Министерство науки и высшего образования Российской Федерации Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Московский государственный технический университет имени Н.Э. Баумана

(национальный исследовательский университет)» (МГТУ им. Н.Э. Баумана)

Факультет «Информатика и системы управления» Кафедра ИУ5 «Системы обработки информации и управления»

Курс «Технологии машинного обучения»

Отчёт по рубежному контролю №1

«Технологии разведочного анализа и обработки данных»

Вариант №2

Выполнила:

студентка группы ИУ5-63Б

Шаповалова В.В.

Преподаватель:

Гапанюк Ю. Е.

Задание:

Задача №3.

Для заданного набора данных произведите масштабирование данных (для одного признака) и преобразование категориальных признаков в количественные двумя способами (label encoding, one hot encoding) для одного признака. Для студентов групп ИУ5-63Б - для произвольной колонкиданных построить график "Ящик с усами (boxplot)".

Набор данных:

https://scikit-

<u>learn.org/stable/modules/generated/sklearn.datasets.load_iris.html#sklearn.datasets</u>.load_iris

Решение:

Подключим все необходимые библиотеки, загрузим набор данных и проверим, что все успешно подключилось:

```
In [372]: from sklearn.datasets import load_wine
          import numpy as np
          import pandas as pd
          import seaborn as sns
          import matplotlib.pyplot as plt
In [373]: data = load_wine()
In [348]: data.feature_names
Out[348]: ['alcohol',
            'malic_acid',
            'ash',
            'alcalinity_of_ash',
            'magnesium',
            'total_phenols',
            'flavanoids',
            'nonflavanoid_phenols',
            'proanthocyanins',
            'color_intensity',
            'hue',
            'od280/od315_of_diluted_wines',
            'proline']
```

Создаем датафрейм:

```
data = pd.DataFrame(data=data['data'], columns=data['feature_names'])
```

data.shape

(178, 13)

data.dtypes

float64 alcohol malic_acid float64 ash float64 alcalinity_of_ash float64 magnesium float64 total_phenols float64 flavanoids float64 nonflavanoid_phenols float64 proanthocyanins float64 color_intensity float64 float64 od280/od315_of_diluted_wines float64 proline float64

dtype: object

data.head()												
	alcohol	malic_acid	ash	alcalinity_of_ash	magnesium	total_phenols	flavanoids	nonflavanoid_phenols	proanthocyanins	color_intensity	hue	od280/od315
0	14.23	1.71	2.43	15.6	127.0	2.80	3.06	0.28	2.29	5.64	1.04	
1	13.20	1.78	2.14	11.2	100.0	2.65	2.76	0.26	1.28	4.38	1.05	
2	13.16	2.36	2.67	18.6	101.0	2.80	3.24	0.30	2.81	5.68	1.03	
3	14.37	1.95	2.50	16.8	113.0	3.85	3.49	0.24	2.18	7.80	0.86	
4	13.24	2.59	2.87	21.0	118.0	2.80	2.69	0.39	1.82	4.32	1.04	
4												

Преобразование категориальных признаков в количественные

Использование LabelEncoder

```
In [354]: from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
 In [355]: cat_enc['c1'].unique()
 Out[355]: array([1.04 , 1.05 , 1.03 , 0.86 , 1.02 , 1.06 , 1.08 , 1.01 , 1.25 ,
                   1.17 , 1.15 , 1.2\, , 1.28 , 1.07 , 1.13 , 1.23 , 0.96 , 1.09 ,
                   1.11 \ , \ 1.12 \ , \ 0.92 \ , \ 1.19 \ , \ 1.1 \  \ , \ 1.18 \ , \ 0.89 \ , \ 0.95 \ , \ 0.91 \ ,
                   0.88 , 0.82 , 0.87 , 1.24 , 0.98 , 0.94 , 1.22 , 1.45 , 0.906\text{,}
                   1.36 , 1.31 , 0.99 , 1.38 , 1.16 , 0.84 , 0.79 , 1.33 , 1.
                   1.42 , 1.27 , 0.8 , 0.75 , 0.9 , 0.93 , 1.71 , 0.7 , 0.73
                   0.69 , 0.97 , 0.76 , 0.74 , 0.66 , 0.78 , 0.81 , 0.77 , 0.65
                   0.6 , 0.58 , 0.54 , 0.55 , 0.57 , 0.59 , 0.48 , 0.61 , 0.56 , 0.67 , 0.68 , 0.85 , 0.72 , 0.62 , 0.64 ])
In [356]: lab_enc = LabelEncoder()
            cat_enc_lab_enc= lab_enc.fit_transform(cat_enc['c1'])
In [356]: lab_enc = LabelEncoder()
           cat_enc_lab_enc= lab_enc.fit_transform(cat_enc['c1'])
In [357]: lab_enc.classes_
Out[357]: array([0.48, 0.54, 0.55, 0.56, 0.57, 0.58, 0.59, 0.6, 0.61,
                    0.62 , 0.64 , 0.65 , 0.66 , 0.67 , 0.68 , 0.69 , 0.7
                                                                                , 0.72 ,
                   0.73 , 0.74 , 0.75 , 0.76 , 0.77 , 0.78 , 0.79 , 0.8 , 0.81 ,
                    0.91 \ , \ 0.92 \ , \ 0.93 \ , \ 0.94 \ , \ 0.95 \ , \ 0.96 \ , \ 0.97 \ , \ 0.98 \ , \ 0.99 \ , 
                        , 1.01 , 1.02 , 1.03 , 1.04 , 1.05 , 1.06 , 1.07 , 1.08 ,
                   1.09 , 1.1 , 1.11 , 1.12 , 1.13 , 1.15 , 1.16 , 1.17 , 1.18 , 1.19 , 1.2 , 1.22 , 1.23 , 1.24 , 1.25 , 1.27 , 1.28 , 1.31 ,
                   1.33 , 1.36 , 1.38 , 1.42 , 1.45 , 1.71 ])
In [358]: cat_enc_lab_enc
Out[358]: array([49, 50, 48, 30, 49, 50, 47, 51, 53, 46, 68, 61, 59, 68, 64, 70, 52,
                   58, 66, 41, 54, 48, 56, 54, 57, 58, 37, 47, 68, 49, 63, 54, 66, 68,
                   55, 49, 54, 57, 62, 33, 40, 36, 32, 27, 32, 31, 49, 36, 52, 57, 57,
                    67, 46, 58, 37, 43, 39, 52, 33, 50, 68, 43, 66, 65, 76, 63, 57, 57,
                    47, 70, 35, 73, 43, 71, 44, 66, 63, 41, 51, 63, 74, 60, 71, 28, 24,
                   66, 72, 73, 45, 52, 53, 50, 41, 59, 60, 60, 40, 66, 49, 75, 69, 49,
                   25, 39, 49, 30, 45, 32, 30, 41, 20, 34, 66, 55, 38, 77, 40, 51, 16,
                    38, 25, 38, 37, 18, 20, 30, 15, 42, 33, 24, 21, 19, 12, 23, 20, 18,
                   20, 27, 26, 33, 22, 16, 33, 36, 11, 7, 5, 1, 2, 4, 6, 0, 8, 3, 5, 7, 4, 13, 4, 4, 3, 41, 31, 14, 16, 23, 29, 17, 19, 13, 12, 4, 9, 10, 16, 6, 7, 8], dtype=int64)
In [359]: np.unique(cat_enc_lab_enc)
Out[359]: array([ 0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33,
                    34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50,
                    51, 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67,
                    68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77], dtype=int64)
```

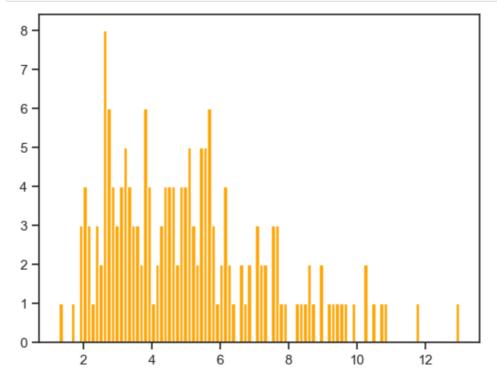
Кодирование категорий наборами бинарных значений - one-hot encoding

```
In [374]: | cat_enc_ohe.todense()[0:20]
Out[374]: matrix([[0., 0., 0., ..., 0., 0., 0.],
                   [0., 0., 0., ..., 0., 0., 0.]
                   [0., 0., 0., ..., 0., 0., 0.],
                   [0., 0., 0., ..., 0., 0., 0.],
                   [0., 0., 0., \ldots, 0., 0., 0.]
                   [0., 0., 0., ..., 0., 0., 0.]])
In [366]: cat_enc.head(10)
Out[366]:
               с1
           0 1.04
           1 1.05
           2 1.03
           3 0.86
           4 1.04
           5 1.05
           6 1.02
           7 1.06
           8 1.08
           9 1.01
```

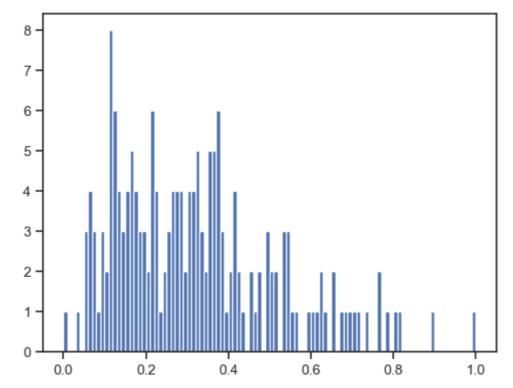
Масштабирование данных (МіпМах подход)

```
In [398]: from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler, StandardScaler, Normalizer
In [399]: sc1 = MinMaxScaler()
    sc1_data = sc1.fit_transform(data[['color_intensity']])
In [400]: plt.hist(data['color_intensity'], 100,color='orange')
    plt.figure(figsize=(12, 5))
    plt.show()
```

```
In [400]: plt.hist(data['color_intensity'], 100,color='orange')
    plt.figure(figsize=(12, 5))
    plt.show()
```



In [401]: plt.hist(sc1_data,100)
 plt.figure(figsize=(12, 5))
 plt.show()



```
In [402]: sns.boxplot(x=data['color_intensity'])
```

Out[402]: <AxesSubplot: xlabel='color_intensity'>

