



Manipulation de données avec dplyr

Vincent Guillemot
Amaury Vaysse

Avant toutes choses

- On crée un projet
- On crée un script
- On charge les données `fruits`

```
library(dplyr)  
data("fruits", package = "minidebuter")
```

Comment créer une nouvelle colonne ?

Par sécurité : je crée une copie de mes données

```
fruits2 <- fruits
```

On utilise le plus souvent l'opérateur \$:

```
fruits2$Sucres_ratio <- fruits2$Sucres / 100
```

Le principe de l'ajout de colonne

Sur un tableau `tab`, je souhaite ajouter la colonne `A` :

```
tab$A <- nouvelles_valeurs
```

Attention :

- Si la colonne `A` existe déjà, les valeurs sont écrasées
- Si les nouvelles valeurs ne sont pas de la bonne longueur, elles sont recyclées
- Sans rien dire pour les `data.frame`, avec une erreur pour les `tibble`

Exemple d'erreur

```
fruits2$recyclage <- c(0, 1)
```

Erreur : Assigned data `c(0, 1)` must be compatible with existing data.

x Existing data has 51 rows.

x Assigned data has 2 rows.

i Only vectors of size 1 are recycled.

Run `rlang::last_error()` to see where the error occurred.

Exemple d'horreur !

```
mtcars2 <- mtcars
mtcars2$recyclage <- c(0, 1)
mtcars2$recyclage
#> [1] 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1 0 1
```

Le tydiverse

Enchaîner les commandes avec magrittr

- On utilise un opérateur

$\%>\%$

- Avant : $f(g(x))$

- Après : $g(x) \%>\% f()$

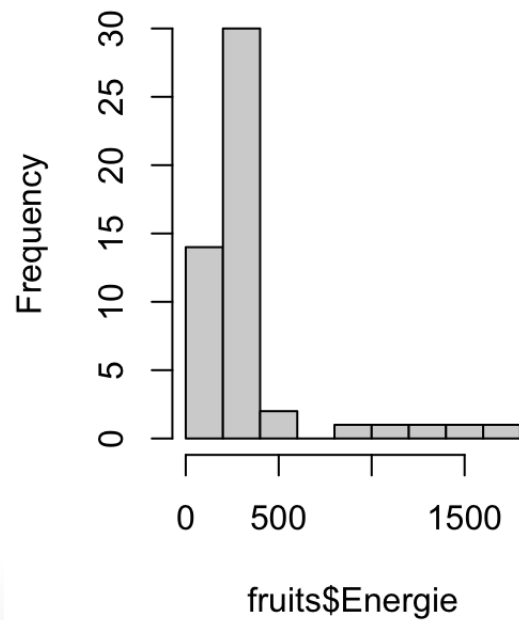


Exemple

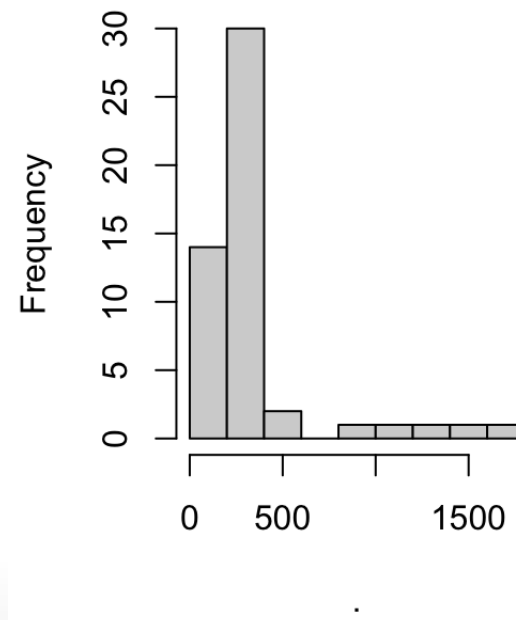
```
## Histogramme  
hist(fruits$Energie)
```

```
library(magrittr)  
fruits$Energie %>% hist()
```

Histogram of fruits\$Energie



Histogram of .



Le tidyverse

Tidyverse: <https://www.tidyverse.org/>



Charger les packages

Charger le package `dplyr`...

```
library(dplyr) # ou require(dplyr)
```

Ou bien charger `tidyverse`...

```
library(tidyverse)
```

... mais cela chargera d'autres packages en plus

Le format “tibble”

Les données sont au format “tibble” : c’est comme des “data-frames” mais en mieux !

```
fruits
#> # A tibble: 51 × 18
#>   nom      groupe Energie   Eau Proteines Glucides Lipides Sucres Fructose Fibres Calcium Magnesium
#>   <chr> <chr>      <dbl> <dbl>      <dbl>   <dbl>   <dbl> <dbl>   <dbl> <dbl>   <dbl>      <dbl>
#> 1 Abri... crus      194  87.1      0.81    9.01    0.25    6.7    1.3    1.7    15      8.4
#> 2 Abri... secs     1010  24.7      2.88   59.1    0.5    34.3   10.6    8.3    71     41
#> 3 Anan... exoti...   304  81.3      0.94   15.1    0.25   14.9    2.8    2.4    6.3    15
#> 4 Bana... exoti...   383  75.8      1.06   19.7    0.25   15.6    3.8    2.7    5.1    28
#> 5 Cann... secs     1410  14.6      0.25   76.4    1     72.8   28.4    5.7    8      3.9
#> 6 Ceri... crus      235  85.7      0.81    13     0.25   10     4.6    1.6    9.9    8.8
#> 7 Citr... crus      118  91.3      0.25    1.56   0.25    0.8    0.4    0.25   11     7.9
#> 8 Clem... crus      200  87       0.81    9.17   0.25    8.6    1.5    1.7    23     9.3
#> 9 Comp... compo...   279  82.9      0.25   15.3    0.08   14.6    6.92   1.6    6.2    5.5
#> 10 Comp... compo...   432  72.9      0.23   24.4    0.21   20.7    7.9    1.53   4.44   5.09
#> # i 41 more rows
#> # i 6 more variables: Phosphore <dbl>, Potassium <dbl>, Zinc <dbl>, BetaCarotene <dbl>,
#> #   VitamineE <dbl>, VitamineC <dbl>
```

Les fonctions de dplyr

Nous allons voir ensemble quelques fonctions très pratiques de la librairie `dplyr`.

#	Fonction (US)	Fonction (UK)	Description
1	<code>mutate</code>	<code>mutate</code>	Créer ou modifier des colonnes
2	<code>select</code>	<code>select</code>	Sélectionner des colonnes
3	<code>relocate</code>	<code>relocate</code>	Ré-arranger des colonnes
4	<code>arrange</code>	<code>arrange</code>	Trier les lignes
5	<code>filter</code>	<code>filter</code>	Sélectionner des lignes
6	<code>group_by</code>	<code>group_by</code>	Grouper des lignes
7	<code>summarize</code>	<code>summarise</code>	Résumer des groupes
8	<code>count</code>	<code>count</code>	Compter

dplyr : go wrangling



Créer ou modifier des colonnes

Avec la fonction `mutate`.

```
fruits2 <- fruits %>%  
  mutate(Sucres_ratio = Sucres / 100)  
  
head(fruits2[, "Sucres_ratio"])  
#> # A tibble: 6 × 1  
#>   Sucres_ratio  
#>       <dbl>  
#> 1      0.067  
#> 2      0.343  
#> 3      0.149  
#> 4      0.156  
#> 5      0.728  
#> 6      0.1
```

Avec les fonctions classiques.

```
fruits2 <- fruits  
fruits2$Sucres_ratio <-  
  fruits2$Sucres / 100  
  
head(fruits2[, "Sucres_ratio"])  
#> # A tibble: 6 × 1  
#>   Sucres_ratio  
#>       <dbl>  
#> 1      0.067  
#> 2      0.343  
#> 3      0.149  
#> 4      0.156  
#> 5      0.728  
#> 6      0.1
```

Sélectionner des colonnes

Avec la fonction `select`.

```
fruits %>%  
  select(  
    Energie,  
    Sucres,  
    Lipides,  
    Proteines)
```

Avec les fonctions classiques.

```
fruits[,  
  c(  
    "Energie",  
    "Sucres",  
    "Lipides",  
    "Proteines")]
```


Sélectionner des colonnes - bis

la fonction `select` est très versatile !

```
fruits %>%  
  select(Energie:Proteines, - Eau)
```

On peut sélectionner des plages entières de colonnes sur la base de leurs noms, en enlever avec le `-`, combiner tout cela avec la fonction `c()` ... ou pas !

Attention, la flexibilité a un coût !

Trier des lignes

Avec les fonctions `arrange` et `desc`.

```
fruits %>%
  select(Energie, Sucres, Fibres) %>%
  arrange(desc(Fibres))
#> # A tibble: 51 × 3
#>   Energie Sucres Fibres
#>   <dbl> <dbl> <dbl>
#> 1    1010   34.3    8.3
#> 2     425    8.5    6.8
#> 3    1410   72.8    5.7
#> 4     198    6.1    5.2
#> 5     969   38.1    5.1
#> 6     289    6.63   4.6
#> 7     206    5.4    4.3
#> 8     170    2.1    4.3
#> 9    1360   70.3    4.2
#> 10     293   12.2    4.1
#> # i 41 more rows
```

Avec les fonctions classiques

```
fruits[
  order(fruits$Fibres, decreasing = TRUE),
  c("Energie", "Sucres", "Fibres")]
#> # A tibble: 51 × 3
#>   Energie Sucres Fibres
#>   <dbl> <dbl> <dbl>
#> 1    1010   34.3    8.3
#> 2     425    8.5    6.8
#> 3    1410   72.8    5.7
#> 4     198    6.1    5.2
#> 5     969   38.1    5.1
#> 6     289    6.63   4.6
#> 7     206    5.4    4.3
#> 8     170    2.1    4.3
#> 9    1360   70.3    4.2
#> 10     293   12.2    4.1
#> # i 41 more rows
```

Sélectionner des lignes

Avec la fonction `filter`.

```
fruits %>%
  filter(Sucres > 60)
#> # A tibble: 2 × 18
#>   nom      groupe Energie   Eau Proteines Gluc
#>   <chr>   <chr>     <dbl> <dbl>     <dbl>  <
#> 1 Canne... secs      1410  14.6     0.25
#> 2 Raisin secs      1360  16        3
#> # i 6 more variables: Phosphore <dbl>, Potas
#> #   VitamineE <dbl>, VitamineC <dbl>
```

Avec les fonctions classiques.

```
fruits[fruits$Sucres > 60, ]
#> # A tibble: 2 × 18
#>   nom      groupe Energie   Eau Proteines Glucides Lipid
#>   <chr>   <chr>     <dbl> <dbl>     <dbl>   <dbl>  <db
#> 1 Canne... secs      1410  14.6     0.25     76.4    1
#> 2 Raisin secs      1360  16        3     73.2    0
#> # i 6 more variables: Phosphore <dbl>, Potassium <dbl>
#> #   VitamineE <dbl>, VitamineC <dbl>
```

Sélectionner des plages de lignes

Avec la fonction `slice`.

```
fruits %>%
  slice(3:10)
#> # A tibble: 8 × 18
#>   nom      groupe Energie   Eau Proteines Gluc
#>   <chr>   <chr>     <dbl> <dbl>     <dbl> <dbl>
#> 1 Ananas exoti...   304  81.3     0.94    1
#> 2 Banane exoti...   383  75.8     1.06    1
#> 3 Canne... secs   1410  14.6     0.25    7
#> 4 Cerise crus     235  85.7     0.81    1
#> 5 Citron crus     118  91.3     0.25
#> 6 Cleme... crus    200  87       0.81
#> 7 Compo... compo... 279  82.9     0.25    1
#> 8 Compo... compo... 432  72.9     0.23    2
#> # i 6 more variables: Phosphore <dbl>, Potas
#> #   VitamineE <dbl>, VitamineC <dbl>
```

Avec les fonctions classiques.

```
fruits[3:10, ]
#> # A tibble: 8 × 18
#>   nom      groupe Energie   Eau Proteines Glucides Lipid
#>   <chr>   <chr>     <dbl> <dbl>     <dbl>     <dbl> <dbl>
#> 1 Ananas exoti...   304  81.3     0.94    15.1    0.
#> 2 Banane exoti...   383  75.8     1.06    19.7    0.
#> 3 Canne... secs   1410  14.6     0.25    76.4    1
#> 4 Cerise crus     235  85.7     0.81     13    0.
#> 5 Citron crus     118  91.3     0.25     1.56    0.
#> 6 Cleme... crus    200  87       0.81     9.17    0.
#> 7 Compo... compo... 279  82.9     0.25    15.3    0.
#> 8 Compo... compo... 432  72.9     0.23    24.4    0.
#> # i 6 more variables: Phosphore <dbl>, Potassium <dbl>
#> #   VitamineE <dbl>, VitamineC <dbl>
```

Grouper des lignes

Avec la fonction `group_by` :

```
fruits %>% group_by(groupe)
#> # A tibble: 51 × 18
#> # Groups:   groupe [4]
#>   nom     groupe Energie   Eau Proteines Glucides Lipides Sucres Fructose Fibres Calcium Magnesium
#>   <chr> <chr>      <dbl> <dbl>      <dbl>   <dbl>   <dbl> <dbl>   <dbl> <dbl>   <dbl>   <dbl>
#> 1 Abri... crus      194  87.1      0.81    9.01    0.25    6.7    1.3    1.7    15      8.4
#> 2 Abri... secs     1010  24.7      2.88   59.1    0.5    34.3   10.6    8.3    71     41
#> 3 Anan... exoti...   304  81.3      0.94   15.1    0.25   14.9    2.8    2.4    6.3    15
#> 4 Bana... exoti...   383  75.8      1.06   19.7    0.25   15.6    3.8    2.7    5.1    28
#> 5 Cann... secs     1410  14.6      0.25   76.4    1      72.8   28.4    5.7    8      3.9
#> 6 Ceri... crus      235  85.7      0.81    13     0.25    10     4.6    1.6    9.9    8.8
#> 7 Citr... crus      118  91.3      0.25    1.56   0.25    0.8    0.4    0.25   11     7.9
#> 8 Clem... crus      200  87       0.81    9.17   0.25    8.6    1.5    1.7    23     9.3
#> 9 Comp... compo...   279  82.9      0.25   15.3    0.08   14.6    6.92   1.6    6.2    5.5
#> 10 Comp... compo...   432  72.9      0.23   24.4    0.21   20.7    7.9    1.53   4.44   5.09
#> # i 41 more rows
#> # i 6 more variables: Phosphore <dbl>, Potassium <dbl>, Zinc <dbl>, BetaCarotene <dbl>,
#> #   VitamineE <dbl>, VitamineC <dbl>
```

Les données sont prêtes à être “traitées” groupe par groupe. PS : L’opération `ungroup()` permet d’enlever les groupes.

Calculer une moyenne

Avec la fonction `summarize`.

```
fruits %>%  
  group_by(groupe) %>%  
  summarize(SucreMoyen = mean(Sucres))  
#> # A tibble: 4 × 2  
#>   groupe   SucreMoyen  
#>   <chr>         <dbl>  
#> 1 compote      15.5  
#> 2 crus         9.68  
#> 3 exotique     11.4  
#> 4 secs        55.0
```

Avec les fonctions classiques.

```
aggregate(fruits$Sucres,  
          by = list(fruits$groupe),  
          FUN = mean)  
#>   Group.1      x  
#> 1 compote 15.533333  
#> 2 crus   9.684242  
#> 3 exotique 11.380000  
#> 4 secs  54.980000
```

Exercice(s)

Calculer l'énergie moyenne, la teneur en sucres médiane et le maximum de la teneur en Fibres par groupe de fruits et trier le tout par ordre décroissant du maximum de la teneur en Fibres !

Deux autres fonctions pour sélectionner ou transformer des colonnes

	Sélectionne	Ne sélectionne pas
Ne transforme pas	<code>select</code>	<code>rename</code>
Peut transformer	<code>transmute</code>	<code>mutate</code>



David Robinson

Principal Data Scientist at Heap

Compter

Avec le “verbe” count :

```
fruits %>% count(groupe)
#> # A tibble: 4 × 2
#>   groupe      n
#>   <chr>    <int>
#> 1 compote      3
#> 2 crus        33
#> 3 exotique     10
#> 4 secs         5
```

On peut ensuite ranger les résultats par ordre décroissant :

```
fruits %>%
  count(groupe) %>%
  arrange(desc(n))
#> # A tibble: 4 × 2
#>   groupe      n
#>   <chr>    <int>
#> 1 crus        33
#> 2 exotique     10
#> 3 secs         5
#> 4 compote      3
```

Compter deux choses à la fois

Par exemple, compter dans chaque groupe le nombre de fruits dont la teneur en Vitamine C est inférieure ou supérieure à 50 :

```
fruits %>%  
  mutate(VitCqual = cut(VitamineC, c(0, 50, 100))) %>%  
  count(groupe, VitCqual, name = "N")  
#> # A tibble: 6 × 3  
#>   groupe   VitCqual     N  
#>   <chr>   <fct>   <int>  
#> 1 compote (0,50]     3  
#> 2 crus    (0,50]    32  
#> 3 crus    (50,100]   1  
#> 4 exotique (0,50]     7  
#> 5 exotique (50,100]   3  
#> 6 secs    (0,50]     5
```

Super bonus : la table de contingence

Ce n'est pas facile, il vaut mieux utiliser la fonction `table` :

```
library(tidyr)
fruits %>%
  mutate(VitCqual = cut(VitamineC, c(0, 50, 100))) %>%
  count(groupe, VitCqual, name = "N") %>%
  pivot_wider(id_cols = groupe,
              names_from = VitCqual,
              values_from = N)

#> # A tibble: 4 × 3
#>   groupe   `(0,50]`   `(50,100]`
#>   <chr>     <int>     <int>
#> 1 compote         3         NA
#> 2 crus           32          1
#> 3 exotique         7          3
#> 4 secs            5         NA
```

Avec les illustrations de Allison Horst
(<https://www.allisonhorst.com/>)

D'autres fonctions utiles en bonus

dplyr^{1.0.0}::relocate()
move Columns around!

Default: move to FRONT
or move to
.before or .after
A SPECIFIED COLUMN!




dplyr::**across()**

use within `mutate()`
or `summarize()` to
apply function(s) to
a **selection of columns!**

EXAMPLE:

```
df %>%  
  group_by(species) %>%  
  summarize(  
    across(where(is.numeric), mean)  
  )
```



species	mass_g	age_yr	range_sqmi
pika	163	2.4	0.46
marmot	1509	3.0	0.87
marmot	2417	5.6	0.62

@allison_horst

dplyr::case_when()

IF ELSE...
(but you love it?)

df %>% ^{ADD COLUMN 'danger'}

```
mutate(danger = case_when(type == "kraken" ~ "extreme!",  
                           TRUE ~ "high"))
```

IF type is kraken THEN danger is extreme!
TRUE ~ "high"
OTHERWISE, danger is high.



@allison_horst

Data Wrangling with dplyr and tidyr

Cheat Sheet



Il y a tellement d'autres fonctions !