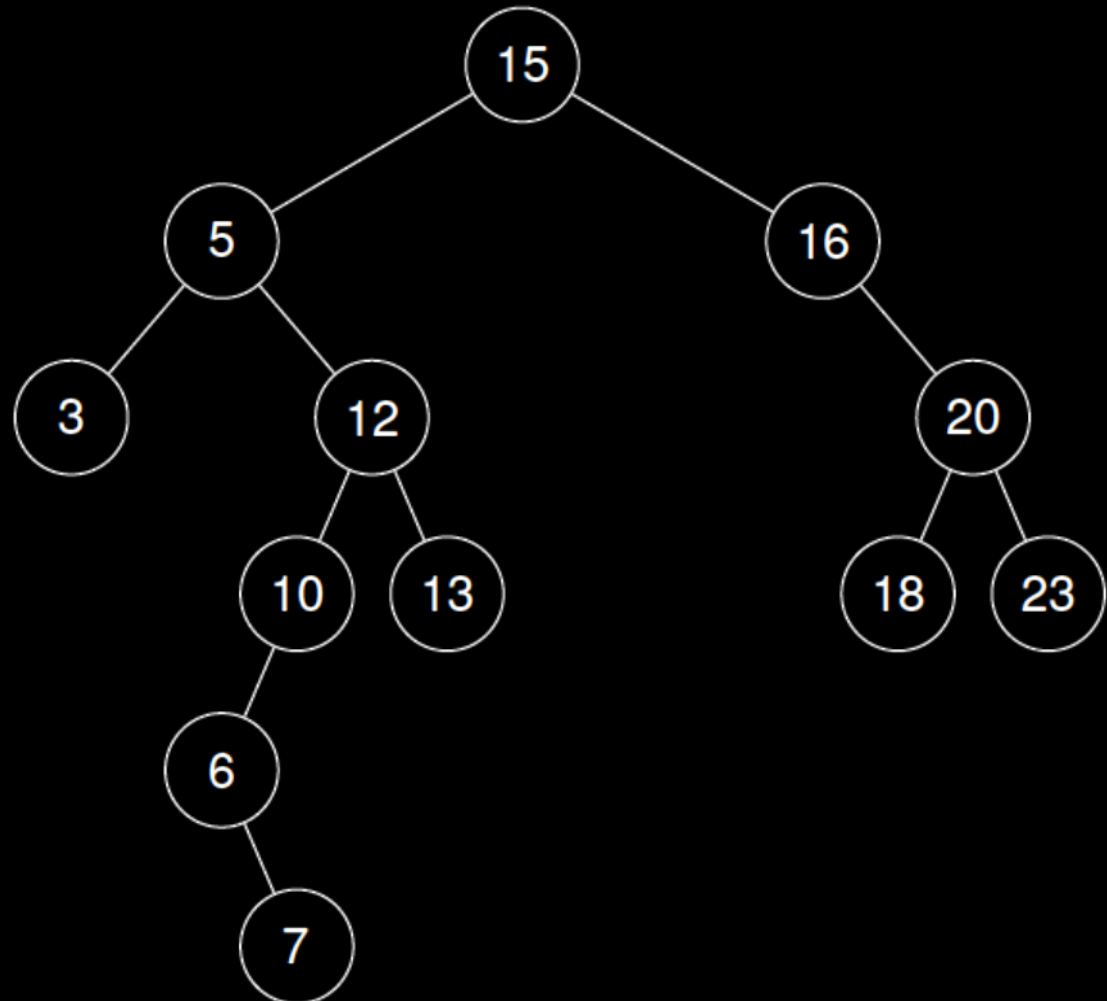
Löschen eines Knotens z
mit $z.key = 16$



Modifikation: Löschen

Beispiel 3

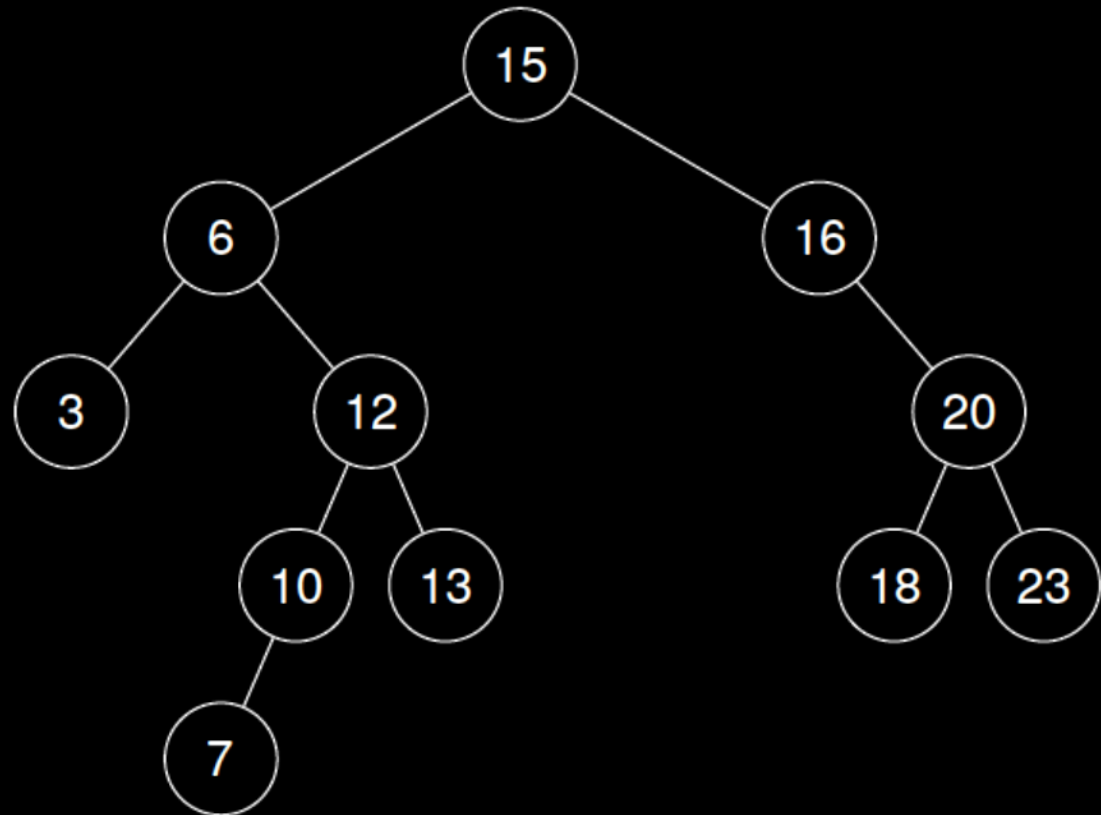
Löschen des Knotens z
mit $z.\text{key} = 5$



Modifikation: Löschen

Beispiel 3

Löschen des Knotens z
mit $z.key = 5$



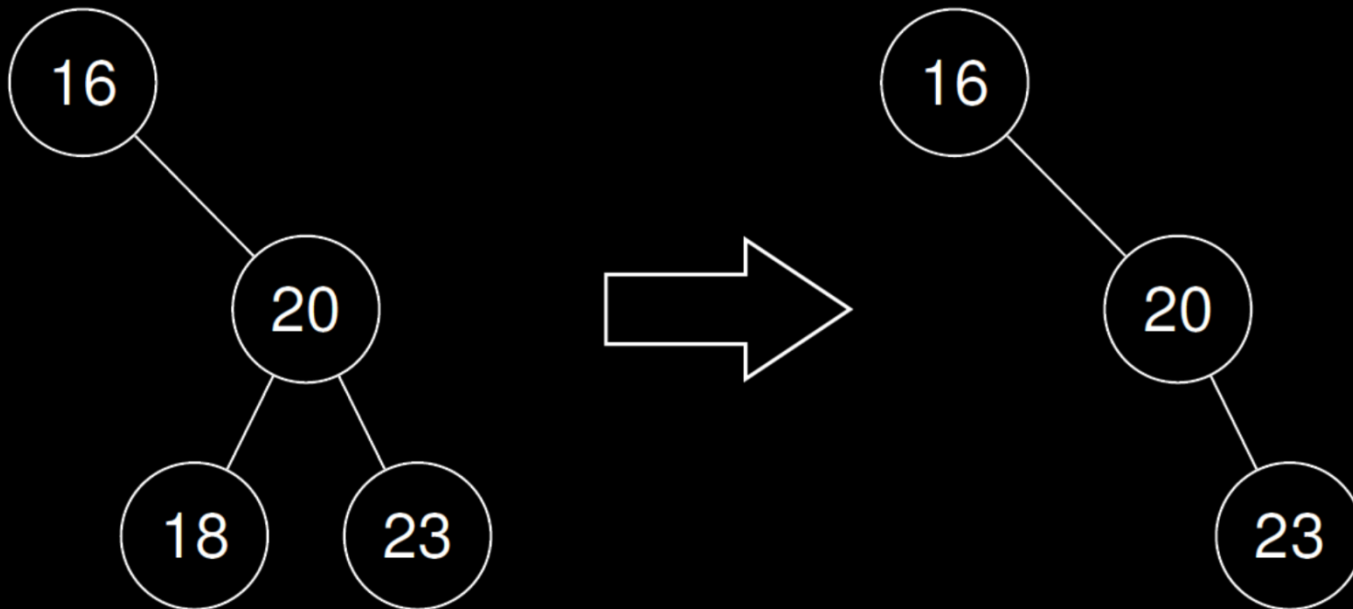
Modifikation: Löschen

Beobachtung

- Das Vorgehen beim Löschen hängt offenbar von der Anzahl der Kinder des zu löschenden Knotens ab.
- Ein Knoten ohne Kinder (Blattknoten) kann direkt entfernt werden.
- Ein Knoten mit einem Kind kann durch Herauslösen entfernt werden.
- Es gibt viele Arten, wie man Knoten mit zwei Kindern entfernen kann (z.B: Ersetzen durch Vorgänger oder Nachfolger)

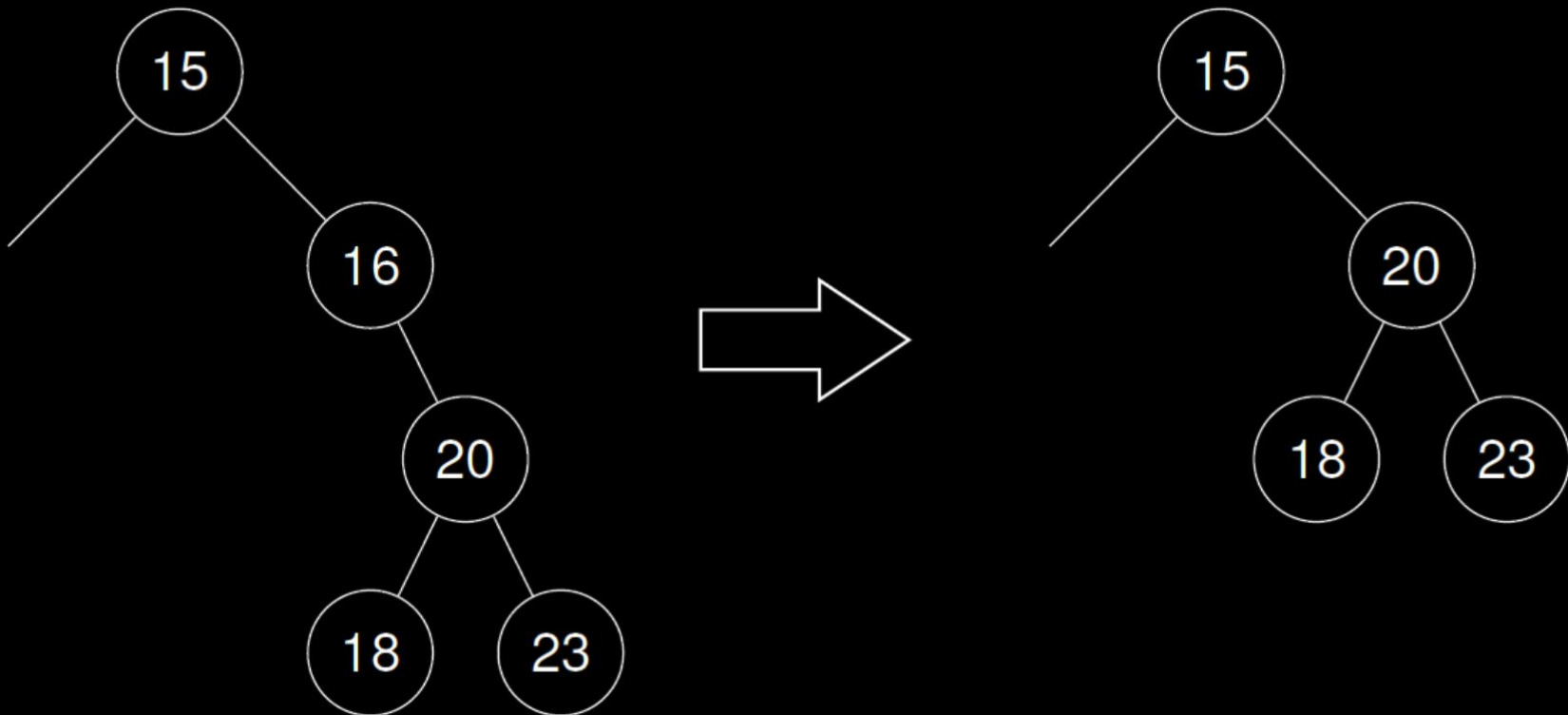
Modifikation: Löschen

z ist Blattknoten



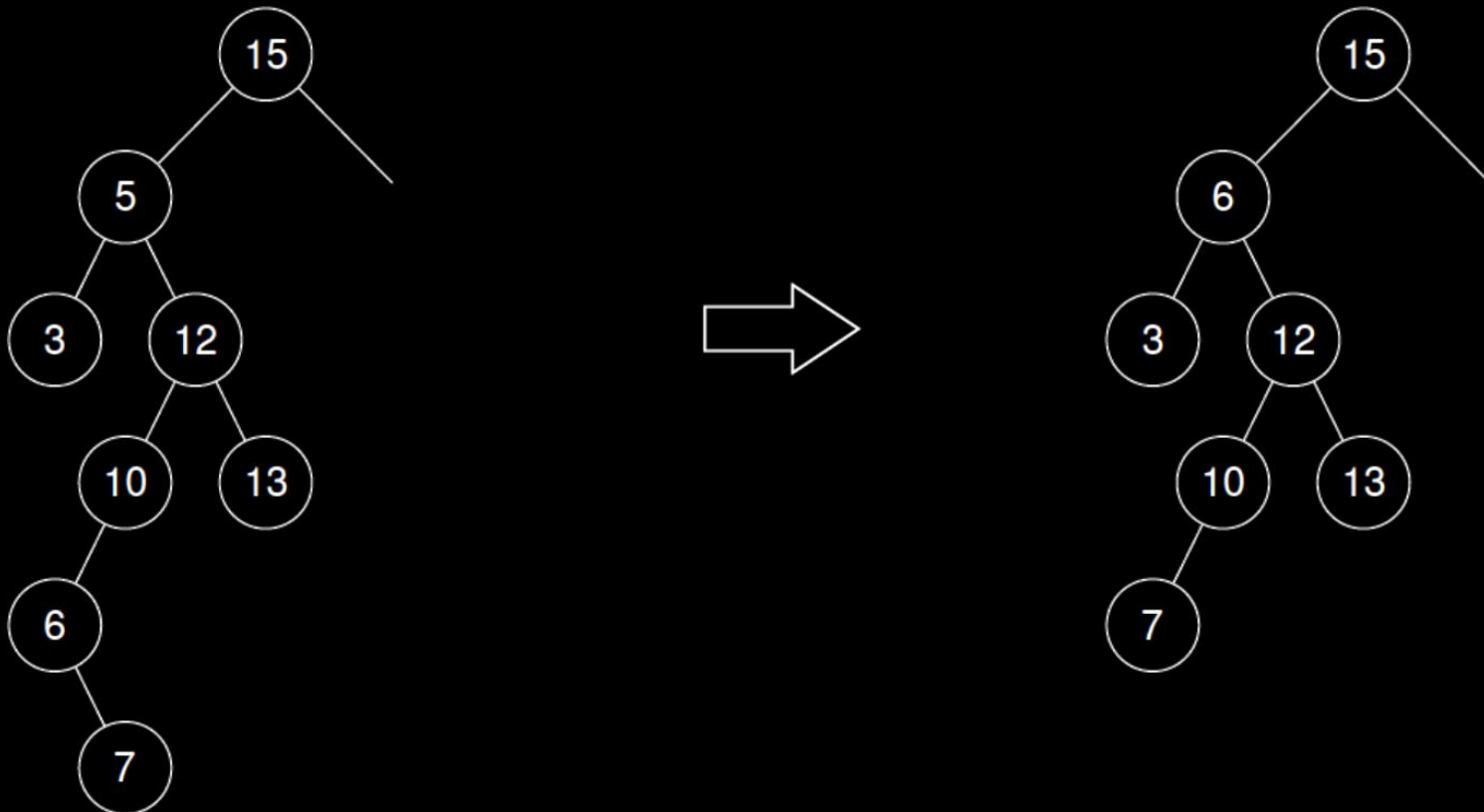
Modifikation: Löschen

z hat 1 Kind



Modifikation: Löschen

z hat 2 Kinder



Modifikation: Löschen

- Funktionsweise
- Hat der zu löschende Knoten z höchstens 1 Kind, so ist das Löschen einfach.
- Hat z kein linkes Kind, so wird z durch sein rechtes Kind ersetzt, auch wenn dies NIL ist. Ist das rechte Kind NIL , dann liegt der Fall vor, dass z keine Kinder hat. Ist das rechte Kind nicht NIL , dann liegt der Fall vor, dass z genau ein Kind hat.
- Hat z genau ein Kind (das muss jetzt das linke Kind sein), so wird z durch sein linkes Kind ersetzt.
- Ansonsten (z hat 2 Kinder) bestimmt man den Nachfolger y von z im rechten Teilbaum, der ja sicher kein linkes Kind hat. y wird herausgelöst und ersetzt z
 1. Ist y rechtes Kind von z , können wir z so ersetzen, da es keine Kinder hat
 2. Ansonsten liegt y mitten im rechten Teilbaum. y wird zunächst durch sein eigenes rechtes Kind x ersetzt. Anschließend wird z durch y ersetzt.

Modifikation: Löschen

Die Funktion TRANSPLANT erledigt das Ersetzen/Umhängen von Teilbäumen.

```
1.  function TRANSPLANT(T, u, v)
2.      if u.parent = NIL then
3.          T.root = v
4.      else if u = u.parent.left then
5.          u.parent.left = v
6.      else
7.          u.parent.right = v
8.      end if
9.      if v ≠ NIL then
10.         v.parent = u.parent
11.      end if
12. end function
```

Erläuterung:

Z. 2-3 Behandelt den Fall, dass *u* die Wurzel des Baums ist.

Z. 4-5 Hängt *v* als linkes Kind ein.

Z. 6-7 Hängt *v* als rechtes Kind ein.

Z. 9-10 Wenn *v* nicht *NIL* ist, wird *v.parent* aktualisiert.

Achtung: *v.left* und *v.right* werden durch die Funktion nicht aktualisiert. Dies muss ggfls. die aufrufende Funktion erledigen.

Modifikation: Löschen

```
1.  function TREE-DELETE(T, z)
2.      if z.left = NIL then
3.          TRANSPLANT(T, z, z.right)
4.      else if z.right = NIL then
5.          TRANSPLANT(T, z, z.left)
6.      else
7.          y = TREE-MINIMUM(z.right)
8.          if y.parent != z then
9.              TRANSPLANT(T, y, y.right)
10.             y.right = z.right
11.             y.right.parent = y
12.          end if
13.          TRANSPLANT(T, z, y)
14.          y.left = z.left
15.          y.left.parent = y
16.      end if
17.  end function
```

Erläuterung:

Z. 2-3 Behandelt den Fall, dass z kein linkes Kind hat.

Z. 4-5 Behandelt den Fall, dass z kein rechtes Kind (aber ein linkes Kind) hat.

Z. 7 Suche des Nachfolgers y von z im rechten Teilbaum.

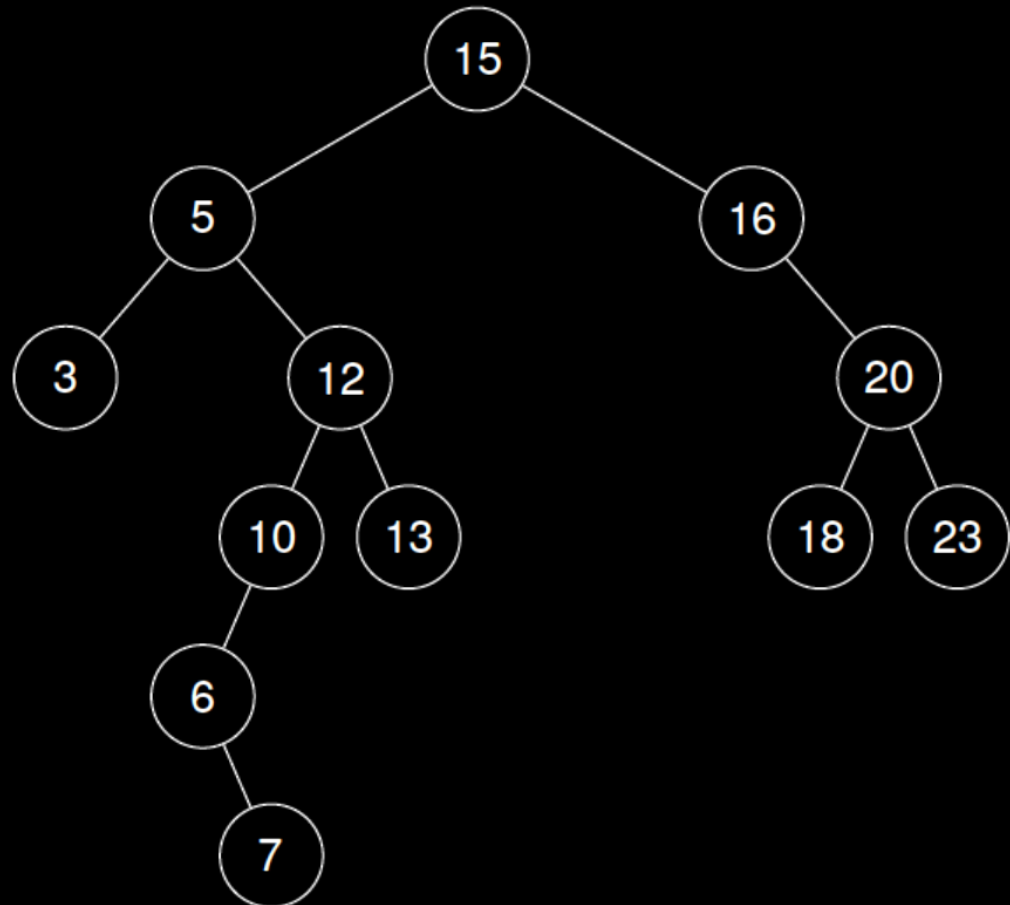
Z. 8-11 Wenn y nicht rechtes Kind von z ist, so wird y zunächst durch sein rechtes Kind ersetzt und anschließend z's rechtes Kind an y gehängt. Danach:

Z. 13-15 y ersetzt z und z's linkes Kind wird an y gehängt.

Modifikation: Löschen

Kleine Übung

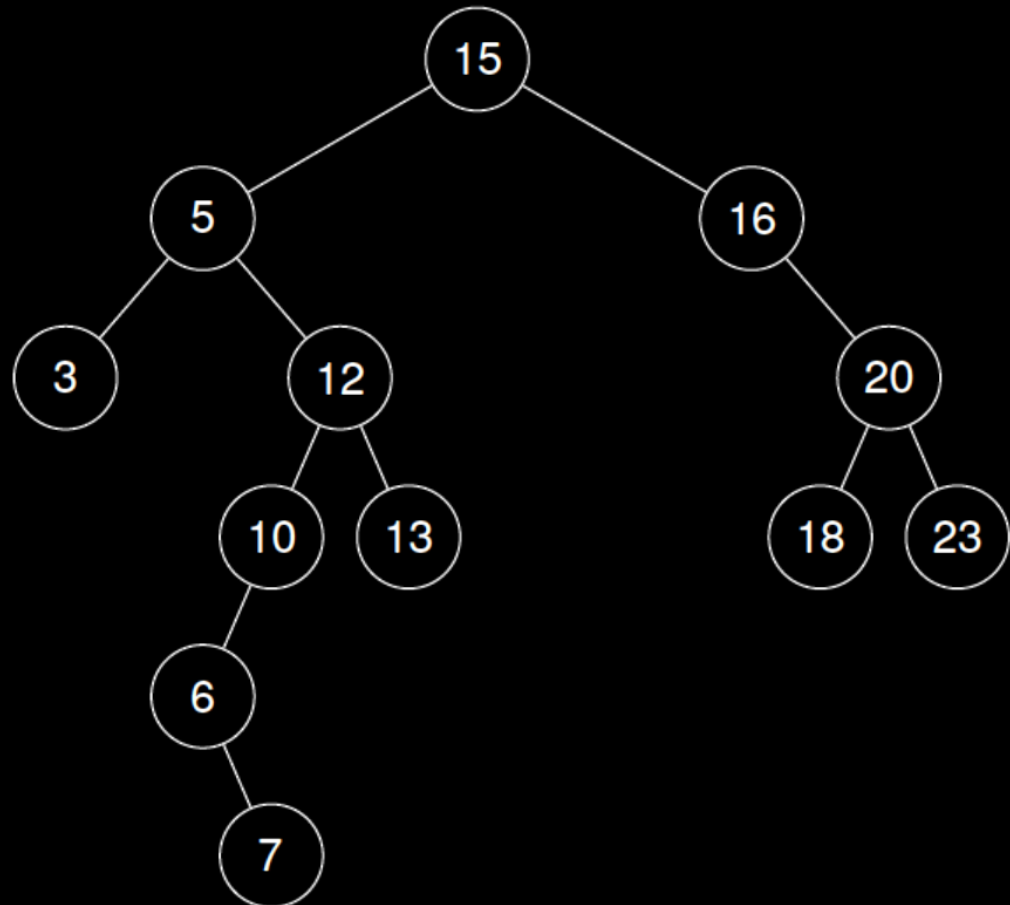
- Löschen Sie aus diesem Baum den Knoten mit Schlüssel 3.
- Protokollieren Sie alle Variablen im Ablauf des Algorithmus.



Modifikation: Löschen

Kleine Übung

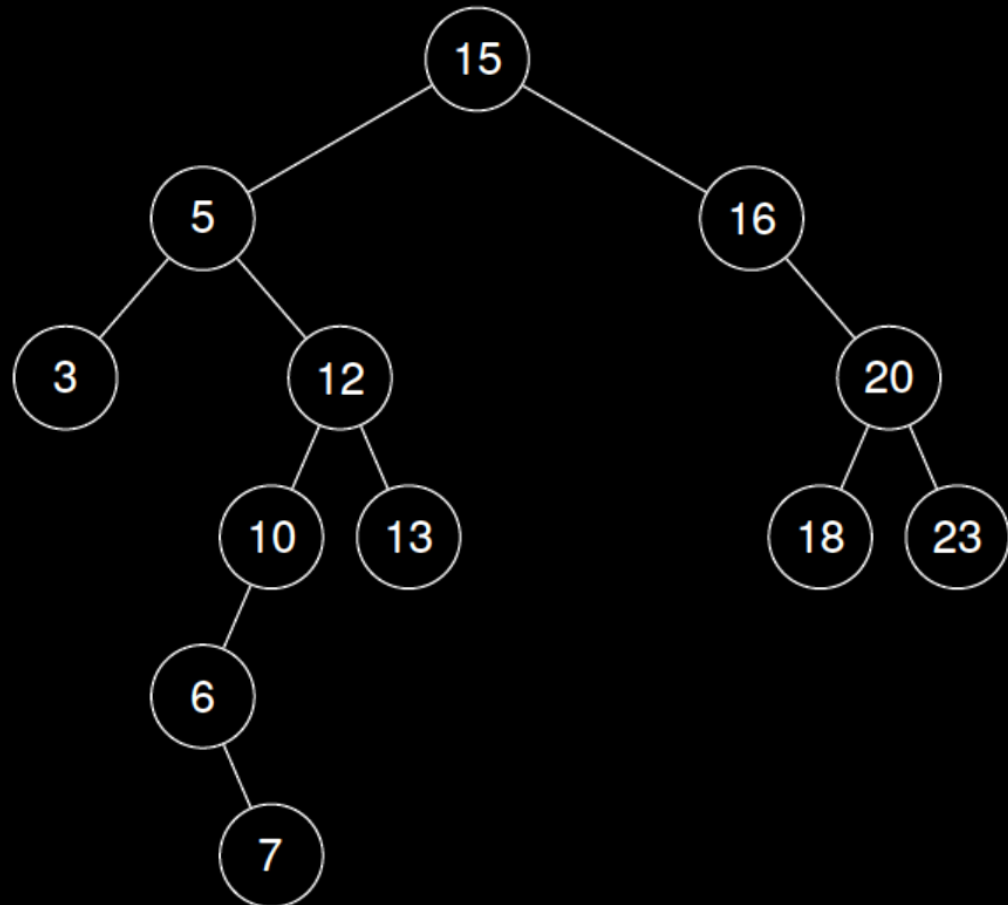
- Löschen Sie aus diesem Baum den Knoten mit Schlüssel 16.
- Protokollieren Sie alle Variablen im Ablauf des Algorithmus.



Modifikation: Löschen

Kleine Übung

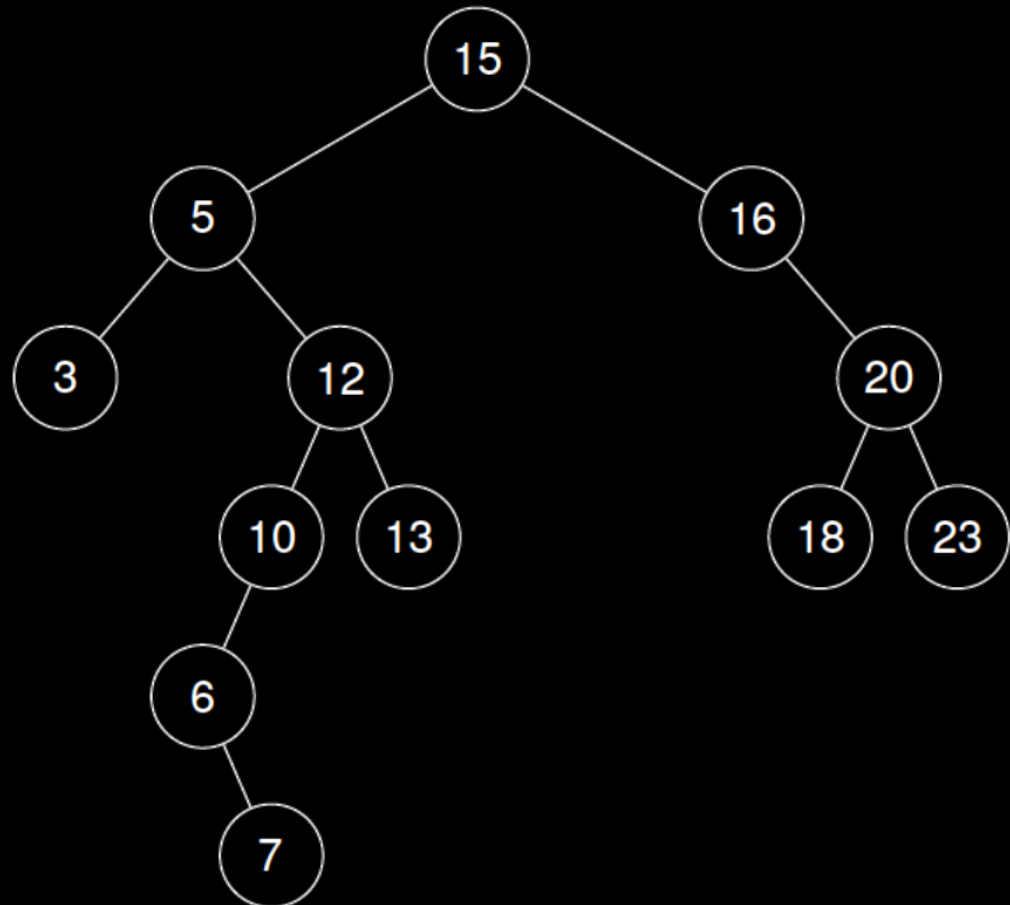
- Löschen Sie aus diesem Baum den Knoten mit Schlüssel 5.
- Protokollieren Sie alle Variablen im Ablauf des Algorithmus.



Modifikation: Löschen

Kleine Übung

- Löschen Sie aus diesem Baum den Knoten mit Schlüssel 15.
- Protokollieren Sie alle Variablen im Ablauf des Algorithmus.



Binäre Suchbäume

Zusammenfassung

- Alle Wörterbuchoperationen konnten effizient realisiert werden.
 - Ungünstigste Laufzeit: $T(n) = O(n)$
 - Günstigste Laufzeit: $T(n) = O(h) = O(\log n)$
- Wir wissen wenig über die Struktur (v.a. Höhe) eines Baums im allgemeinen Fall.
- Man kann zeigen, dass die erwartete Höhe eines BST im mittleren Fall $O(\log n)$ ist.
- Dennoch: Hinzufügen und Löschen kann im Verlauf der Lebenszeit eines Baums zu ungünstigen, nicht balancierten Bäumen führen.
- Im nächsten Kapitel wird eine Variante der BST vorgestellt, die zu „einigermaßen“ balancierten Bäumen führt.