















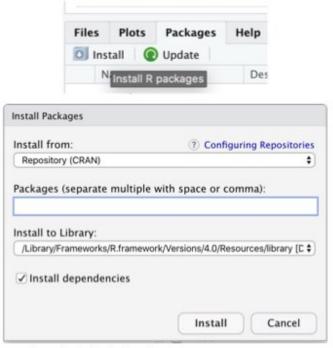




Je ne me souviens plus des commandes!

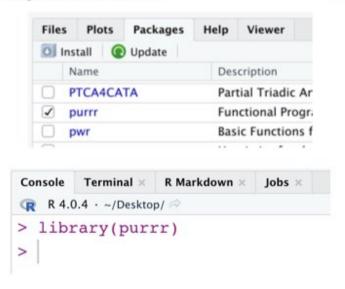


Installation: une seule fois*



*sauf quand on doit le faire à nouveau

Chargement: souvent!



> laFonctionQueJeVoulaisUtiliser(42)

Comment installer des packages depuis...

- · Bioconductor?
 - 1. Installer le package BiocManager depuis le CRAN
 - 2. Exécuter la commande BiocManager::install("le_nom_du_package")
- · GitHub?
 - 1. Installer remotes
 - 2. Exécuter la commande remotes::install_github("username/repository").
- · Du code source?
 - 1. Mettre le source.tar.gz dans son dossier de travail...
 - 2. ou l'inverse.
 - 3. Exécuter la commande install.package("source.tar.gz", repos = NULL, type =
 "source").

Exercices

Installez le package du cours

Dans le cadre de ce cours, j'ai créé un package R contenant :

- les slides (html et pdf)
- les données fruits (csv, xlsx, et RData)
- · les données nutriwi (csv, xlsx, et RData)
- des tutoriels interactifs (html)

Installez ce package avec la commande

remotes::install github("vguillemot/intro2r")

Explorez la documentation du package

- 1. Chargez le package : library(intro2r)
- 2. Regardez l'aide "générale" du package : ?intro2r-package
- 3. Regardez l'aide des données : ?fruits
- 4. Exécutez la commande bonjour ()

lls sont disponibles dans un onglet spécial de Rstudio si vous travaillez avec Rstudio > 1.3.

Les tutoriels!