

Je ne me souviens plus des commandes!

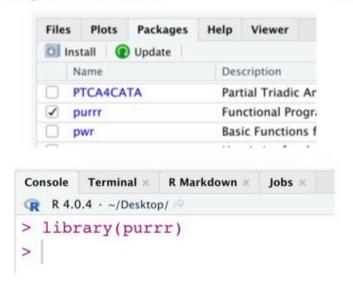


Installation : une seule fois*



*sauf quand on doit le faire à nouveau

Chargement: souvent!



> laFonctionQueJeVoulaisUtiliser(42)

Comment installer des packages depuis...

- Bioconductor?
 - 1. Installer le package BiocManager depuis le CRAN
 - 2. Exécuter la commande BiocManager::install("le_nom_du_package")
- · GitHub?
 - 1. Installer devtools
 - 2. Exécuter la commande devtools::install_github("username/repository").
- · Du code source?
 - 1. Mettre le source tar gz dans son dossier de travail...
 - 2. ou l'inverse.
 - 3. Exécuter la commande install.package("source.tar.gz", repos = NULL, type =
 "source").

Exercices

Installez le package du cours

Dans le cadre de ce cours, j'ai créé un package R contenant :

- les slides (html)
- les données fruits (csv, xlsx, et RData)
- des TDs interactifs (html)

Installez ce package avec la commande

remotes::install_github("vguillemot/minidebuter")

Explorez la documentation du package

- 1. Charger le package : library(minidebuter)
- 2. Regardez l'aide "générale" du package : ?"minidebuter-package"
- 3. Regardez l'aide la fonction bonjour: ?bonjour
- 4. Regardez l'aide du jeu de données fruits: ?fruits

Les tutoriels!