

A photograph of a modern building with a glass facade, partially obscured by a semi-transparent white rectangle. The sky is blue with a few white clouds. The building has a mix of white brick and glass panels.

# Installation de packages

Vincent Guillemot  
Mercredi

vincent Guillemot

MICS

# Installation de *packages* avec Fripouille



## Installation de *packages* avec Fripouille

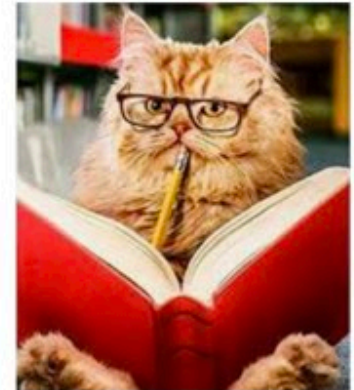


# Installation de *packages* avec Fripouille

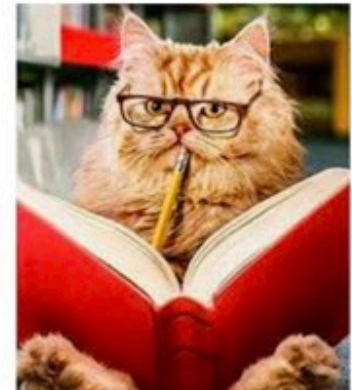




# Installation de *packages* avec Fripouille



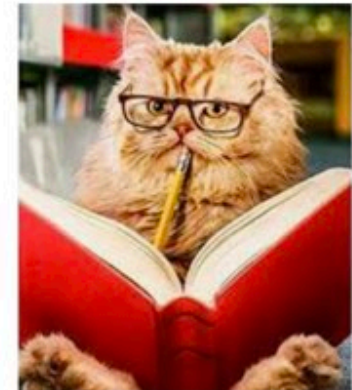
# Installation de *packages* avec Fripouille



# Installation de *packages* avec Fripouille



`install.packages("dog")`

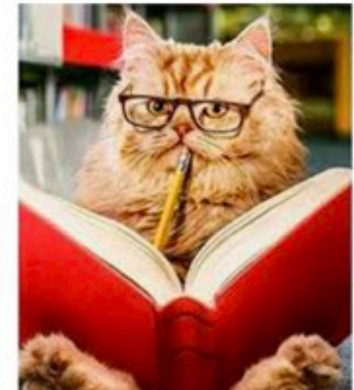




# Installation de *packages* avec Fripouille



`install.packages("dog")`

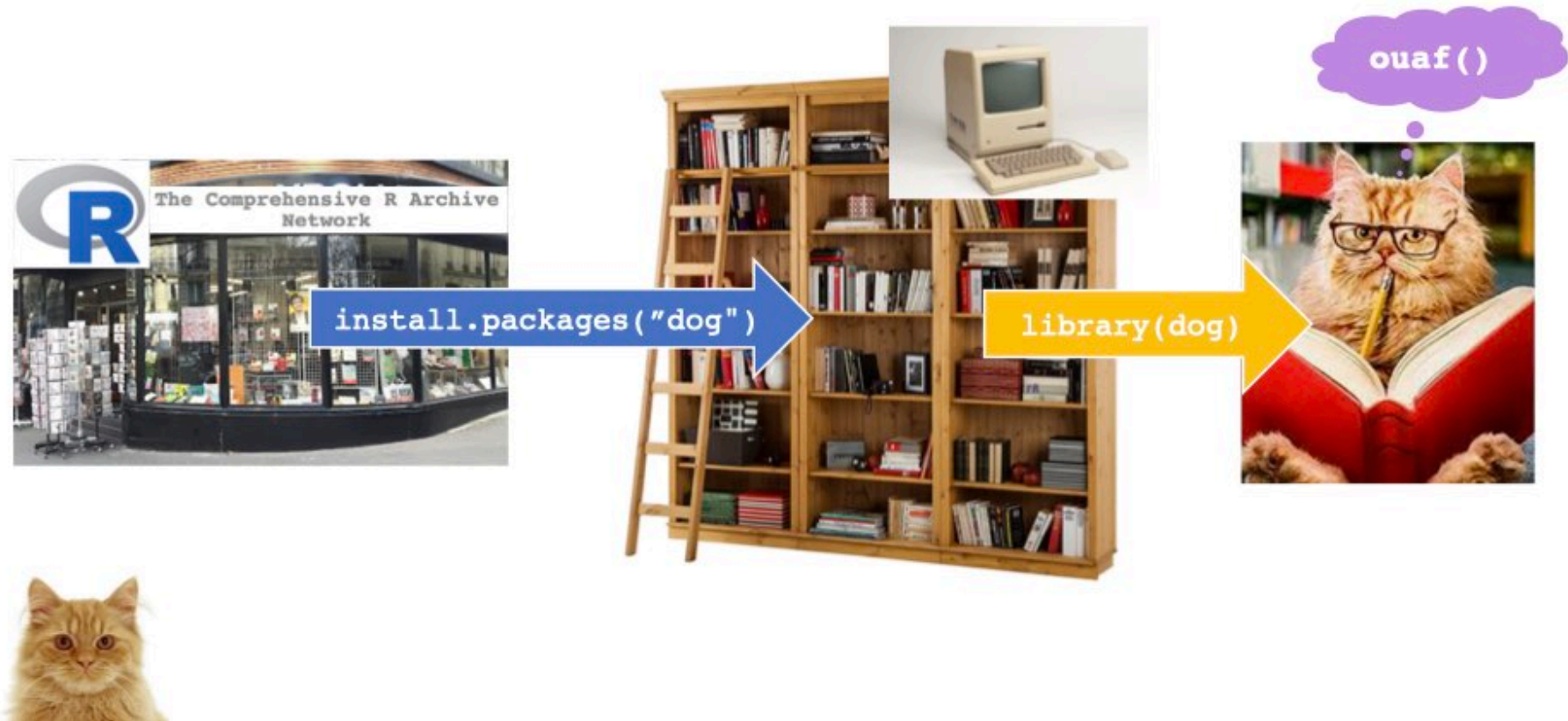




# Installation de *packages* avec Fripouille



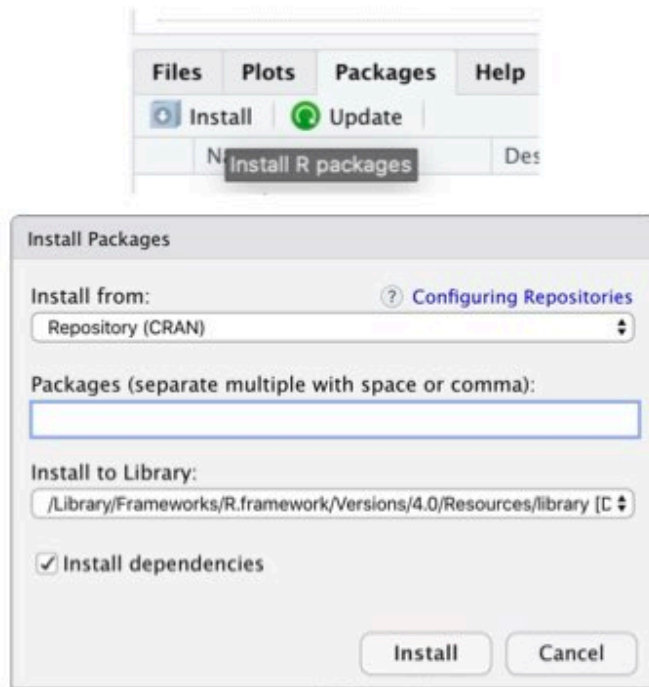
# Installation de *packages* avec Fripouille



# Je ne me souviens plus des commandes !

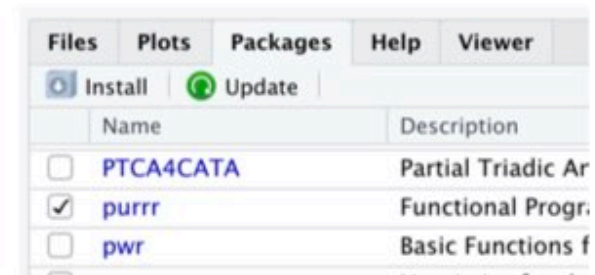


Installation : une seule fois\*



\*sauf quand on doit le faire à nouveau

Chargement : souvent !



```
> laFonctionQueJeVoulaisUtiliser(42)
```

# Comment installer des packages depuis...

- Bioconductor ?
  1. Installer le package `BiocManager` depuis le CRAN
  2. Exécuter la commande `BiocManager::install("le_nom_du_package")`
- GitHub ?
  1. Installer `remotes`
  2. Exécuter la commande `remotes::install_github("username/repository")`.
- Du code source ?
  1. Mettre le `source.tar.gz` dans son dossier de travail...
  2. ou l'inverse.
  3. Exécuter la commande `install.package("source.tar.gz", repos = NULL, type = "source")`.



Exercices

# Installez le package du cours

Dans le cadre de ce cours, j'ai créé un package R contenant :

- les slides (html et pdf)
- les données fruits (csv, xlsx, et RData)
- les données nutriwi (csv, xlsx, et RData)
- des tutoriels interactifs (html)

Installez ce package avec la commande

```
remotes::install_github("vguillemot/intro2r")
```

# Explorez la documentation du package

1. Chargez le package : `library(intro2r)`
2. Regardez l'aide "générale" du package : `?intro2r-package`
3. Regardez l'aide des données : `?fruits`
4. Exécutez la commande `bonjour()`

Ils sont disponibles dans un onglet spécial de Rstudio si vous travaillez avec Rstudio > 1.3.

# Les tutoriels !



# Bonus: la magie de pak

1. Installer pak
2. **pak** a accès au CRAN, à Bioconductor et à GitHub...
3. Avec une syntaxe facile et des sorties faciles à interpréter !
4. Mais il faut l'installer d'abord : `install.packages("pak")`
5. Installation "classique" : `pak::pak("ggplot2")`
6. Installation "GitHub" : `pak::pak("vguillemot/intro2r")`

# Résultat

```
> pak::pak("vguillemot/intro2r")
```

```
→ Will install 1 package.  
→ The package (0 B) is cached.  
+ intro2r 0.2.1 🧑🔧 (GitHub: deff5d4)  
i No downloads are needed, 1 pkg is cached  
✓ Got intro2r 0.2.1 (source) (42.37 MB)  
i Packaging intro2r 0.2.1  
✓ Packaged intro2r 0.2.1 (10.9s)  
i Building intro2r 0.2.1  
✓ Built intro2r 0.2.1 (1.7s)  
✓ Installed intro2r 0.2.1 (github::vguillemot/intro2r@deff5d4) (32ms)  
✓ 1 pkg: added 1, dld 1 (NA B) [19.2s]
```